# MFarberMarisa Diana Farber

Fecha de Nacimiento: 29 de Julio 1966 Nacionalidad: Argentina

E-mail: [farber.marisa@inta.gob.ar](mailto:farber.marisa@inta.gob.ar) [/](mailto:/marisafarber@gmail.com) [marisafarber@gmail.com](mailto:marisafarber@gmail.com)

Móvil: +54 9 11 5691-7929

<http://inta.gob.ar/personas/farber.marisa/> [http://www.conicet.gov.ar/new\_scp/detalle.php?keywords=&id=19410&datos\_academicos=yes](http://www.conicet.gov.ar/new_scp/detalle.php?keywords&id=19410&datos_academicos=yes)

# EXPERIENCIA LABORAL

*Julio 2001 a la fecha*- Investigadora Senior del Instituto de Biotecnología, CICVyA- Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA), Buenos Aires, Argentina. Miembro de la carrera de Investigador Científico (Investigadora Independiente) – Consejo Nacional de Investigación Científica y Tecnológica (CONICET)

Area de Trabajo: Microbiología Molecular Veterinaria, Genómica y Bioinformática.

*Julio 2006 a la fecha* – INTA Coordinadora de Proyectos de Genómica y Bioinformática aplicados al Area Agropecuaria.

*Abril 2016 a la fecha* – Profesora (part time) de Microbiología, Inst. de Biotecnología, Universidad Nacional de Hurlingham, Buenos Aires, Argentina.

*Agosto 2019 a la fecha* – INTA Miembro del grupo de coordinación y gestión del Proyecto “Prospectiva y Observatorios Tecnológicos”

*Marzo 2018- Noviembre 2019* – CONICET Coordinadora de la Comisión Asesora para Informes, Promociones y Proyectos de Veterinaria.

# TÍTULOS

**Bioquímica** - Facultad de Bioquímica y Ciencias Biológicas - Universidad Nacional del Litoral. Marzo de 1991

**Doctor de la Universidad de Buenos Aires**, área CienciasQuímicas- Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad de Buenos Aires. Mayo de 1996.

# IDIOMAS

Español (Lengua Madre); Inglés (Proficient user)

# PREMIOS Y/O DISTINCIONES

**-** Beca “Visiting Scientist” en el Departmento de Ciencias Veterinarias de la Universidad de Turín, Italia. of Veterinary Sciences of the University of Turin, en el marco del programa internacional I@UNITO Program. Proyecto desarrollado: “Development of a ‘metagenomic toolkit’ for the surveillance of tick-borne diseases”. (Abril-Mayo 2017).

-Academic Visitor at Department of Zoology, University of Oxford (February – March

2017), in the framework of “Implementing arrangement between the ministry of Science, Technology and Productive Innovation of the Argentine Republic and the European Commission for providing research opportunities in Europe for argentine Researchers”. Proyecto: “Immune-Driven Pathogen Evolution analysis: a crucial tool for infectious diseases control”.

-Fulbright Visiting Scholar Program 2002-2003.

-ASM (American Society for Microbiology) International Fellowship 2003.

# PASANTIAS

- Visiting Scientist, Department of Veterinary Sciences, University of Turin, Italy, April 15th to May 17th.

-Visiting Scientist en el grupo de Eukaryotic Genomics del J. Craig Venter Institute, Rockville, MD, USA. Período 17 de setiembre al 12 de octubre de 2011.

-Unité de Genetique Mycobacterienne, Institute Pasteur, Paris, Francia, Noviembre 2004. Programa Ecos-Sud.

-Department of Veterinary Microbiology and Pathology, Washington State University, Pullman, WA. Período: 1de febrero al 31 de julio de 2003 (Fulbright Visiting Scholar Program, ASM International Fellowship).

-Jules Stein Eye Institute, UCLA School of Medicine, USA. Período: del 5 al 26 de abril de 1993. (Ad Honorem).

# PROYECTOS DE DESARROLLO TECNOLÓGICO

-Asesora científico-tecnológica de la Unidad de Genómica (UGB) del Instituto de Biotecnología-IABIMO(CONICET), nodo de la Plataforma de Genómica consorcio CATG. *Las actividades incluyen la estructuración y supervisión de algoritmos bioinformáticos para el análisis de la calidad de todos los resultados de secuenciación de alto rendimiento (SAR) emitidos por el laboratorio, asesoramiento y análisis de datos genómicos para servicios solicitados a la UGB y la realización de talleres, cursos y pasantías de formación para estudiantes de post-grado e investigadores a nivel nacional e internacional.*

- Producción de bienes intensivos en conocimiento: Responsable del equipo desarrollador de **ICAR- detection kit** ( Development of a rapid and simple direct multiplex-PCR from fecal swabs for detecting blaKPC and blaOXA gene). *Seleccionado para el catálogo INNOVAR 2016. Cooperación técnica INTA-CEMIC.*

-Investigador integrante del PICT Startup 2018 “Desarrollo de Servicio Biotecnológico para el Estudio del Microbioma en el Viñedo y el Vino”, Investigador Responsable Dra. Laura Mercado (EEA-Mendoza). *Función: diseño y análisis de los estudios de metagenómica del suelo y de la fermentación del vino, para la puesta a punto de servicios tecnológicos para el sector vitivinícola.*

# PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN (Investigador Principal)

* INTA 2019-PD-E5-I106-0 ”Estudios metagenómicos en animales y medio ambiente

para modular la microbiota, desarrollar probióticos y mitigar el impacto ambiental de la producción pecuaria” Vigente

* PICT-2018-02871 “Microbioma de la garrapata Rhipicephalus microplus: evaluación de su rol como modulador de la transmisión de patógenos” Vigente
* PICT-2016-4719 Cooperación Internacional, CABBIO “Estudios transcriptómicos para la caracterización del efecto de inhibidores de transportadores ABC sobre la garrapata común del bovino y los patógenos que transmite”. Investigador Responsable. 2016-2019
* PICT-2011-0932 “Analisis de Transmisibilidad y Diversidad Genotipica de Hemoparasitos en Bovinos y Garrapatas Ixodidae de da Region del NEA” Investigador Responsable. 2013-2015
* PIP 11220120100577CO Modelos epidemiológicos aplicados a la transmisión de enfermedades en Argentina. Investigador responsable grupo Hemoparásitos. 2014-2017.

**-**INTA: Coordinadora del Proyecto Específico “Bioinformática y Estadística Genómica” del Programa Nacional de Biotecnología. Inicio Mayo 2013 (duración 6 años).

* Programa de Cooperación Bilateral Nivel II (PCB II) CONICET/CNPq. “UFRGS, UENF e INTA: investigación y formación de recursos humanos en el área de genómica de artrópodos”. Otorgado en octubre 2014 (duración 2 años). Coordinadora por Argentina.

-PICT 2012 -0454- CAMEB (Cooperación con México) Nuevas tecnologías para el diagnóstico múltiple de hemoparásitos de importancia veterinaria en bovinos y vectores transmisores. (Grupo colaborador)

* PPL-2011- /0004 Consorcio Argentino de Tecnología Genómica (CATG). Investigador integrante del nodo INTA.

-INTA: Coordinadora del Proyecto Específico “Análisis bioinformático, estadístico y evolutivo de datos biológicos provenientes de proyectos genómicos de interés garopecuario” del Area estratégica de Biología Molecular, Bioinformática y Genética de Avanzada. Inicio Julio 2009 (duración 3 años).

-Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica, Proyecto de Investigación Científica y Tecnológico Nº1634 "Caracterización de la diversidad genotípíca de los hemoparásitos bovinos Babesia bovis, Babesia bigemina y Anaplasma marginale en el noreste argentino" presentado a la Convocatoria PICT 2006, aprobado por Resolución ANPCYT Nº 230/07. Inicio Marzo 2008.

-INTA: Coordinadora del Proyecto Específico “Diseño y adaptación de software bioestadístico para el procesamiento y almacenamiento de datos biológicos” del Area estratégica de Biología Molecular, Bioinformática y Genética de Avanzada. Inicio Junio 2006 (duración 3 años).

-Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica, PICTO INTA 2002, aprobado por Resolución ANPCYT Nº 118 de fecha 14 de noviembre de 2003 “EPIDEMIOLOGIA MOLECULAR DE LA BABESIOSIS Y ANAPLASMOSIS BOVINA (TRISTEZA BOVINA) EN ARGENTINA ".

Inicio Mayo 2004 (duración 3 años).

-FP6-2002-INCO-DEV-1, European Comission, Research Directorate. " Epidemiology and new generation vaccines for *Ehrlichia* and *Anaplasma* infections of ruminants". Fecha de inicio: 2005 (duración 3 años).

-INCO Contract, ICA4-1999-30146 European Comission, Research Directo “Integrated diagnostic and recombinant vaccine development for cowdriosis and anaplasmosis”. Fecha de inicio:03/2001 Finalización:03/2004.Unidad sede del Proyecto: EEA- Rafaela, Inst. de Biotecnología

* INCO Contract ICA 4-CT-2000-30032 European Comission, Research Directorate "Development of recombinant BCG multivaccine and complementary diagnostic for predominant Parasitic and Epizootic diseases of ruminants in Latin America”. Fecha de inicio:10/2000 Finalización:10/2004. Unidad sede del Proyecto: Inst. de Biotecnología.
* IFS (International Foundation for Science - Suecia) “*Brucella abortus* as an expression vector for *Anaplasma marginale* and *Babesia bovis* antigens”. Fecha de inicio: 05/2001 Finalización: 05/2002. Unidad sede del Proyecto: Int. de Biotecnología

# FORMACION DE RECURSOS HUMANOS

***(5 tesis doctorales dirigidas y 5 en curso)***

# EVALUACIÓN DE PERSONAL CYT Y JURADO DE TESIS Y/O PREMIOS

* Jurado de concurso para docentes del Instituto de Biotecnología: -Presidente del jurado para 2 cargos del Campo de formación básica en Ciencia y Tecnología. -Jurado para 4 cargos de Profesores Ordinarios para el Campo de Formación Específica en Tecnología de los alimentos del Instituto de Biotecnología (2018-2019).
* Coordinadora de la Comisión Asesora de Informes, Promociones y Proyectos de la Comisión de Veterinaria, CONICET (2018-2019).
* Miembro del Jurado para el Premio Estimulo y Subsidios para Investigadores Jóvenes CEMIC 2015 (Abril 2015).

-Miembro de la Comisión de Evaluación de Becas de CONICET (Veterinaria), 2012-2013.

-Jurado de tesis de Licenciatura y Doctorado. Fac. de Ciencias Exactas y Naturales, UBA (2 tesis de Licenciatura, 3 tesis de doctorado), Fac de Ciencias Exactas UNLP (1 tesis de doctorado).

* Jurado de tesis de doctorado, Universidad de Pretoria, Sud Africa (1 tesis doctoral).

-Jurado de tesis de Licenciatura, Facultad de Ingeniería (Lic. En Bioinformatica), UNER.

-Miembro de tribunal de tesis de doctorado Fac. de Cs. Químicas, UNC.

-Jurado de la Tesis de Maestría en Microbiología Molecular. Universidad Nacional de San Martín.

-Evaluación de un proyecto del Area de "Salud Animal", dentro del marco del Programa de Desarrollo Tecnológico, Dirección de Innovación, Ciencia y Tecnología para el Desarrollo del Uruguay.

-Evaluador de proyectos de PICT, incorporado al Banco de evaluadores del FONCyT.

-Evaluador becas Fulbright de Investigación, área de Ciencias Naturales.

# ORGANIZACION DE EVENTOS CIENTIFICO-TECNOLOGICOS

Organizadora y docente del Curso Internacional “Applications of Next-Generation Sequencing to the study of Emerging and Neglected human and animal diseases” Con la partipación de Profesores de la Universidad de Oxford (UK) y la Universidad de San Pablo (USP, Brasil). financiado por el

programa de Biotecnología de la Universidad de las Naciones Unidas (UNU-Biolac), Sistema Nacional de Datos Genómicos, INTA, CONICET. (Marzo 2020).

Organizadora del Curso Internacional “APPLICATIONS OF NEXT-GENERATION SEQUENCING TO THE METAGENOMICS OF BIOENERGY PRODUCTION”, financiado por

UNU-Biolac, Sistema Nacional de Datos Genómicos, INTA, CONICET. (Noviembre 2017)

* Docente del primer “Curso de Entrenamiento en Técnicas Moleculares para la

Identificación de Patógenos” y disertante del segundo simposio de “Detección molecular de patógenos” del 28 de setiembre al 1 de octubre de 2015, Facultad Ciencias Naturales, Universidad Autónoma de Querétaro, Mexico.

* Organizadora y docente del curso-taller: Aplicación del método de Hibridación Reversa en Línea (Reverse Line Blot Hybridization –RLBH-), en conjunto com el Dr. Renato Andreotti de Embrapa Gado de Corte – Brasil y el Dr. Alexandre Leitao de La Universidade Técnica de Lisboa. Del 15 a 19 de abril de 2013, en EMBRAPA – Gado de Corte, Campo Grande, Mato Grosso do Sul, Brasil.
* Organizadora y coordinadora del Curso-Taller “Advanced genomics workshop in the NGS era:Bioinformatics tools for genome analysis and annotation”, con la participación de la Dra. Elisabet Caler y el Dr. Hernán Lorenzi del J. Craig. Venter Insitute (USA). Se llevó a cabo del 10 al 14 de setiembre de 2012, de 8,30 a 18 hs, en el auditorio del CICVyA, INTA-Castelar. Los participantes provenían de diferentes Institutos y Estaciones Experimentales de INTA y también de Instituciones tanto públicas como privadas (20 participantes)

Miembro del comité organizador del “6th Ticks and Tick-borne pathogens International Conference”, Buenos Aires, Setiembre 2008.

# GESTIÓN EDITORIAL Y EVALUACIÓN DE TRABAJOS EN REVISTAS CyT

-Revisor de artículos para las revistas: Nucleic Acid Research (Reino Unido); BMC Genomics (BioMed Central, Reino Unido); Infection, Genetics and Evolution (Elsevier); PLOS Computational Biology.

# OTRAS ACTIVIDADES DE CIENCIA Y TÉCNICA

* Participación en redes temáticas: Gap analysis workshop on Heartwater to be held October 9-11, 2018 at the Caribbean Research Center for Vector-Borne Diseases (CRVC), Guadeloupe (French West Indies). Organizado por The United States Deprtment of Agriculture (USDA), Caribbean Animal Health Network (CaribVET), French Agricultural Research Centre for International Development (CIRAD)
* Miembro de la red **CARIBVET** <https://www.caribvet.net/about-the-network/>
* Libro “La producción y gestión del conocimiento científico y tecnológico en el Centro Nacional de Investigaciones Agropecuarias: una experiencia prospectiva”. 2017 INTA Ediciones ISBN 978-987- 521-845-1. Contribución al equipo redactor.

-Profesora invitada al curso CABBIO “Curso de vacinología reversa: clonagem, expressao e avaliacao de antígenos recombinantes" en sus 5 ediciones año 2010; 2012, 2014, 2016 y 2018. Universidad Federal de Pelotas. El curso se dicta para estudiantes de doctorado de Argentina, Uruguay, Brasil y Colombia (12 en total).

-Integrante del grupo organizador del SEMINARIO-TALLER “Producción de conocimientos e innovación: orientaciones conceptuales, gestión y rol del centros de investigación del INTA”, CICVyA , ciclo 2015-2016.

* Experto invitado como disertante y entrenador de los participantes al “Diagnostic training and capacity development workshop on Tick-borne diseases and ticks resistance” de la red CariVet, de laboratorios de diagnóstico veterinario en las Antillas Menores (Caribe). Los participantes eran profesionales con funciones de diagnósticos en los organismos de control de sus respectivos países**.** Organizado por INRA-CIRAD « Contrôle des Maladies Animales Exotiques et Emergentes » Guadeloupe (Antillas Menores, Francia). (Octubre 2016)

-Disertante en el curso “Epidemiología , diagnóstico y control de la babesiosis, anaplasmosis y vectores ” curso Internacional del CEBASEV (Centro Buenos Aires para la capacitación de los servicios veterinarios) (julio 2015).

# Publicaciones Científicas (últimos 10 años)

* Tomassone L, Nuñez P, Ceballos LA, Gürtler RE, Kitron U, Farber M.. [Detection of "Candidatus](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/20186466) [Rickettsia sp. strain Argentina"and Rickettsia bellii in Amblyomma ticks (Acari: Ixodidae) from](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/20186466) [Northern Argentina.](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/20186466) Exp Appl Acarol. 2010 Feb 26.
* Nuñez PA, Soria M, Farber MD. The Twin-arginine Translocation Pathway in α-proteobacteria is Functionally Preserved Irrespective of Genomic and Regulatory Divergence. PlosOne, 2012;7(3):e33605.
* Guillemi E. , Ruybal P., Lia V., González S, Farber M, Wilkowsky SE.Multi-locus typing scheme for Babesia bovis and Babesia bigemina reveals high levels of genetic variability in strains from Northern Argentina. Infection, Genetics and Evolution 14 (2013) 214–222.
* Redondo LM, Farber M, Venzano A, Jost BH, Parma YR, Fernandez-Miyakawa ME, Sudden death syndrome in adult cows associated with *Clostridium perfringens* type E, *Anaerobe* (2013), doi: 10.1016/j.anaerobe.2013.01.001.
* Nuñez PA, Romero H, Farber MD, Rocha EP. [Natural selection for operons depends on genome](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/24201372) [size.](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/24201372) Genome Biol Evol. 2013;5(11):2242-54.
* Nuñez PA, Moretta R, Ruybal P, Wilkowsky S, Farber MD.[Immunogenicity of hypothetical highly](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/24126603) [conserved proteins as novel antigens in Anaplasma marginale.](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/24126603) Curr Microbiol. 2014 Mar;68(3):269- 77.
* Jackson AP, Otto TD, Darby A, Ramaprasad A, Xia D, Echaide IE, Farber M, Gahlot S, Gamble J, Gupta D, Gupta Y, Jackson L, Malandrin L, Malas TB, Moussa E, Nair M, Reid AJ, Sanders M, Sharma J, Tracey A, Quail MA, Weir W, Wastling JM, Hall N, Willadsen P, Lingelbach K, Shiels B, Tait A, Berriman M, Allred DR, Pain A. [The evolutionary dynamics of variant antigen genes in](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/24799432) [Babesia reveal a history of genomic innovation underlying host-parasite interaction.](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/24799432) Nucleic Acids Res. 2014 Jun;42(11):7113-31

-Braicovich P, Lanfranchi A, Farber M, Marvaldi A, Luque J, Timi J. Genetic and morphological evidence reveals the existence of a new family, genus and species of Echinorhynchida (Acanthocephala). Folia Parasitol (Praha). 2014 Aug;61(4):377-84.

* C. Thompson, M.E. Baravalle, B. Valentini, A. Mangold, S. Torioni de Echaide, P. Ruybal, M. Farber, I. Echaide. Typification of virulent and low virulence Babesia bigemina clones by 18SrRNA and rap-1c. Exp Parasitol. 2014 Jun;141:98-105. doi: 10.1016/j.exppara.2014.03.016
* Moretta R, Petrigh R, Ruybal P, Mesplet M, Wilkowsky SE, Meikle V, de Echaide ST, Garbossa G, Farber MD.[The dynamics of erythrocyte infection in bovine anaplasmosis: A flow cytometry-](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/25219763) [based analysis.](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/25219763) J Microbiol Methods. 2014 Sep 16;107C:47-54.
* Guillemi EC, Ruybal P, Lia V, Gonzalez S, Lew S, Zimmer P, Lopez Arias L, Rodriguez JL, Rodriguez SY, Frutos R, Wilkowsky SE, Farber MD. Development of a multilocus sequence typing scheme for the study of Anaplasma marginale population structure over space and time. Infect Genet Evol. 2015 Mar;30:186-94.
* Amadio AF, Amigo N, Puebla AF, Farber MD, Cataldi AA. Draft Genome Sequences of Escherichia coli O157:H7 Strains Rafaela\_II (Clade 8) and 7.1\_Anguil (Clade 6) from Cattle in Argentina. Genome Announc. 2015 Jun 11;3(3). pii: e00617-15.
* Guillemi EC, Tomassone L, Farber MD. Tick-borne rickettsiales: molecular tools for the study of an emergent group of pathogens. Journal of Microbiological Methods. 2015. 119:87-97.
* Pujadas J M., Farber M, Pointier JP, Giudici C, Wisnivesky C, Prepelitchi L. New record for Galba neotropica (d'Orbigny, 1835) in Argentina, with a detailed analysis of its morphology and molecular characteristics, Molluscan Research, DOI: 10.1080/13235818.2015.1044925. 2015

-La Sala LF, Redondo LM, Díaz Carrasco JM, Pereyra AM, Farber M, Jost H, Fernández-Miyakawa ME. Carriage of Clostridium perfringens by benthic crabs in a sewage-polluted estuary. Mar Pollut Bull. 2015 Aug 15;97(1-2):365-72. doi: 10.1016/j.marpolbul.2015.05.066.

* Tomassone, L, Guillemi EC, Farber MD. Desarrollo de un método para el diagnóstico molecular de enfermedades transmitidas por garrapatas. RAZyEIE 2015 Diciembre; 10(3): 8-14
* Guillemi EC, de la Fourniere S, Orozco M, Peña Martinez J, Correa E, Fernandez J, Lopez Arias L, Paoletta M, Corona B, Pinarello V, Wilkowsky SE, Farber MD. Molecular identification of Anaplasma marginale in two authocthonous South American wild species revealed an identical new genotype and its phylogenetic relationship with those of bovines. Parasit Vectors. 2016 May 26;9(1):305.
* Mannino MC, Rivarola M; Scannapieco AC.; González E; Farber M.; Cladera JL.; Lanzavecchia SB. Transcriptome profiling of Diachasmimorpha longicaudata towards useful molecular tools for population management. Accepted for publications in BMC Genomics with minor revision (GICS- D-15 Evidence of Ehrlichia chaffeensis in Argentina through molecular detection in marsh deer (Blastocerus dichotomus). Guillemi EC, Orozco MM, Argibay HD, Farber MD. Int J Parasitol Parasites Wildl. 2018 Dec 17;8:45-49.

-Irigoitia MM, Braicovich PE, Farber MD, Timi JT. Morphological and molecular ev idence for a new species of PseudanisakisLayman & Borov kov a, 1926 (Nematoda:Ascaridida), parasitizing

Rajiformes in southern Southwest Atlantic waters. Parasitol Res. 2017 May 18. doi: 10.1007/s00436- 017-5482-2.

* Paoletta MS, López Arias L, de la Fournière S, Guillemi EC, Luciani C, Sarmiento NF, Mosqueda J, Farber MD, Wilkowsky SE. [Epidemiology of Babesia, Anaplasma and Trypanosoma species using](https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/28882512) [a new expanded reverse line blot hybridization assay.](https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/28882512) Ticks and Tick-borne Diseases.Berlin: Elsevier GmbH. 2018 vol.9 n°2. p155 - 163. issn 1877-959X. eissn 1877-9603
* López, M.G.; Pallarés, H.M.; Alfonso, V.; Carmona, S.J.; Farber, M.; Taboga, O.; Wilkowsky, S.E.. Novel biotechnological platform based on baculovirus occlusion bodies carrying Babesia bovis small antigenic peptides for the design of a diagnostic enzyme-linked immunosorbent assay (ELISA). Applied Microbiology And Biotechnology.: Springer. 2018 vol.102 n°2. p885 - 896. issn 0175-7598.
* Jaramillo Ortiz, José; Montenegro, Valeria; De La Fournière, Sofía; Sarmiento, Néstor; Farber,Marisa; Wilkowsky, Silvina. Development of an Indirect ELISA Based on a Recombinant Chimeric Protein for the Detection of Antibodies against Bovine Babesiosis. Veterinary Sciences.Basel: MDPI. 2018 vol.5 n°1. p - . . eissn 2306-7381.
* Irigoitia, Manuel Marcial; Braicovich, Paola Elizabeth; Lanfranchi, Ana Laura; Farber, Marisa Diana; Timi, Juan Tomás. Distribution of anisakid nematodes parasitizing rajiform skates under commercial exploitation in the Southwestern Atlantic. INTERNATIONAL JOURNAL OF FOOD MICROBIOLOGY.Null: Elsevier Science Bv. 2018 vol.267 n°. p20 - 28. issn 0168-1605.
* López Arias, Ludmila; Guillemi, Eliana; Bordoni, Noemí; Farber, Marisa; Garbossa, Graciela.Development of a PCR assay for identification of Neobalantidium coli in Argentina. Veterinary Parasitology: Regional Studies and Reports.: ELSEVIER. 2017 vol.10 n°. p114 - 118. issn 2405-9390.
* Guizzo, Melina Garcia; Parizi, Luís Fernando; Nunes, Rodrigo Dutra; Schama, Renata; Albano, Rodolpho M.; Tirloni, Lucas; Oldiges, Daiane Patrícia; Vieira, Ricardo Pilz; Oliveira, Wanderson Henrique Cruz; Leite, Milane De Souza; Gonzales, Sergio A.; Farber, Marisa; Martins, Orlando;Vaz, Itabajara Da Silva; Oliveira, Pedro L.. A Coxiella mutualist symbiont is essential to the development of Rhipicephalus microplus. Scientific Reports.Londres: Nature Publishing Group. 2017 vol.7 n°1. p

- . . eissn 2045-2322.

* Díaz Carrasco, Juan María; Cabral, Claudio; Redondo, Leandro Martín; Pin Viso, Natalia Daniela; Colombatto, Darío; Farber, Marisa Diana; Fernández Miyakawa, Mariano Enrique. Impact of Chestnut and Quebracho Tannins on Rumen Microbiota of Bovines. BioMed Research International.El Cairo: Hindawi Limited. 2017 vol.2017 n°. p - . issn 2314-6133. eissn 2314-6141
* Díaz Carrasco JM, Redondo EA, Pin Viso ND, Redondo LM, Farber MD, Fernández Miyakawa ME. Tannins and Bacitracin Differentially Modulate Gut Microbiota of Broiler Chickens. Biomed Res Int. 2018 Feb 21;2018:1879168. doi: 10.1155/2018/1879168. eCollection 2018. PMID: 29682522.

-Javier Rodriguez Hernaez; Maria Esperanza Ceron Cucchi; Silvio Cravero; Maria Carolina Martinez; Sergio Gonzalez; Andrea Puebla; Joaquin Dopazo; Marisa Farber; Norma Paniego; Maximo Rivarola. The first complete genomic structure of Butyrivibrio fibrisolvens and its Chromid

. Microb Genom. 2018 Oct;4(10). doi: 10.1099/mgen.0.000216.

* Lanfranchi AL, Braicovich PE, Cantatore DMP, Irigoitia MM, Farber MD, Taglioretti V, Timi JT. Influence of confluent marine currents in an ecotonal region of the South-West Atlantic on the distribution of larval anisakids (Nematoda: Anisakidae). Parasit Vectors. 2018 Nov 8;11(1):583.
* Evidence of Ehrlichia chaffeensis in Argentina through molecular detection in marsh deer (Blastocerus dichotomus). Guillemi EC, Orozco MM, Argibay HD, Farber MD. Int J Parasitol Parasites Wildl. 2018 Dec 17;8:45-49.
* Xavier MA, Tirloni L, Pinto AFM, Diedrich JK, Yates JR 3rd, Gonzales S, Farber M, da Silva Vaz I Junior, Termignoni C. Tick gené's organ engagement in lipid metabolism revealed by a combined transcriptomic and proteomic approach. Ticks Tick Borne Dis. 2019 Mar 20.
* Armitano RI, Guillemi E, Escalada V, Govedic F, Lopez JL, Farber M, Borras P, Prieto M. Spotted fever in Argentina. Description of two clinical cases. Rev Argent Microbiol. 2019 Mar 27.
* Marcelino, I, Chavez A, Gharbi M, Farber M, Holzmuller P, Martinez D, Vachiéry N. Book title: “Veterinary Vaccines for Livestock”, Chapter 6: Protozoan and rickettsial vaccines(all authors contributed equally to this chapter). 1st edition of the FAO book “Veterinary vaccines for Livestock”. En prensa 2019.
* Pavanelo DB, Schröder NCH, Pin Viso ND, Martins LA, Malossi CD, Galletti MFBM, Labruna MB, Daffre S, Farber M, Fogaça AC[. Comparative analysis of the midgut microbiota of two natural](https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/31904432/) [tick vectors of Rickettsia rickettsii.](https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/31904432/) Dev Comp Immunol. 2020 May;106:103606. doi: 10.1016/j.dci.2019.103606

-Orozco MM, Argibay HD, Minatel L, Guillemi EC, Berra Y, Schapira A, Di Nucci D, Marcos A, Lois F, Falzone M, Farber MD. A participatory surveillance of marsh deer (Blastocerus dichotomus) morbidity and mortality in Argentina: first results..BMC Vet Res. 2020 Sep 1;16(1):321. doi: 10.1186/s12917-020-02533-x.

* Guillemi EC, Imbert M, de la Fournière S, Orozco MM, Peña Martinez J, Rosas AC, Montenegro VN, Farber MD. [Closing the Gaps to Understand the Tick Transmission of Anaplasma](https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/33317119/)

[marginale among Giant Anteaters (Myrmecophaga tridactyla) in Argentina.](https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/33317119/) Pathogens. 2020 Dec 9;9(12):1033. doi: 10.3390/pathogens9121033.

* Pin Viso N, Redondo E, Díaz Carrasco JM, Redondo L, Sabio Y Garcia J, Fernández Miyakawa M, Farber MD. [Geography as non-genetic modulation factor of chicken cecal microbiota.](https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/33406150/) PLoS One. 2021 Jan 6;16(1):e0244724. doi: 10.1371/journal.pone.0244724.