BIOMETRÍA II CLASE 7 REGRESIÓN MÚLTIPLE

Adriana Pérez Depto de Ecología, Genética y Evolución FECN, UBA

Valores de referencia para pruebas de función pulmonar



Continuando con el estudio, en 50 hombres se registró la edad, altura (en cm) y peso (en kg), con el objetivo de estimar la ventilación voluntaria máxima (VVM) (en litros/min)

- VR
- □ VE
- Modelo

Regresión lineal múltiple

- Una única variable respuesta o dependiente (Y) cuantitativa y más de una variable VE, explicativas o independientes (varias X), que pueden ser cuanti o cualitativas
- Sin interacción (efectos aditivos): el efecto de X1 sobre la respuesta media no depende del nivel de X2 y viceversa

$$Y_{i} = \beta_{0} + \beta_{1} x_{1_{i}} + \dots + \beta_{k} X_{k_{i}} + \varepsilon_{i}$$

$$E(Y/X_{1}, \dots X_{k}) = \beta_{0} + \beta_{1} x_{1_{i}} + \dots + \beta_{k} X_{k_{i}}$$

$$\varepsilon_{i} \approx NID(0, \sigma^{2})$$

Pueden agregarse al modelo anterior términos cuadráticos, cúbicos, etc:

$$E(Y/X_1,...X_k) = \beta_0 + \beta_1 x_{1_i} + \beta_2 x_{1_i}^2 + + \beta_k X_{k_i}$$

- β_i son los coeficientes de regresión parcial, ya que indican la influencia (parcial) de cada VE sobre Y_i cuando se mantiene constante la influencia de las otras VE
- $lue{k}$ es la cantidad de VE, por lo tanto la ecuación del modelo posee p parámetros

Múltiples VE

- Lo ideal es que cada una proporcione información "independiente" sobre el comportamiento de Y => modelos sin información redundante, más parsimoniosos
- ☐ Si ello ocurre, se dice que las VE son ortogonales

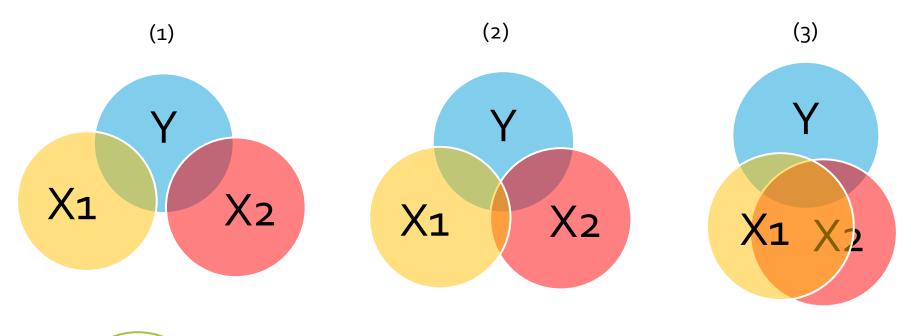
Dos variables VE son ortogonales (independientes) cuando el conocimiento de una no proporciona información sobre la otra, es decir que no están asociadas

- Es habitual en experimentos diseñados pero casi imposible en estudios observacionales
- Si las VE están asociadas linealmente se habla de colinealidad

Dos variables VE son colineales cuando están asociadas linealmente. Si una VE es combinación lineal exacta de otra, la colinealidad es perfecta y la estimación por cuadrados mínimos de los coeficientes β no tiene una solución única

La regresión múltiple busca estimar la contribución independiente de X_1 y X_2 a la variación de Y, es decir, estimar β_1 y β_2 .

- (1) X1 y X2 son independientes, ortogonales. La asociación entre ellas es nula
- (2) X1 y X2 están asociadas débilmente
- (3) X1 y X2 están asociadas fuertemente





Aunque la variación de Y explicada por X1 y X2 es similar a (1), cuanto mayor es la asociación entre X1 y X2 menor es la contribución independiente de cada variable y eventualmente se convierte no significativa

¿Cómo estudiamos asociación entre variables cuantitativas?

- Gráficamente: matrices de diagramas de dispersión
- Analíticamente: Coeficiente de correlación lineal de Pearson ρ
- Mide el grado de asociación lineal entre dos variables aleatorias
- No depende de las unidades de medida de las variables originales
- Toma valores entre [-1,1]. Cuanto más cerca esté de +1 o -1 más fuerte será el grado de relación lineal (siempre que no existan datos anómalos)
- Su signo nos indica si la posible relación es directa o inversa
- Su estimador muestral es:

$$r = \frac{S_{Y_1Y_2}}{S_{Y_1}S_{Y_2}} = \frac{\sum_{i=1}^{n} (y_{i1} - \overline{y}_1)(y_{i2} - \overline{y}_2)}{\sqrt{\sum_{i=1}^{n} (y_{i1} - \overline{y}_1)^2 \sum_{i=1}^{n} (y_{i2} - \overline{y}_2)^2}}$$

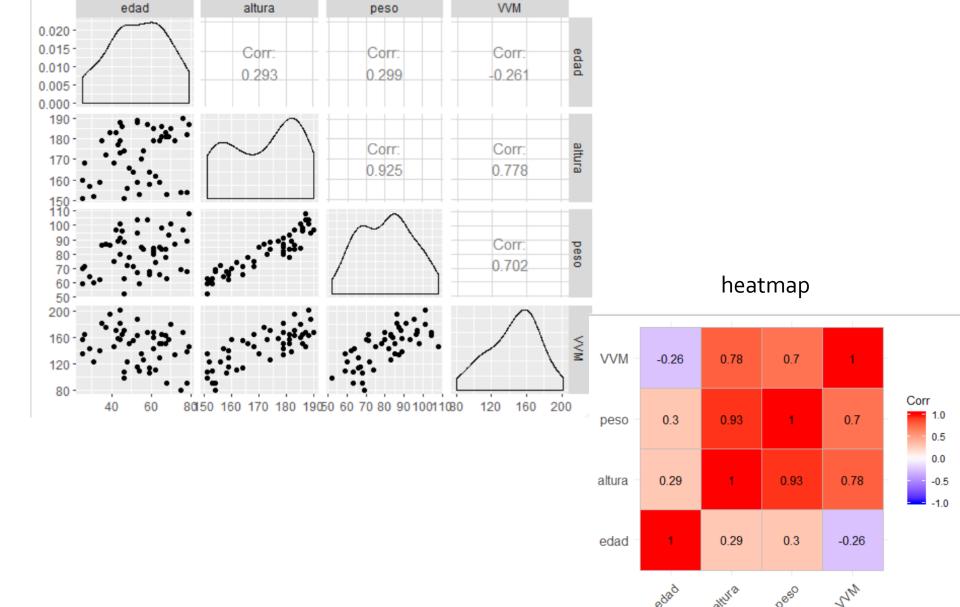
En un experimento diseñado

 Se prueban 4 dosis de un nitrógeno (o, 1o, 2o y 3o mg) y 2 temperaturas (2o y 3o C) en plántulas, y se mide la longitud de la plántula (en cm) al mes de iniciado el tratamiento

Dosis	Temperatura	Longitud
0	20	89
0	20	88
0	30	66
0	30	59
10	20	93
10	20	73
10	30	82
10	30	77
20	20	100
20	20	67
20	30	57
20	30	68
40	20	69
40	20	59
40	30	62
40	30	59

Coeficiente de correlación lineal entre dosis y temperatura r = 0! Las VE son ortogonales

En nuestro estudio observacional



Colinealidad

¿Qué provoca?

- Las estimaciones de los coeficientes tendrán varianzas muy altas (alto EE), es decir que tendrán poca precisión. Eso puede provocar que las PH individuales sean no significativas aunque el modelo global sea significativo o el R² sea alto
- Los coeficientes de regresión pueden presentar signos contrarios a los esperados

 Sin embargo, los estimadores de los valores esperados de la VR seguirán siendo insesgados

$$EE_{\hat{\beta}_j} = \sqrt{\frac{S_e^2}{(1 - R_j^2) \cdot \Sigma (x_i - \overline{x})^2}}$$

Menor EE cuanto mayor es la dispersión de X Se efectúa una regresió

Se efectúa una regresión de X; en función de las restantes VE y se calcula el R². Si las VE son ortogonales, R²; = o

SC secuencial o Tipo I

$$SC_{X_1}$$
 SC_{X_2/X_1} $SC_{X_3/X_1,X_2}$

> anova(m1)

Analysis of Variance Table

Response: VVM

Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
edad 1 2694 2694 23.5461 1.44e-05 ***
altura 1 31678 31678 276.8207 < 2.2e-16 ***
peso 1 3 3 0.0287 0.8662
Residuals 46 5264 114

Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.'

> anova(m2)

Analysis of Variance Table

Response: VVM

Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
edad 1 2694.5 2694.5 23.546 1.440e-05 ***
peso 1 26470.4 26470.4 231.317 < 2.2e-16 ***
altura 1 5210.4 5210.4 45.532 2.179e-08 ***
Residuals 46 5263.9 114.4

Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.'

Obviamente, si las VE son ortogonales, ambas SC coinciden

SC marginal o Tipo III

Anova Table (Type III tests)

 $SC_{X_{1}/X_{2},X_{3}} \ SC_{X_{2}/X_{1},X_{3}} \ SC_{X_{3}/X_{1},X_{2}}$

Response: VVM

```
Sum Sq Df F value Pr(>F)
(Intercept) 2570.5 1 22.4628 2.095e-05 ***
edad 10263.9 1 89.6928 2.229e-12 ***
altura 5210.4 1 45.5323 2.179e-08 ***
peso 3.3 1 0.0287 0.8662
Residuals 5263.9 46
```

Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '

> Anova(m2, type="III")

Anova Table (Type III tests)

Response: VVM

```
Sum Sq Df F value Pr(>F)
(Intercept) 2570.5 1 22.4628 2.095e-05 ***
edad 10263.9 1 89.6928 2.229e-12 ***
peso 3.3 1 0.0287 0.8662
altura 5210.4 1 45.5323 2.179e-08 ***
Residuals 5263.9 46
```

---Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05



Es la que calcula lm

Colinealidad

¿Cómo se detecta? Estudiando la asociación entre VE

- Gráficos de dispersión y coeficientes de correlación para todos los pares posibles de X (pero solo detecta colinealidad de a pares)
- Efectuando una regresión de X_i en función de las restantes VE y calculando R². El proceso se efectúa para todas las VE. Valores cercanos a 1 indican problemas de colinealidad que pueden involucrar a más de una VE
- VIF (factor de inflación de la varianza): mide para cada X el aumento de la varianza del coeficiente de regresión debido a la correlación entre VE

$$VIF_j = \frac{1}{1 - R_j^2}$$
 donde R_j^2 es el R_j^2 que se obtiene al efectuar una RLM con X_j como VD vs las demás X_j

 Toma valores entre 1 e infinito. Valores superiores a 5 indican colinealidad importante

```
> library(car)
> vif(m1)
    edad altura peso
1.100223 6.967441 6.994053
```

12

¿Cómo se resuelve?

- Eliminando variables: aquellas que proporcionan una información que se obtiene de otras variables ya incluidas en el modelo. Pero ojo, eso no significa que no estén asociadas con la VR
- Combinando las VE asociadas en una nueva variable (técnicas multivariadas)
 o en índices

¿Mejor modelo?

```
m1<-lm(VVM~ edad+altura+peso)
m2<-lm(VVM~ edad+peso)
m3<-lm(VVM~ edad+altura)
m4<-lm(VVM~ edad)
m5<-lm(VVM~ altura)</pre>
```

```
      sigma
      R2 R2 R2 ajust df
      AIC

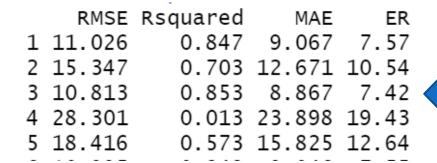
      m1 10.70 0.867
      0.859 5 384.724

      m2 14.93 0.736
      0.725 4 417.127

      m3 10.59 0.867
      0.861 4 382.756

      m4 27.74 0.068
      0.049 3 478.152

      m5 18.04 0.606
      0.598 3 435.108
```



Selección de modelos:

- Error estándar residual: por ajuste
- R2 ajustado: por ajuste y parsimonia
- AIC: por ajuste y parsimonia
- ECMP: por predicción
- Pruebas de hipótesis: para VE y modelos

Pruebas de hipótesis para comparar modelos

Para modelos anidados:

El modelo 2 está anidado en el modelo 1 si todas las VE que se encuentran en el modelo 2 se incluyen en el modelo 1, es decir, el conjunto de VE en el modelo 2 es un subconjunto del conjunto de VE en el modelo 1. Si dos modelos están anidados, el más complejo puede convertirse en el más simple si algunos coeficientes se hacen nulos

Modelo 1
$$Y_i = \beta_o + \beta_1 X_1 + \beta_2 X_2 + \varepsilon_{ijk}$$
 a parámetros
Modelo 2 $Y_i = \beta_o + \beta_1 X_1 + \varepsilon_{ijk}$ b parámetros

b<a, el modelo 1 (más simple, reducido) está anidado en el modelo 2

El criterio para establecer si una o un conjunto de VE deben ser retenidas en un modelo es determinar la significación de la reducción en la SC residual

$$F = \frac{(SCres_2 - SCres_1)/(GL_2 - GL_1)}{SCres_1/GL_1}$$
 anova (modelo1, modelo 2)
odrop1(modelo1, test="F")

¿Mejor modelo?

anova(m2, m3)

```
m1<-lm(VVM~ edad+altura+peso)
m2<-lm(VVM~ edad+peso)
m3<-lm(VVM~ edad+altura)
m4<-lm(VVM~ edad)
m5<-lm(VVM~ altura)</pre>
```

```
Comparando modelos por anova (extra SC)
                                                    RSS: SCresidual
anova(m1, m2)
                                                     Diferencia en la
      Analysis of Variance Table
                                                   cant.de parámetros
                                                      y en la SCres
      Model 1: VVM ~ edad + altura + pesø
      Model 2: VVM ~ edad + peso
        Res.Df
                   RSS Df Sum of Sq
                                               Pr(>F)
                                                                   m<sub>2</sub>
            46 5263.9
                                                            significativamente
            47 10474.4 -1 -5210.4 45.532 2.179e-08 ***
                                                              peor que m1
anova(m1, m5)
     Analysis of Variance Table
      Model 1: VVM ~ edad + altura + peso
      Model 2: VVM ~ altura
       Res.Df RSS Df Sum of Sq F
                                             Pr(>F)
           46 5263.9
           48 15619.9 -2 -10356 45.249 1.366e-11 ***
```

¿Mejor modelo?

```
m1<-lm(VVM~ edad+altura+peso)
m2<-lm(VVM~ edad+peso)
m3<-lm(VVM~ edad+altura)
m4<-lm(VVM~ edad)
m5<-lm(VVM~ altura)</pre>
```

drop1(m1)

Compara por anova (extra SC) el modelo completo (m1) con modelos anidados, eliminando una variable a la vez. Además informa AIC

```
Single term deletions
      Model:
      VVM \sim edad + altura + peso
             Df Sum of Sq
                                     AIC F value Pr(>F)
                              RSS
m1
                           5263.9 240.83
      <none>
             1 10263.9 15527.8 292.92 89.6928 2.229e-12 ***
      edad
m2
      altura 1 5210.4 10474.4 273.23 45.5323 2.179e-08 ***
                           5267.2 238.86
                                         0.0287
m<sub>3</sub>
      peso
                      3.3
                                                    0.8662
```

m2 significativamente
peor que m1; equivale a
las pruebas t del
summary

Inferencia multimodelo

- Burnham et al (2011). AIC model selection and multimodel inference in behavioral ecology. Behavioral Ecology and Sociobiology, 65(1), 23-35
- Se estiman todos los modelos posibles (anidados o no anidados)
- Se rankean según la teoría de la información (AIC)
- No utiliza PH
- Los modelos tienen distinto "peso" basado en la evidencia muestral

Todos los modelos posibles AIC corregido para

muestras pequeñas

```
library(MuMIn)
dredge(lm(vvm~ edad+peso+altura, na.action = "na.fail"))
 Model selection table
   (Intrc) altur edad peso df logLik AICc delta weight
 4 -155.30 2.075 -1.0280
                                4 -187.378 383.6 0.00 0.772
 8 -159.90 2.124 -1.0260 -0.04902 5 -187.362 386.1 2.44
                                                     0.228
    58.70
                -0.9930 1.74300
                                4 -204.563 418.0 34.37 0.000
 2 -150.70 1.727
                                3 -214.554 435.6 51.98 0.000
 6 -174.70 1.988
                -0.25870 4 -214.406 437.7 54.06 0.000
 5 30.86
                        1.42900 3 -220.864 448.3 64.61 0.000
 3 172.40
            -0.5012
                                3 -236.076 478.7 95.03 0.000
 1 145.70
                                2 -237.836 479.9 96.28
                                                       0.000
 Models ranked by AICc(x)
dredge(lm(VVM~ edad*peso*altura, na.action = "na.fail"))
Model selection table
             alt
                    edd
                             pes
                                   alt:edd alt:pes edd:pes alt:edd:pes
4 -155.30 2.075 -1.0280
    -159.90 2.124 -1.0260 -0.04902
12 -152.60 2.058 -1.0780
                                 0.0003013
24 -299.60 2.907 -1.0240 1.96700
                                           -0.01124
40 -164.70 2.123 -0.9351 0.01390
                                                   -0.001166
    -158.70 2.117 -1.0460 -0.04843
                                 0.0001177
```

Tabla 1. Algunas características de la inferencia clásica y multimodelo.

	Inferencia clásica	Inferencia multimodelo
Contraste	Contrasta un estadístico obtenido de los datos muestrales con respecto a una hipótesis "nula" del valor de un parámetro en la población. Informa probabilidad de cometer un error de tipo 1 y de tipo 2.	Contrasta varios modelos anidados y no anidados de manera simultánea. Se intenta evitar el sesgo de "enamorarnos" de una sola hipótesis y ver en los datos información que la sustente, cuando en realidad en muchas situaciones hay más de una hipótesis factible de explicar los patrones observados en los datos.
Valor P y error de tipo 1	Indica la probabilidad de obtener un valor igual o más extremo al estadístico muestral si la hipótesis "nula" es verdadera. El valor P se compara con una probabilidad fijada a priori de cometer un error de tipo 1 (nivel de significancia).	No aplica.
Criterio de información de Akaike (AIC)	No aplica.	Se utiliza para comparar la parsimonia de los distintos modelos planteados. El contraste es relativo; nos indica cuál o cuáles modelos son los que tienen mayor parsimonia. Es deseable, por lo tanto, incorporar en el contraste un
		modelo nulo (sin predictores).
		Otros índices como el AICc, QAIC, cAIC, BIC y DIC se utilizan con fines similares.
r ²	Se utiliza como índice de bondad de ajuste en aquellos casos en los que puede ser calculado, como los modelos lineales generales.	Se utiliza como índice de bondad de ajuste en aquellos casos en los que puede ser calculado, como los modelos lineales generales. El r² "ajustado" (el cual penaliza por complejidad del modelo) puede ser usado con fines similares a los del AIC.
Potencia = 1-P(error de tipo 2)	Se puede calcular dicha probabilidad al fijar una hipótesis alternativa de interés.	No aplica.
Tamaño muestral	Al aumentar el tamaño muestral la potencia aumenta, pero no influye sobre el nivel de significancia (y por lo tanto la probabilidad de cometer un error de tipo 1). Para una diferencia dada, a mayor tamaño muestral más probabilidad de rechazar la hipótesis nula.	Siempre es deseable tener mayor tamaño muestral, pero ello no influye de manera previsible sobre el orden (ranking) de los modelos a ser comparados. Cuando se emplea el AIC, todos los modelos a comparar deben tener el mismo tamaño muestral.

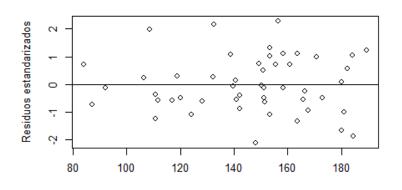
Garibaldi, L. A. et al. (2017). Inferencia multimodelo en ciencias sociales y ambientales. Ecología Austral 27:348-363

Supuestos y validación m3

vif(m3)
edad altura
1.093778 1.093778

m3<-lm(VVM~ edad+altura)

Gráfico de dispersión de RE vs PRED



Normal Q-Q Plot

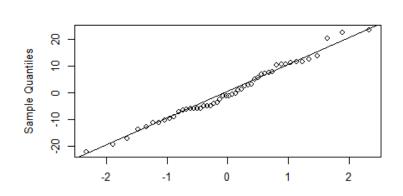
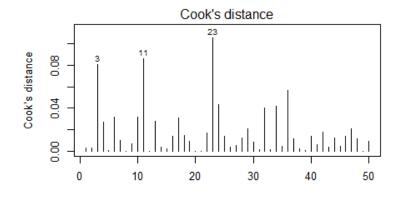
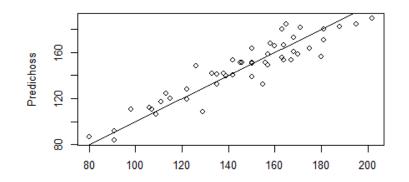


Gráfico de dispersión de PRED vs OBS



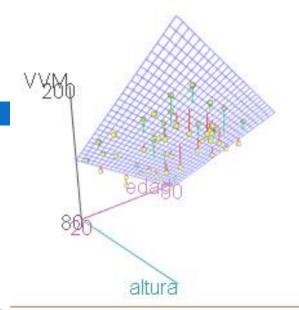


Pruebas de hipótesis

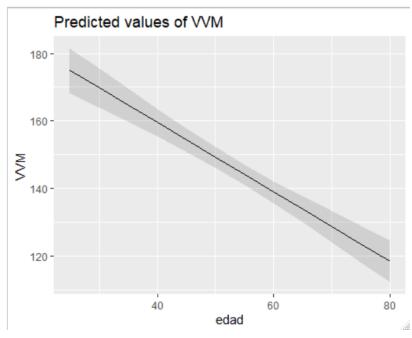
m3<-lm(VVM~ edad+altura)

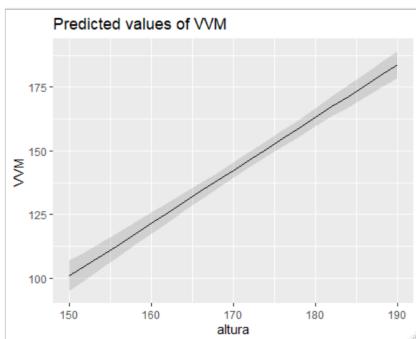
Residual standard error: 10.59 on 47 degrees of freedom Multiple R-squared: 0.8671, Adjusted R-squared: 0.8615 F-statistic: 153.4 on 2 and 47 DF, p-value: < 2.2e-16

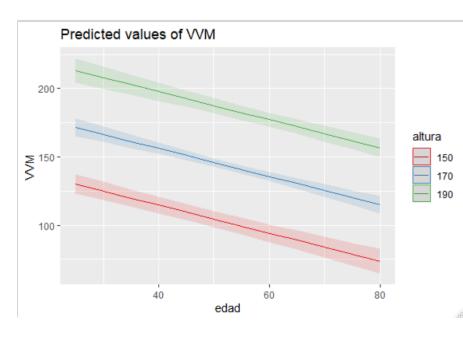
- ✓ ¿Ecuación estimada?
- ✓ ¿Interpretación de los coeficientes?
- ✓ ¿Cómo darle sentido a la ordenada al origen?
- ✓ ¿Porcentaje de la variabilidad en VVM explicada por la edad y la altura?



La representación gráfica de modelos múltiples sólo es posible para 2 VE (plano). Para k VE (siendo k > 2) \Rightarrow espacio k-dimensional (hiperplano)



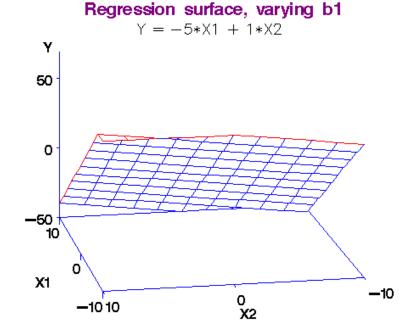


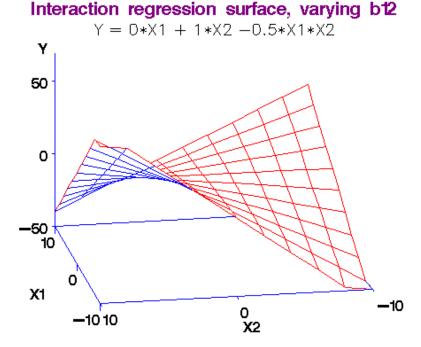


Modelo con interacción

$$Y_{i} = \beta_{0} + \beta_{1}X_{1_{i}} + \beta_{2}X_{2_{i}} + \beta_{3}X_{1_{i}}X_{2_{i}} + \dots + \varepsilon_{i}$$

Con interacción: tanto el efecto de X1 para un dado nivel de X2 como el efecto de X2 para un dado nivel de X1 dependen del valor de la otra VE





http://www.math.yorku.ca/SCS/spida/lm/visreg.html

¿Interacción significativa?

m6<-lm(VVM~ edad*altura)</pre>

```
Coefficients:

Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)

(Intercept) -1.526e+02 7.625e+01 -2.001 0.0513.
edad -1.078e+00 1.348e+00 -0.800 0.4279
altura 2.058e+00 4.550e-01 4.523 4.27e-05 ***
edad:altura 3.013e-04 7.965e-03 0.038 0.9700
---
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '

Residual standard error: 10.7 on 46 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.8671, Adjusted R-squared: 0.8585
F-statistic: 100.1 on 3 and 46 DF, p-value: < 2.2e-16
```

```
> anova(m4, m7)
   sigma R2 R2 ajust df
                               AIC
                                        Analysis of Variance Table
m1 10.70 0.867
                  0.859 5 384.724
m2 14.93 0.736
                  0.725 4 417.127
                                        Model 1: VVM ~ edad + altura
m3 10.59 0.867
                  0.861
                        4 382.756
                                        Model 2: VVM ~ edad * altura
m4 27.74 0.068
                  0.049 3 478.152
                                         Res.Df
                                                  RSS Df Sum of Sq
                                                                      F Pr(>F)
                                             47 5267.2
m5 18.04 0.606
                  0.598 3 435.108
                                             46 5267.1 1
                                                          0.16388 0.0014
                                                                         0.97
m6 10.70 0.867
                  0.867
                         5 384.754
```

Interacción entre variables cuantitativas

- La inclusión de un término de interacción X1*X2 provoca colinealidad entre las variables involucradas y X1*X2, dando lugar a valores altos de VIF. Las estimaciones de los coeficientes son insesgadas pero los EE de X1 y de X2 (pero no de X1*X2) están inflados. Puede solucionarse centrando las variables antes de generar la interacción
- □ La inclusión de potencias (X², X³, etc) genera el mismo efecto



Interpretación de la interacción

$$Y_{i} = \beta_{0} + \beta_{1}X_{1_{i}} + \beta_{2}X_{2_{i}} + \beta_{3}X_{1_{i}}X_{2_{i}} + \varepsilon_{i}$$

Se puede reescribir como:

$$Y_{i} = \beta_{0} + \beta_{2} X_{2_{i}} + (\beta_{1} + \beta_{3} X_{2_{i}}) X_{1_{i}} + \varepsilon_{i}$$

$$Y_{i} = \beta_{0} + \beta_{1} X_{1_{i}} + (\beta_{2} + \beta_{3} X_{1_{i}}) X_{2_{i}} + \varepsilon_{i}$$

El coeficiente de X1 cambia según el valor de X2

El cambio en la respuesta media por el incremento de una unidad en X_1 cuando X_2 se mantiene constante es $\beta_1 + \beta_3 X_2$

Se pueden elegir valores de X2 (por ej: \bar{X} , \bar{X} — S, \bar{X} + S y calcular el coeficiente para X1

Similarmente, el cambio en la respuesta media con un incremento de una unidad en X_2 cuando X_1 se mantiene constante es $\beta_2 + \beta_3 X_1$ y se pueden elegir valores de X_1 y estimar el coeficiente de X_2

```
Simulamos modelo con interacción
x1 = rnorm(1000, 20, 2)
x2 = rnorm(1000, 10, 2)
beta0 <-5
beta1 <-2
beta2 < -3
                                                                 х1
beta3<-0.5
e = rnorm(1000, mean=0, sd=2)
y=
beta0+beta1*x1+beta2*x2+beta3*x1*x2+e
                                                                             x2
bd1<-cbind.data.frame(y,x1,x2)
                                                 100 150 200 250
                                                                    Residuais vs Fitted
 Ajustamos un modelo aditivo
 m1= lm(y \sim x1+x2, data=bd1)
                                                         Residuals
Coefficients:
            Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) -92.6117
                        0.9925
                                 -93.3
                                         <2e-16
              6.9572
                        0.0448 155.4 <2e-16
х1
x2
             12.8564
                        0.0463
                                 278.0 <2e-16 ***
                                                                100
                                                                     150
                                                                          200
                                                                               250
Signif. codes:
                0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '
                                                                      Fitted values
                                                                      Im(y \sim x1 + x2)
Residual standard error: 3.02 on 997 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.991, Adjusted R-squared: 0.991
                                                                    vif(m1)
F-statistic: 5.23e+04 on 2 and 997 DF, p-value: <2e-16
```

x1 x2 1 1

Ajustamos un modelo multiplicativo

 $m1= lm(y \sim x1*x2, data=bd1)$

Coefficients:

	Estimate Std	. Error t	value	Pr(> t)		
(Intercept)	6.630	3.003	2.21	0.027	*	
x1	1.925	0.151	12.71	<2e-16	***	
x2	2.780	0.299	9.31	<2e-16	***	
x1:x2	0.510	0.015	33.92	<2e-16	***	1
Signif. code	es: 0'***'	0.001 '**	0.01	' *' 0.05	٠.,	0.1 '

Residual standard error: 2.06 on 996 degrees of freedom Multiple R-squared: 0.996, Adjusted R-squared: 0.996 F-statistic: 7.55e+04 on 3 and 996 DF, p-value: <2e-16

> vif(m2)

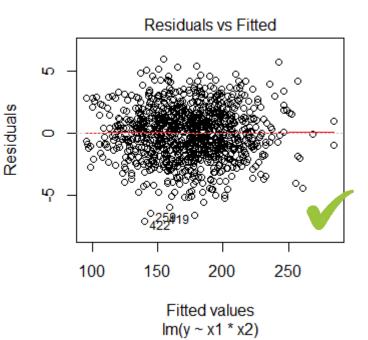
x1 x2 x1:x2 24.7 89.9 116.9

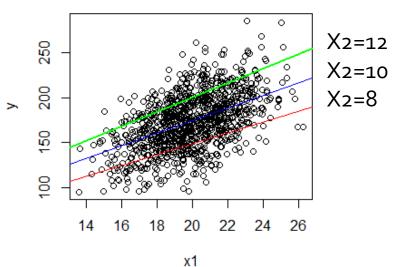


$Y = \beta + \beta X +$	$(\beta_1 + \beta_3 X_{2_i}) X_{1_i} + \varepsilon_i$
$\hat{\boldsymbol{\mu}}_i - \boldsymbol{\rho}_0 + \boldsymbol{\rho}_2 \boldsymbol{\chi}_{2_i} + \hat{\boldsymbol{\mu}}_2 \boldsymbol{\chi}_{2_i}$	$(\boldsymbol{\rho}_1 + \boldsymbol{\rho}_3 \boldsymbol{\Lambda}_{2_i}) \boldsymbol{\Lambda}_{1_i} + \boldsymbol{c}_i$
$Y_{\cdot} = 6.63 + 2.78X$	$X_{2_i} + (1.93 + 0.51X_{2_i})X_{1_i}$
<i>t</i> , , , , , , , , , , , , , , , , , , ,	Z_i , Z_i , Z_i

X2	Y
$\bar{X} - S = 10-2=8$	28,87+6X1
$ar{X}$ =10	34,4+7,03X1
$\bar{X} + S = 10 + 2 = 12$	40+8 , 05X1

Idem para X1





Estrategia de análisis

- Estadística descriptiva
- Estudiar supuestos: linealidad, igualdad de varianzas, normalidad, outliers, observaciones influyentes, colinealidad
- Estimación y selección de modelos; eventualmente incluir interacciones (siempre en los experimentos diseñados / según las hipótesis en estudios observacionales)
- 4. Estudiar el desempeño del modelo final: observados vs predichos; R²; validación cruzada
- Magnitud del efecto: a través de los coeficientes de regresión. Algunos sugieren utilizar los coeficientes estandarizados (llamados beta), sin unidades: S_v

 $beta_i = b_i \frac{S_X}{S_Y} = r$

Construcción de modelos

- Asegurarse de incluir a todas las VE relevantes, basándose en la pregunta de investigación, teoría y conocimiento de la temática
- Ojo con la colinealidad si el objetivo es explicativo. Se pueden combinar las VE que tienden a medir la misma dimensión del fenómeno (por ejemplo mediante un índice o técnicas multivariadas) o seleccionar la más relevante del conjunto
- Considerar la posibilidad de incluir interacciones (principalmente entre variables con mayores efectos)
- Estrategias para retener o eliminar VEs:
 - VE NS pero con el signo esperado: mantener
 - VE NS y sin el signo esperado: eliminar
 - VE S y con el signo esperado: mantener
 - VE S y sin el signo esperado: revisar

Gelman, Andrew, Jennifer Hill, *Data Analysis Using Regression and Multilevel/Hierarchical Models*, 2007

- La inclusión de una interacción o un término cuadrático suele inducir colinealidad, que solo afecta los EE de los términos de menor orden
- La no inclusión de un término de interacción relevante puede dar residuos con patrón
- Centrar las X si se desea ganar interpretación en la ordenada al origen
- Se puede ajustar el modelo máximo, registrar el porcentaje de variabilidad explicado e ir descartando términos, o al revés
- También pueden estimarse todos los modelos y rankearlos por algún criterio, por ej AIC (MuMin)
- Considerar el objetivo: ¿predicción o explicación? Ver Shmueli, G. (2010). To explain or to predict?. Statistical science, 25(3), 289-310.
- Evitar ajustar modelos complejos con pocos datos. Algunos sugieren 10 observaciones por cada VE
- En la selección de modelos se debe respetar el principio de marginalidad (ver diapo siguiente)

Principio de marginalidad

Implica que los términos de menor orden no deberían ser removidos antes que los de mayor orden.

Polinomios: $E(Y) = \beta_0 + \beta_1 X_1 + \beta_2 X_1^2$ aunque β 1 sea NS $E(Y) = \beta_0 + \beta_2 X_1^2$

 Modelos con interacciones: si el modelo incluye la interacción de X1 * X2, el efecto principal de cada variable debe ser incluido en el modelo

$$E(Y) = \beta_0 + \beta_1 X_1 + \beta_2 X_2 + \beta_3 X_1 X_2$$

$$E(Y) = \beta_0 + \beta_3 X_1 X_2$$

$$E(Y) = \beta_0 + \beta_1 X_1$$

Aunque si la interacción es significativa no tiene sentido evaluar los coeficientes ni la significación de los efectos principales de las VE involucradas, se sobreentiende que ambas variables afectan a la VR.