Politechnika Śląska

Wydział Automatyki Elektroniki i Informatyki Rok akademicki 2021/2022

Kierunek: Automatyka i Robotyka Semestr letni

# Metody Optymalizacji Projekt

# Strojenie układu regulacji

Wykonali:

**Mateusz DERA** 

**Gliwice** 

Grupa SPiI

#### 1. Wstęp

Celem projektu było znalezienie nastaw regulatora PID dla obiektu tak, aby zminimalizować zadane wskaźniki przy zmianie wartości zadanej z 0 na 0.5.

Regulacja PID ma na celu wypracowanie odpowiedniego sterowania na podstawie uchybu czyli różnicy pomiędzy wartością otrzymaną, a wartością zadaną. Regulator opisany jest następującym wzorem:

$$u(t) = k_p \left[ \varepsilon(t) + \frac{1}{T_i} \int_0^t \varepsilon(\tau) d\tau + T_d \frac{d\varepsilon(t)}{dt} \right]$$

gdzie:

u(t) – wartość sterowania w chwili t

e(t) – wartość uchybu w chwili t

 $k_p$  – wzmocnienie regulatora

T<sub>i</sub> – stała całkowania

T<sub>d</sub> – stała różniczkowania

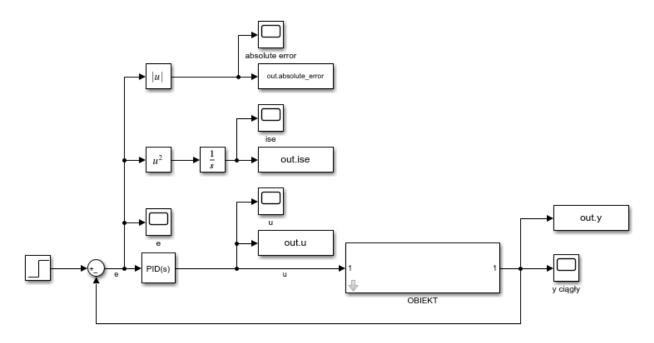
Algorytm genetyczny w różnych wariantach zadania minimalizował następujące wskaźniki jakości:

$$ISE = \int_0^\infty e^2(t)dt$$
 
$$\bar{e} = \frac{\sum_{t=20}^{100} e(t)}{N}$$
 
$$ISE + ISC = \int_0^\infty e^2(t)dt + \int_0^\infty ((u(\infty) - u(t))^2)dt$$

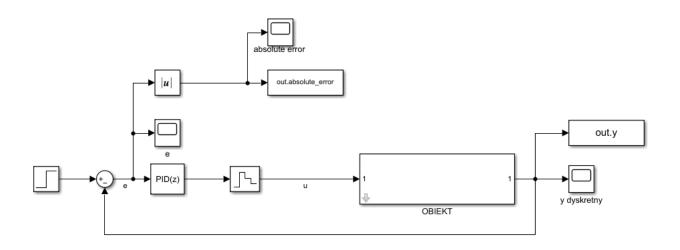
Zadanie	Wskaźnik	Typ regulatora	
1	ISE w czasie 100 s	Ciągły	
2	Średni błąd w okresie 20-100 s	Ciągły	
3	ISE + ISC w 100 s	Ciągły	
4	Średni błąd w okresie 20-100 s	Dyskretny	

W celu rozwiązania zadań projektowych zaimplementowano algorytm genetyczny – ze względu na brak informacji o obiekcie regulacji uznano, że implementacja algorytmu genetycznego jest najlepszym wyborem do rozwiązania zadań.

Podczas projektu wykorzystano modele w Simulinku przedstawione poniżej.



Rysunek 1 Model układu ciągłego



Rysunek 2 Model układu dyskretnego

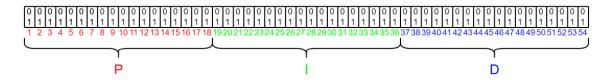
#### 2. Podstawowy algorytm

Podczas implementacji algorytmu kierowano się poniższymi krokami:

- 1) Inicjalizacja wybór losowej, początkowej populacji
- 2) Wybór osobników do reprodukcji
- 3) Tworzenie osobników potomnych
- 4) Tworzenie nowej generacji
- 5) Jeśli nie został spełniony warunek stopu powrót do kroku nr 2
- 6) Koniec

#### 3. Implementacja

Pierwszym krokiem w implementacji było zdefiniowanie postaci "chromosomu" – zdecydowano, że jeden gen będzie odpowiadał jednemu bitowi (kodowanie binarne), a chromosom będzie miał długość 54 genów, co daje nam 18 genów ("N") na każdą z nastaw regulatora PID ("variables\_number"). Ponadto zdecydowano, że każda z nastaw (18 bitów) po zdekodowaniu reprezentuje liczbę od 0 ("a") do 20 ("b").



Rysunek 3 Graficzna prezentacja genotypu

W celu implementacji algorytmu należało również określić takie parametry jak: rozmiar populacji ("population\_size"), rozmiar turnieju ("tournament\_size"),, współczynnik krzyżowania ("crossover\_rate", określa część populacji, która powinna zostać zastąpiona w wyniki krzyżowania) oraz współczynnik mutacji ("mutation\_rate", określa część populacji, która ulec mutacji). Zdecydowano, że populacja składa się z 40 osobników, do turnieju dobiera się losowo 8 osobników, a współczynnik krzyżowania i mutacji wynosi kolejno 0.8 (32 nowe osobniki w populacji) i 0.1 (4 osobniki ulegające mutacji).

Ważną częścią w implementacji algorytmu są również warunki stopu: maksymalna liczba generacji ("max\_generation") oraz maksymalna liczba "stałych" generacji ("max\_stall\_iterations") – określa maksymalną liczbę generacji, w których najlepsze wartości wskaźnika nie ulegają znacznej poprawie. Zdecydowano, że wynoszą one kolejno 30 oraz 8.

Inicjalizacje wyżej opisanych parametrów dla algorytmu genetycznego oraz populacji początkowej realizuje przedstawiona poniżej funkcja StructInitializer:

```
function out = StructInitializer(variables_number, ...
    population_size, crossover_rate, mutation_rate, tournament_size, ...
```

```
max_generation, max_stall_iterations, N, a, b, task_number)
out.variables number = variables number;
out.population size = population size;
% crossover and mutation parameters
out.crossover rate = crossover rate;
out.mutation_rate = mutation_rate;
out.tournament_size = tournament_size;
% stop conditions parameters
out.max generation = max generation;
out.max_stall_iterations = max_stall_iterations;
% decoding information
out.N = N;
out.a = a;
out.b = b;
% generating initial population
rng('shuffle');
out.task number = task number;
out.current population = randi([0 1], out.population size, out.variables number *
out.N);
end
```

Pojawiająca się w kodzie zmienna "task\_number", jak sugeruje nazwa, określa numer zadania projektowego (od 1 do 4). Powyższa funkcja zwraca strukturę zawierającą wszystkie potrzebne dane do inicjalizacji algorytmu genetycznego.

Kolejnym krokiem była implementacja algorytmu genetycznego. Kolejne kroki zaimplementowanego algorytmu można przedstawić za pomocą poniższej listy:

1) Zdekodowanie każdego osobnika w populacji – realizowane przez funkcje DecodePopulation oraz Decode przedstawione poniżej:

```
function decoded_population = DecodePopulation(population, k1, k2, N,
variables_number, population_size)

decoded_population = zeros(population_size, variables_number);
for m = 1:population_size
    for i = 1:variables_number
        decoded_population(m, i) = Decode(population(m, (1 + (i - 1) * N:i * N)), k1,
k2);
    end
end
```

```
end
```

```
function out = Decode(variable, k1, k2)
v = 1;
s = 0;
for i = 1:length(variable)
    s = s + v * variable(length(variable) - i + 1);
    v = v * 2;
end
out = k1 * s + k2;
end
      zmienne "k1" oraz "k2" są zmiennymi potrzebnymi do zdekodowania obliczonymi w poniższy
   sposób:
mx = 2^input.N - 1;
k1 = (input.b - input.a) / mx;
k2 = input.a;
          2) Wyznaczenie wartości wskaźnika dla każdego osobnika w populacji wykorzystując
             funkcję Fitness:
function f = Fitness(x, task_number)
assignin('base',"x",x);
if task number == 1
    out = sim('Obiekt123.slx',[0 100]);
    f = out.ise.Data(end);
elseif task number == 2
    out = sim('Obiekt123.slx',[0 100]);
    f = mean(out.absolute_error.Data(find(out.absolute_error.Time==20):end));
elseif task_number == 3
    out = sim('Obiekt123.slx',[0 100]);
    u_end = out.u.Data(end);
    isc = 0;
    for i=1:length(out.u.Data)-1
        isc = isc + (u end - out.u.Data(i))^2 * (out.u.Time(i+1) - out.u.Time(i));
    f = out.ise.Data(end) + isc;
else
    out = sim('Obiekt123_dyskretny.slx',[0 100]);
    f = mean(out.absolute_error.Data(find(out.absolute_error.Time==20):end));
```

end

end

3) Wyznaczenie rodziców za pomocą odpowiedniej ilości turniejów wykorzystując funkcję Tournament

```
function [winner, ind] = Tournament(population, fit vector, population size,
tournament size)
% we cannot have more tournament participants than population size
if tournament_size > population_size
    tournament_size = population_size;
end
% getting random tournament participants
tournament_members = zeros(tournament_size, 2);
tournament_members(:, 1) = randperm(population_size, tournament_size);
for i = 1:tournament_size
    tournament_members(i, 2) = fit_vector(tournament_members(i, 1));
end
% choosing winner of the tournament
[~, index] = min(tournament_members(:, 2));
ind = tournament_members(index, 1);
winner = population(ind, :);
end
```

4) Stworzenie dzieci z wybranych rodziców wykorzystując funkcję OnePointCrossover

```
function [child1, child2] = OnePointCrossover(parent1, parent2, 1)
point = randi([1 1]);
child1 = zeros(1, 1);
child2 = zeros(1, 1);
child1(1:point) = parent1(1:point);
child1(point + 1:end) = parent2(point + 1:end);
child2(1:point) = parent2(1:point);
child2(point + 1:end) = parent1(point + 1:end);
end
```

5) Wybranie najbardziej przystosowanych osobników i zachowanie ich w nowej generacji

6) Zmutowanie nowej generacji realizowane za pomocą funkcji Mutation

```
function population = Mutation(population, population_size, 1, mutation_number)
% getting random gen to be mutated
x = randperm(population_size, mutation_number);
y = randperm(1, mutation_number);
for i = 1:mutation_number
    population(x(i), y(i)) = 1 - population(x(i), y(i));
end
end
```

- 7) Sprawdzenie warunków stopu jeśli nie są spełnione to powrót do pkt 1
- 8) Wyznaczenie najbardziej przystosowanego osobnika i zakończenie algorytmu

Zaimplementowany algorytm realizujący powyższe punkty jest realizowany prze funkcję GeneticAlgorithm i został przedstawiony poniżej:

```
function output = GeneticAlgorithm(input)
if ~ any([1, 2, 3, 4] == input.task_number)
   input.task number = 1;
end
contraints = [0.00005, 0.00001, 0.00005, 0.00001];
contraint = contraints(input.task_number);
children number = ceil(input.population size * input.crossover rate);
mutation_number = ceil(input.population_size * input.mutation_rate);
if mod(children_number, 2) ~= 0
    if children number < input.population size</pre>
        children_number = children_number + 1;
    elseif children_number == input.population_size
        children number = children number - 1;
    end
end
remaining_parents_number = input.population_size - children_number;
output.iterations = 0;
stall iterations = 0;
flag stall iter = true;
% vectors for storing informations about each generation
output.best_fit_vector = zeros(input.max_generation + 1, 1);
output.mean_fit_vector = zeros(input.max_generation + 1, 1);
% variables for decoding
if input.a > input.b
    [input.b, input.a] = deal(input.a, input.b);
```

```
end
mx = 2^input.N - 1;
k1 = (input.b - input.a) / mx;
k2 = input.a;
% length of the genotype
l = input.N * input.variables_number;
% generataing next generations
while output.iterations <= input.max_generation && flag_stall_iter</pre>
    % decoding each individual
    v = DecodePopulation(input.current_population, k1, k2, input.N, ...
        input.variables number, input.population size);
    fit_vector = zeros(input.population_size, 1);
    % calculating fitness value for each individual
    for i = 1:input.population size
        fit vector(i) = Fitness(v(i, :), input.task number);
    end
    % there's no need to generate 'max generation + 1' generation
    if output.iterations < input.max_generation</pre>
        % vector for storing parents
        parents = zeros(children number, 1);
        temp population = input.current population;
        temp_population_size = input.population_size;
        % choosing parents in tournament
        for i = 1:children_number
            [parents(i, :), index] = Tournament(temp population, ...
             fit_vector, temp_population_size, input.tournament_size);
            % we don't want situation when we get 2 childern from 1 parent
            if mod(i,2) \sim = 0
                temp_population(index, :) = [];
                temp_population_size = temp_population_size - 1;
            else
                temp population = input.current population;
                temp population size = input.population size;
            end
        end
        % vector for storing children
        children = zeros(children_number, 1);
        % generating children
        for i = 1:2:children number - 1
            [children(i, :), children(i + 1, :)] = ...
                OnePointCrossover(parents(i, :), parents(i + 1, :), 1);
        end
```

```
% choosing best parents that will remain in next generation
        [~, best parents index] = ...
            mink(fit vector, remaining parents number);
        % creating next generation
        input.current_population(1:remaining_parents_number, :) = ...
            input.current population(best parents index, :);
        input.current_population(remaining_parents_number + 1:end, :) =...
            children;
        % mutating generation
        input.current population = Mutation(input.current population,...
            input.population size, 1, mutation number);
    end
   % calculationg best and mean fit's value
   output.best_fit_vector(output.iterations + 1) = min(fit_vector);
   output.mean fit vector(output.iterations + 1) = mean(fit vector);
   % checking if we get any progress in generating new generations
    if output.iterations > 0 &&...
            abs(output.best fit vector(output.iterations + 1) -...
            output.best fit vector(output.iterations)) < contraint</pre>
        stall iterations = stall iterations + 1;
   else
        stall_iterations = 0;
    end
   % text with informations about generation
   text = ['Iteration: ' num2str(output.iterations) ', Best: '...
     num2str(output.best fit vector(output.iterations + 1), 5)...
     ', Mean: ' num2str(output.mean fit vector(output.iterations + 1), 5)...
     ', Stall iteration: ' num2str(stall_iterations)];
   disp(text);
    if stall iterations == input.max stall iterations
        flag stall iter = false;
        output.best fit vector(output.iterations + 2:end) = [];
        output.mean_fit_vector(output.iterations + 2:end) = [];
    end
   output.iterations = output.iterations + 1;
output.iterations = output.iterations - 1;
[output.solution, output.solution_index] = min(fit_vector);
output.solution parameters = v(output.solution index, :);
```

end

end

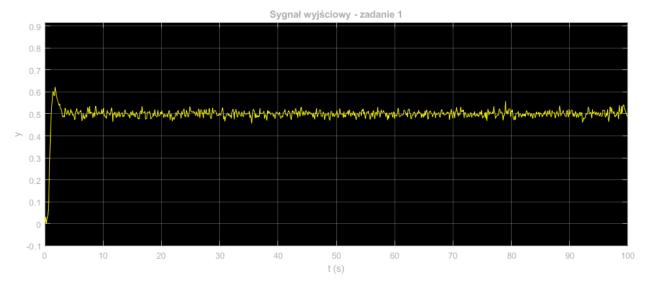
# 4. Wyniki

Otrzymane wyniki dla każdego zadania przestawiono w poniższej tabeli.

Numer	Wartość parametru P	Wartość parametru I	Wartość parametru D	Wartość
zadania				wskaźnika
1	4.9301	1.2503	2.0527	0.1958
2	2.8613	0.8317	1.4172	0.0092
3	0.4625	0.3735	0.0134	0.4785
4	3.4911	0.7324	1.686	0.0089

Dodatkowo sprawdzono otrzymane wyniki (nastawy) z każdego zadania pod kątem jakości regulacji – sprawdzono wartości maksymalnego przeregulowania. Otrzymanego wyniki przedstawiono poniżej.

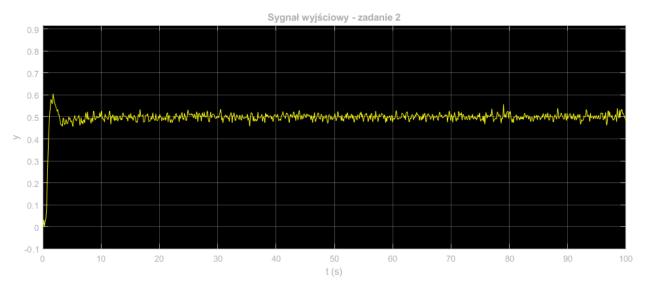
### 1) Zadanie 1



Rysunek 4 Sygnał wyjściowy dla zadania 1

Wartość maksymalnego przeregulowania: 0.123

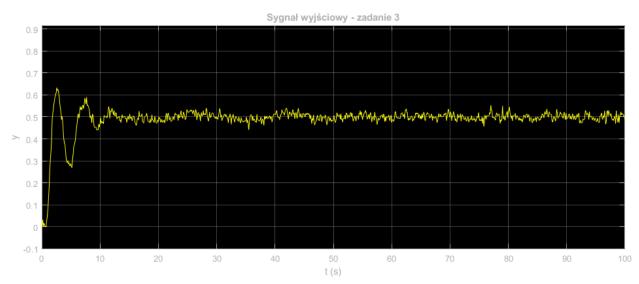
# 2) Zadanie 2



Rysunek 5 Sygnał wyjściowy dla zadania 2

# Wartość maksymalnego przeregulowania: 0.105

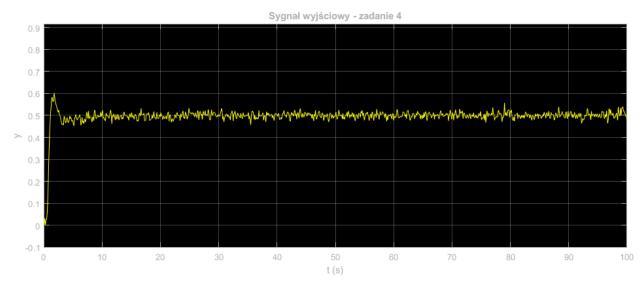
# 3) Zadanie 3



Rysunek 6 Sygnał wyjściowy dla zadania 3

Wartość maksymalnego przeregulowania: 0.133

#### Zadanie 4



Rysunek 7 Sygnał wyjściowy dla zadania 4

Wartość maksymalnego przeregulowania: 0.102

#### 5. Wnioski

Realizowane ćwiczenie pozwoliło nam zmierzyć się z problemem optymalizacji nastaw regulatora PID. Bardzo rozwijająca była samodzielna implementacja algorytmu genetycznego. We wszystkich z zadań udało się wyznaczyć nastawy regulatora, które pozwoliły osiągnąć stabilny przebieg wyjścia bez dużych przeregulować oraz oscylacji. Z uwagi na fakt, że każde z zadań minimalizowało inny wskaźnik jakości, nie dało się ich porównać. Jako kryterium porównawcze przyjęliśmy więc maksymalne przeregulowanie – najmniejsze maksymalne przeregulowanie uzyskano dla nastaw otrzymanych w ramach zadania 4, a największe – dla zadania 3. Dodatkowo dla zadania 3 otrzymano oscylacje wartości wyjściowej. Stało się tak dlatego, że zminimalizowano składnik, którego składową było ISC, które jest niskie, jeżeli wartość sterująca nie zmienia się zbytnio względem sterowania końcowego. Z tego powodu zostały wybrane nastawy o niskich wartościach, które powodowały małe zmiany wartości sterującej. Konsekwencją było nietłumienie oscylacji. Z drugiej strony pozwoli to na przedłużenie żywotności elementu wykonawczego.