



(c) null test

global dataset	prediction			p-value
	wind dispersers	syndrome comparison	genome control	
flow	0.09	0.289	0.093	0.183
	0.183	0.344	0.344	
isolation	0.005	0	0.46	0.073
	0.073	0.029	0.656	
asymmetry	0.046	0.001	0.16	0.059
	0.059	0.087	0.344	
diversity	0.155	0.023	0.818	0.087
	0.087	0.055	0.812	

prediction