# AED2 - Aula 1314.1

# Limitante inferior para ordenação baseada em comparações e bucketSort

"Encarando e transpondo barreiras"

# Limitante inferior para ordenação baseada em comparações

Algoritmos de ordenação baseados em comparação são aqueles que

- só obtém informação sobre a sequência sendo ordenada
- através de uma função de comparação que
  - o recebe dois elementos e diz qual deles é maior.

# Exemplos desses algoritmos são:

• mergeSort, quickSort, heapSort, selectionSort, insertionSort e bubbleSort.

Para obter um limitante inferior para o número de operações

- um algoritmo de ordenação baseado em comparações precisa realizar,
  - o vamos comparar duas grandezas.

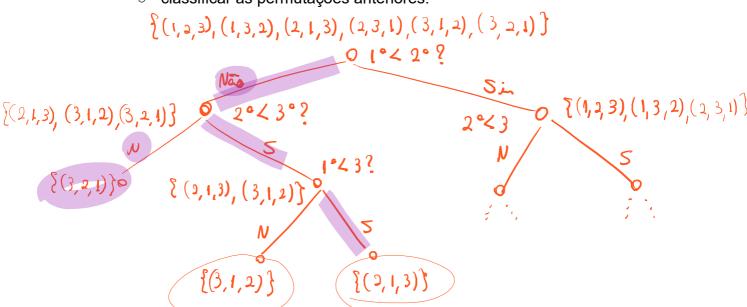
A primeira é o número de permutações,

- que uma sequência de tamanho n pode apresentar.
- Este número é n!,
  - pois qualquer um dos n elementos pode ser o primeiro,
  - qualquer dos n 1 restantes pode ser o segundo,
  - o e assim por diante.

$$\{1,2,3\} \qquad \begin{array}{c} (1,2,3) \\ (1,3,2) \\ (2,1,3) \\ (2,3,1) \\ (3,1,2) \\ (3,2,1) \end{array}$$

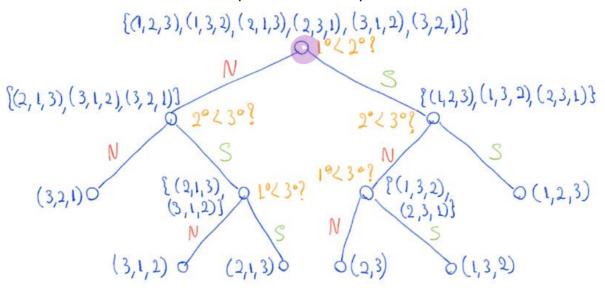
A segunda é o número de sequências que um algoritmo consegue distinguir

- após realizar k comparações. Vejamos um exemplo em que tentamos
  - classificar as permutações anteriores.



O número de sequências que um algoritmo consegue distinguir após k comparações

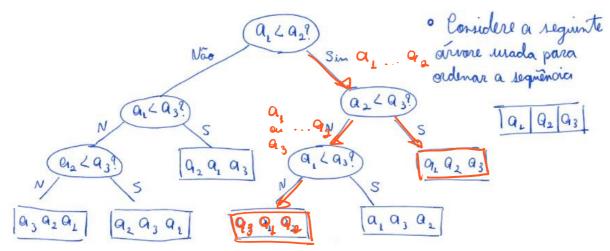
- é importante pois, se o algoritmo obtiver as mesmas respostas
  - o ao comparar duas sequências distintas,
- ele executará da mesma forma para ambas,
  - o devolvendo uma resposta errada em pelo menos um dos casos.



- Note que, no início todas as sequências são iguais para o algoritmo,
  - o e que cada comparação entre um par de elementos
    - pode resultar em duas possibilidades,
      - o primeiro é maior que o segundo,
      - ou o segundo é maior que o primeiro.
- Podemos pensar que, na melhor das hipóteses,
  - o cada comparação divide o espaço de busca em duas metades ou,
  - o de modo complementar, dobra o número de sequências identificadas.
- Assim, no melhor caso, após k comparações,
  - o conseguimos identificar no máximo 2<sup>k</sup> sequências diferentes.

Para facilitar a visualização, podemos representar as possíveis comparações

- de um algoritmo usando uma árvore binária de decisão,
  - o na qual cada nó interno corresponde a uma comparação
  - o e cada folha corresponde a uma seguência.



A altura desta árvore, ou seja,

- o comprimento do caminho mais longo da raiz até uma folha,
  - o corresponde a um limitante inferior
    - para a complexidade de tempo de pior caso do algoritmo.

Pelo princípio da casa dos pombos temos que

- se tivermos n + 1 pombos para serem colocados em n casas,
  - o então pelo menos uma casa deverá conter dois ou mais pombos.

No nosso problema,

- os pombos são as n! permutações de uma sequência de tamanho n,
- e as casas dos pombos são as 2<sup>k</sup> sequências
  - que um algoritmo consegue identificar depois de k comparações.
- Se houverem mais pombos do que casas, i.e.,  $m_i > jk$ 
  - o então o algoritmo não conseguirá distinguir
    - entre duas sequências diferentes.
- Portanto, ele n\u00e3o ordenar\u00e1 corretamente ao menos uma delas.
- Assim, para que o algoritmo tenha chance de ordenar corretamente
  - é necessário que 2 × > m1

Para resolver a inequação vamos simplificar n!,

• substituindo-o por um limitante inferior.

$$m! = m(n-1)(m-2)...(\frac{m}{2}+1)(\frac{m}{2})(\frac{m}{2}-1)...3.2.1$$

$$= (\frac{m}{2})^{m/2}$$

$$= (\frac{m}{2})^{m/2}$$

 $2^{k} \geqslant m! \geqslant \binom{m}{2}^{2}$ Assim,

Aplicando lg dos dois lados temos  $lg(2^n) \ge lg(\frac{n}{2}) \Rightarrow k \ge \frac{n}{2} \cdot lg(\frac{n}{2})$ 

• sendo que  $\mathcal{L}(f_{(n)})$  significa pelo menos da ordem de

Assim, concluímos que

- qualquer algoritmo de ordenação baseado em comparações
  - precisa realizar pelo menos da ordem de n log n comparações
    - para ordenar uma sequência com n elementos.

Agora que encaramos essa barreira, como podemos transpô-la?

Será que conseguimos ordenar sem fazer comparações?

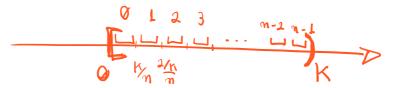
 $\Omega$  (n log n)

É é um método eficiente para ordenar um conjunto com n números

• distribuídos uniformemente num intervalo de tamanho k.

#### Ideia:

- Primeiro, dividimos o intervalo de tamanho k em n baldes (buckets),
  - o associando a cada balde uma fração do intervalo, de tamanho

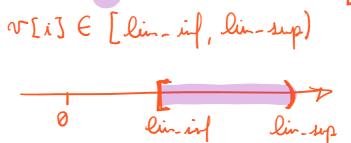


- Então, colocamos cada número em seu respectivo balde.
- Em seguida, ordenamos os elementos de cada balde.
- Por fim, percorremos os baldes em ordem
  - o e os elementos de cada balde, também em ordem,
    - copiando eles de volta para o vetor original.

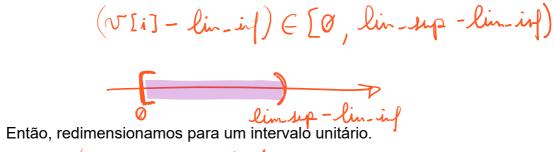
### Exemplo:

Vamos ver como calcular o índice do balde em que deve entrar cada elemento:

Considere um elemento v[i] qualquer com valor no intervalo [lim\_inf, lim\_sup].



Primeiro trasladamos o intervalo, para que ele comece em 0



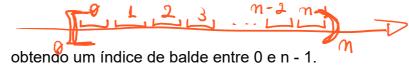
$$(v_{i}]-lim-if)/(lim-sup-lim-if)) \in [0, 1)$$





Por fim, truncamos para o inteiro menor mais próximo,

$$(int)(v[i]-lim-if)/(lim-sup-lim-if)*m) \in [0, m-1]$$



```
Códigos:
#define lim_inf 0
#define lim_sup 1
typedef struct celula {
    double chave;
    struct celula *prox;
} Celula;
void bucketSort(double v[], int n) {
    int i, j;
    Celula *p, *nova, *morta;
   (Celula **baldes = (Celula **)malloc(n * sizeof(Celula *)); /
    // inicializando cada balde com uma lista com nó cabeça
    for (j = 0; j < n; j++) {
        baldes[j] = (Celula *)malloc(sizeof(Celula));
        baldes[j]->prox = NULL;
    // coloca cada elemento no balde correspondente
    for (i = 0; i < n; i++) {
    -\triangleright // j = (int)(v[i] * n);
   \mathbf{j} = (int)((double)(v[i] - lim_inf) / (lim_sup - lim_inf) * n);
        p = baldes[j];
        // já insere o elemento na ordem correta dentro do balde
       •while (p->prox(!=) NULL @& p->prox->chave <>v[i])
            p = p - > prox;
      nova = (Celula *)malloc(sizeof(Celula));
      nova->chave = v[i];
      nova->prox = p->prox;
      p->prox = nova;
    }
    // põe os elementos dos baldes de volta no vetor
   i = 0;

  for (j = 0; j < n; j++) {</pre>
       (p)= baldes[j]->prox;
       while (p != NULL) {
            v[i] = p->chave;
            p = p - > prox;
```

```
// libera os baldes

for (j = 0; j < n; j++) {
    p = baldes[j];
    while (p != NULL) {
        morta = p;
        p = p->prox;
        free(morta);
    }
}
```

# Eficiência de tempo esperado é O(n),

- desde que as chaves sejam uniformemente distribuídas no intervalo.
- Para verificar isso, note que copiar os números
  - o do vetor de entrada para os baldes leva tempo O(n).
- De modo semelhante, copiá-los dos baldes de volta ao vetor leva tempo O(n).
- Além dessas operações, temos que ordenar os n baldes,
  - o que leva tempo esperado constante, i.e., O(1).
- Isso porque, cada balde deve ter um número pequeno de elementos,
  - o uma vez que estes vieram de uma distribuição uniforme.
- Sem essa hipótese o tempo de pior caso do algoritmo é O(n^2),
  - o pois muitos elementos podem se acumular num mesmo balde,
  - e a ordenação deste pode levar tempo quadrático,
    - dependendo do método utilizado.
- Assim, vale a pena usar um método de ordenação O(n lg n) para cada balde?
  - o Em geral não, pois são esperados poucos elementos por balde,
    - e métodos como insertionSort são melhores para n pequeno.

#### Eficiência de espaço:

Memória adicional da ordem de n, pois são utilizados n baldes e n células.

#### Estabilidade:

- A estabilidade depende da implementação da ordenação intrabalde.
- O código que estudamos não é estável, mas uma pequena modificação
  - o na inserção/ordenação intrabalde pode corrigir isso.
- Quiz1: Que modificação é essa?

#### Quiz2: O método de inserção em ordem intrabalde lembra

um algoritmo de ordenação que já estudamos. Qual é esse algoritmo?

Curiosidade: a alocação de memória das listas pode piorar a constante do algoritmo.

- Uma alternativa é usar um vetor, com tamanho 2 lg n, por balde.
  - o Isso porque, é muito improvável que uma distribuição uniforme
    - produza tal acúmulo em um balde.