



Univerzita Komenského v Bratislave Fakulta matematiky, fyziky a informatiky

ZADANIE ZÁVEREČNEJ PRÁCE

Meno a priez	visko	študenta:	Bc.	Matúš	Zeleňák

Študijný program: informatika (Jednoodborové štúdium, magisterský II. st.,

denná forma)

Študijný odbor:informatikaTyp záverečnej práce:diplomováJazyk záverečnej práce:anglickýSekundárny jazyk:slovenský

Názov: Algorithms for Assembly of Hybrid Genomes from Long Reads

Algoritmy na skladanie hybridných genómov z dlhých čítaní

Anotácia: Hybridné genómy obsahujú dve alebo viacero mierne odlišných kópií

tej istej množiny chromozómov. V závislosti od miery podobnosti jednotlivých kópií, tradičné algoritmy na skladanie genómov buď premiešajú dve kópie alebo kópie zoskladajú ako separátne sekvencie. Cieľom tejto práce je navrhnúť nové algoritmy, ktoré využijú novú informáciu, ktorú do tohto problému prenieslo

sekvenovanie dlhých čítaní.

Vedúci: doc. Mgr. Tomáš Vinař, PhD.

Katedra: FMFI.KAI - Katedra aplikovanej informatiky

Vedúci katedry: prof. Ing. Igor Farkaš, Dr.

Dátum zadania: 15.12.2017

Dátum schválenia: 15.12.2017 prof. RNDr. Rastislav Kráľovič, PhD.

garant študijného programu

študent	vedúci práce