Matematica e Statistica con R

Federico Comoglio e Maurizio Rinaldi

 $11~\mathrm{marzo}~2016$

Indice

1	Intr	roduzione	1								
2	Strı	trutture di dati									
	2.1	I diversi tipi di vettori	5								
		2.1.1 Vettori di caratteri/stringhe	5								
			9								
	2.2	Vettori numerici e operazioni di aritmetica modulare	9								
		Matrici									
		2.3.1 Operazioni con le matrici	13								
	2.4	I dataframe	14								
	2.5	Gli array	21								
	2.6	Le liste	22								

Capitolo 1

Introduzione

Per accedere ai dati richiesti in questa parte occorre caricare il pacchetto allegato libroR. Per farlo conviene scaricare il file libroR_0.0.tgz sul proprio computer e selezionare il menu Install

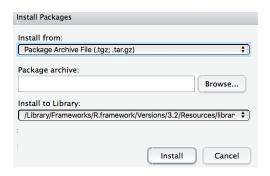


Figura 1.1: Procedura di installazione del pacchetto

Il file viene poi localizzato usando Browse... Alternativamente si può utilizzare direttamente il comando

```
install.packages("libroR_0.0.tgz", repos = NULL, type = .Platform$pkgType)
```

a patto di impostare la *working directory* precisamente dove si trova il file. Il pacchetto va poi successivamente caricato con il comando

```
library("libroR")

##

## Attaching package: 'libroR'

## The following objects are masked from 'package:EsamiR':

##

## meteo, studenti
```

```
par(mar = rep(3, 4))
for (i in seq(pi/2, -4/3 * pi, length = 12)) {
    plot(0, 0, pch = 20, ann = FALSE, axes = FALSE)
    arrows(0, 0, cos(i), sin(i))
    axis(1, 0, "VI"); axis(2, 0, "IX")
    axis(3, 0, "XII"); axis(4, 0, "III"); box()
}
```

Figura 1.2: A clock animation. You have to view it in Adobe Reader: click to play/pause; there are also buttons to speed up or slow down the animation.

Precisiamo inoltre che questa è una versione assolutamente preliminare.

Capitolo 2

Strutture di dati

Per visualizzare un oggetto di R si può usare il comando print o il comando cat che fornisce spesso un risultato migliore. str visualizza la struttura di un oggetto mentre head o tail ne visualizzano l'inizio o la fine.

2.1 I diversi tipi di vettori

2.1.1 Vettori di caratteri/stringhe

Una stringa di testo è una collezione di caratteri; in genere, una stringa è resa riconoscibile dall'essere racchiusa tra virgolette.

Operare con le stringhe

Oltre alle virgolette, vi sono numerosi altri caratteri speciali che possono apparire in una stringa. I più comuni sono "\t" per TAB, " \n" per una nuova linea e "\" per un singolo backslash. Quest'ultimo carattere è un carattere di escape e consente una lettura diversa di quanto lo segue. Per esempio

```
cat("\"sin\"")
## "sin"

nchar("\"sin\"")
## [1] 5

cat("\\")
## \
cat("ora a capo\nsono a capo?")
```

```
## ora a capo
## sono a capo?

cat("ora spazio\triprendo")

## ora spazio riprendo
```

La funzione **nchar**, che conta il numero di caratteri di una stringa, non includerà quindi il carattere di *escape* nel totale dei caratteri. Ad esempio:

```
"Tab\t"

## [1] "Tab\t"

cat("Tab\t")

## Tab

nchar("Tab\t")

## [1] 4
```

Succede spesso di dover lavorare in modo automatico con stringhe di testo, anche nello scrivere indirizzi di rete o cartelle di lavoro. In R diversi comandi consentono la generazione, manipolazione e stampa di una o più stringhe di testo¹. Consideriamo inizialmente una singola frase.

```
x="lavorare con le stringhe"
```

Possiamo verificarne la classe e determinare il numero di caratteri di x

```
class(x)
## [1] "character"

nchar(x)
## [1] 24
```

e anche considerare sottostringhe

¹Per un uso più specifico si può consultare il pacchetto biostrings.

```
substr(x,3,8)
## [1] "vorare"
```

o abbreviazioni ottenibili con il comando abbreviate

```
abbreviate("Mario Rossi",4)

## Mario Rossi
## "MrRs"
```

Certi oggetti possono essere convertiti a stringhe: per esempio il numero 2 può essere visto come una stringa e riconvertito a numero.

```
i=2;toString(i)
## [1] "2"
as.numeric(toString(i))
## [1] 2
```

Alcune stringhe molto frequenti sono le lettere dell'alfabeto, maiuscole o minuscole

```
letters[1:10]
## [1] "a" "b" "c" "d" "e" "f" "g" "h" "i" "j"

LETTERS[1:10]
## [1] "A" "B" "C" "D" "E" "F" "G" "H" "I" "J"
```

o i mesi dell'anno (per esempio abbreviati in inglese)

```
month.abb

## [1] "Jan" "Feb" "Mar" "Apr" "May" "Jun" "Jul" "Aug" "Sep"

## [10] "Oct" "Nov" "Dec"
```

Le stringhe possono poi essere "incollate" con il comando

```
paste("a","b",sep="")
```

dove sep indica il separatore usato. E tutto insieme

```
for (i in 1:5) cat(paste("a",toString(i),"\t",sep=""))
## a1 a2 a3 a4 a5
```

Il comando può anche essere utilizzato su vettori. Per esempio

```
paste(letters[1:10],1:10,sep="")
## [1] "a1" "b2" "c3" "d4" "e5" "f6" "g7" "h8" "i9"
## [10] "j10"
```

La recycling rule continua a valere

```
paste(letters[1:3],1:10,sep="")

## [1] "a1" "b2" "c3" "a4" "b5" "c6" "a7" "b8" "c9"

## [10] "a10"

paste(letters[1:3],1:12,sep="")

## [1] "a1" "b2" "c3" "a4" "b5" "c6" "a7" "b8" "c9"

## [10] "a10" "b11" "c12"
```

e giocando con rep si possono ottenere diverse combinazioni.

```
paste(rep(letters[1:3],each=5),1:15,sep="")

## [1] "a1" "a2" "a3" "a4" "a5" "b6" "b7" "b8" "b9"

## [10] "b10" "c11" "c12" "c13" "c14" "c15"

paste(rep(letters[1:3],ntimes=5),1:15,sep="")

## [1] "a1" "b2" "c3" "a4" "b5" "c6" "a7" "b8" "c9"

## [10] "a10" "b11" "c12" "a13" "b14" "c15"
```

Con l'opzione collapse="x" le stringhe vengono unite con separatore la stringa "x".

```
paste(c("X", "Y"), 1:4, sep = "-", collapse = "--")
## [1] "X-1--Y-2--X-3--Y-4"
```

Si noti il separatore - dell'operazione paste e - - dell'operazione collapse.

- 1. Inserisci il tuo cognome in una variabile 'cognome' ed il tuo nome in una variabile 'nome'. Crea una terza variabile 'nomecognome' che contenga entrambi separati da un TAB. Stampa a console la scritta "Good job" seguita dal valore di nomecognome.
- 2. Creare un elenco che contenga mesi e anno dal 2001 al 2010 nel seguente formato "tre lettere iniziali del mese-anno".
- 3. Costruire una tabella che contenga tutte le parole di 2 lettere.
- 4. Si consideri

```
paste(letters[1:7],1:7,sep="=")
```

Estendere la corrispondenza a tutto l'alfabeto.

- 5. Creare un elenco in cui a ciascun mese corrisponda il suo numero (a partire da gennaio).
- 6. Creare un elenco con nomi i mesi e valori il numero di giorni di ciascun mese.
- 7. Scrivere un elenco di 5 persone con le relative date di nascita nel formato anno-mesegiorno.

2.1.2 Vettori logici

I valori logici in R sono i valori TRUE e FALSE e corrispondono alla veridicità di un'affermazione. Per esempio

```
1:10 > 4

## [1] FALSE FALSE FALSE TRUE TRUE TRUE TRUE
## [10] TRUE
```

Ci fornisce simultaneamente i valori dei 10 confronti.

2.2 Vettori numerici e operazioni di aritmetica modulare

```
1:10
## [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
```

```
resto=(1:10)%%4
resto

## [1] 1 2 3 0 1 2 3 0 1 2

quoziente=(1:10)%/%4
quoziente

## [1] 0 0 0 1 1 1 1 2 2 2

resto+4*quoziente

## [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
```

2.3 Matrici

Assegnati $n \times m$ ingressi possiamo costruire una matrice (ossia una tabella) con n righe e m colonne. Occorre solo riempire la matrice per righe o per colonne. Ad esempio:

```
a<-matrix(letters[1:12],nrow=3,ncol=4)
a

## [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,] "a" "d" "g" "j"
## [2,] "b" "e" "h" "k"
## [3,] "c" "f" "i" "l"

class(a)

## [1] "matrix"</pre>
```

Se i parametri hanno natura diversa vengono resi uniformi

```
a<-matrix(c(1:6,letters[1:6]),nrow=3,ncol=4);a

## [,1] [,2] [,3] [,4]

## [1,] "1" "4" "a" "d"

## [2,] "2" "5" "b" "e"

## [3,] "3" "6" "c" "f"</pre>
```

2.3. MATRICI 11

Con il parametro byrow=T il riempimento avviene per righe, anzichè per colonne.

```
a <-matrix(1:12,nrow=3,ncol=4,byrow=T)
a

## [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,] 1 2 3 4
## [2,] 5 6 7 8
## [3,] 9 10 11 12</pre>
```

Se i numeri sono insufficienti vengono riciclati

```
a<-matrix(1:4,nrow=3,ncol=4)
a

## [,1] [,2] [,3] [,4]

## [1,] 1 4 3 2

## [2,] 2 1 4 3

## [3,] 3 2 1 4
```

in modo pacifico se sono un sottomultiplo della dimensione della matrice o con qualche warning altrimenti.

```
a<-matrix(2,nrow=3,ncol=4)
a
```

Si possono anche definire gli ingressi attraverso opportune funzioni

```
for(j in (1:4)) for(i in (1:3)) a[i,j]<-i^2+j
```

Per assegnare nomi alle righe e alle colonne:

```
colnames(matrice) = c("nome_1", "nome_2", ..., "nome_n")
rownames(matrice) = c("nome_1", "nome_2", ..., "nome_n")
```

```
colnames(a)=c("c1","c2","c3","c4")
rownames(a)=c("r1","r2","r3")
a
```

```
## r1 1 4 3 2
## r2 2 1 4 3
## r3 3 2 1 4
```

Aggiungere righe o colonne

Per aggiungere una o più righe (o colonne) ad una matrice si possono usare i comandi (rbind e cbind)

Possiamo anche effettuare semplici operazioni, come somma degli elementi delle righe o delle colonne

```
colSums(a)

## c1 c2 c3 c4
## 6 7 8 9

rowSums(a)

## r1 r2 r3
## 10 10 10
```

2.3. MATRICI 13

2.3.1 Operazioni con le matrici

Trasposizione

Per invertire righe e colonne di una matrice ossia per ottenere il trasposto di una matrice si usa il comando t(matrice)

```
t(a)

## r1 r2 r3

## c1 1 2 3

## c2 4 1 2

## c3 3 4 1

## c4 2 3 4
```

Prodotto

Per la moltiplicazione di matrici (definita per ingressi numerici) si usa il simbolo %*%.

```
b<-matrix(2,nrow=3,ncol=3)
for(j in (1:3))
for(i in (1:3)) b[i,j]<-i+j+i^2
b
        [,1] [,2] [,3]
## [1,]
           3
                 4
## [2,]
           7
                      9
                 8
## [3,]
          13
                14
                     15
```

Non è infatti possibile moltiplicare una matrice 3x4 con una 3x3. Possiamo però calcolare

```
b%*%a

## c1 c2 c3 c4

## [1,] 26 26 30 38

## [2,] 50 54 62 74

## [3,] 86 96 110 128
```

Determinante

Il determinante di una matrice quadrata si ottiene con il comando

$$det(matrice)$$
 (2.1)

```
det(b)
## [1] 1.887379e-14
```

Si noti che se eseguendo i calcoli a mano si trovano in alcuni casi risultati diversi da quelli di R. Per esempio la matrice in esame ha determinante 0 e 0 ne è anche un autovalore.

1. Creare una matrice 3×2 che abbia come ingressi i primi 6 numeri pari. Estendere la matrice aggiungendo due colonne contenenti i primi 6 numeri dispari. Calcolare e stampare la somma per riga e la somma per colonna. Modifica la matrice cambiando di segno la prima riga. Moltiplicare la matrice per 4.

2.4 I dataframe

I dataframe (in R data.frame) costituiscono in R la classe di oggetti fondamentali per la collezione di dati per una susseguente analisi statistica. Un dataframe è una collezione di vettori aventi egual lunghezza e allineati verticalmente. Un dataframe è diverso da una matrice in quanto le colonne sono vettori eventualmente di tipi diversi. Il comando generale per costruire dataframe a partire da vettori o liste è data.frame. Esso richiede come parametri i nomi dei vettori (colonna) da affiancare nella tabella. In generale si scrive:

```
data.frame(vettore_1, vettore_2, \dots, vettore_n)
```

dove tutti i vettori hanno la stessa lunghezza. Si noti la asimmetria (rispetto ad una matrice) nel ruolo di righe e colonne. Le colonne sono omogenee, lo stesso non si può dire per le righe. Le colonne sono le variabili analizzate, le righe le unità statistiche. Anche i vari comandi che vedremo rispettano tale differenza. Il data frame classico da cui partiamo è iris

Per avere una stampa abbreviata

```
head(iris)
##
     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
               5.1
## 1
                            3.5
                                          1.4
                                                       0.2 setosa
## 2
               4.9
                            3.0
                                          1.4
                                                       0.2 setosa
               4.7
                            3.2
                                          1.3
                                                       0.2 setosa
## 3
## 4
               4.6
                            3.1
                                          1.5
                                                       0.2
                                                           setosa
## 5
               5.0
                            3.6
                                          1.4
                                                       0.2 setosa
## 6
               5.4
                            3.9
                                          1.7
                                                       0.4 setosa
```

2.4. I DATAFRAME

```
tail(iris)
       Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
                 6.7
                                           5.7
## 145
                             3.3
                                                        2.5
                                           5.2
                 6.7
                             3.0
                                                        2.3
## 146
## 147
                 6.3
                             2.5
                                           5.0
                                                        1.9
## 148
                 6.5
                             3.0
                                           5.2
                                                        2.0
## 149
                6.2
                             3.4
                                           5.4
                                                        2.3
                                           5.1
## 150
                 5.9
                             3.0
                                                        1.8
##
         Species
## 145 virginica
## 146 virginica
## 147 virginica
## 148 virginica
## 149 virginica
## 150 virginica
```

Il comando str consente una visualizzazione parziale che ci fornisce la struttura.

```
## 'data.frame': 150 obs. of 5 variables:
## $ Sepal.Length: num 5.1 4.9 4.7 4.6 5 5.4 4.6 5 4.4 4.9 ...
## $ Sepal.Width : num 3.5 3 3.2 3.1 3.6 3.9 3.4 3.4 2.9 3.1 ...
## $ Petal.Length: num 1.4 1.4 1.3 1.5 1.4 1.7 1.4 1.5 1.4 1.5 ...
## $ Petal.Width : num 0.2 0.2 0.2 0.2 0.4 0.3 0.2 0.2 0.1 ...
## $ Species : Factor w/ 3 levels "setosa", "versicolor", ..: 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
```

Per esempio possiamo considerare il dataframe d definito come segue

```
L3 <- LETTERS[1:3]
d <- data.frame(cbind(x=1, y=1:10,</pre>
fac=sample(L3, 10, replace=TRUE)),
stringsAsFactors=TRUE)
d
##
     x y fac
## 1
     1
        1
## 2
     1 2
            C
## 3
     1 3
            Α
## 4
    1 4
            C
            C
    1 5
## 5
## 6 1 6
            В
## 7 1 7
            C
## 8 1 8
            В
```

```
## 9 1 9 A
## 10 1 10 B
```

Si noti che anche in questo caso si usa la recycling rule

In quanto segue lavoreremo con il seguente dataframe che rappresenta i risultati di un'indagine svolta sugli studenti che nell'Anno Accademico 2007/2008 frequentavano il primo anno del corso di Laurea di Farmacia della Facoltà di Farmacia del Piemonte Orientale. Potete caricarlo in R dal pacchetto con il comando

```
data(farmacia)
```

Il comando colnames consente di visualizzare o assegnare il nome alle colonne. Per esempio

```
colnames(farmacia)
## [1] "Sex" "W" "H" "Eyes" "Hair" "Sh" "hM"
## [8] "hF"
```

Le varie colonne hanno dei nomi di facile interpretazione. Si noti anche che a fianco di variabili numeriche (W e H, peso-altezza ad esempio) sono presenti variabili nominali quali sesso (Sex) e colore degli occhi (Eyes). Per associare i nomi alle colonne alle varie colonne dobbiamo eseguire una operazione di collegamento con il comando attach,

```
attach(farmacia)
```

A questo punto digitando il nome delle colonne appare il contenuto della colonna

Le variabili nominali sono caratterizzate dal fatto che i loro valori (livelli, levels) non hanno significato numerico, anche se possono essere codificati con dei numeri. Ad esempio il sesso di una persona è una variabile nominale con due possibili valori, che sono stati indicati qui con la convenzione "F" per le femmine e "M" per i maschi. Se volessimo eliminare i livelli di una variabile nominale potremmo scrivere

2.4. I DATAFRAME

Possiamo anche considerare il processo inverso e cambiare una variabile priva di livelli in una nominale

$$factor(variabile) \rightarrow variabile$$

Per definire i suoi livelli (ad esempio n) scriveremo:

```
levels(variabile) \leftarrow c(nome<sub>1</sub>, nome<sub>2</sub>, ..., nome<sub>n</sub>)
```

Per rendere la variabilie Sex nominale con nomi dei livelli F e M) scriveremo:

Con il comando detach si può eliminare l'associazione creata tra colonne e nomi delle colonne. Consideriamo ora un *dataset* simile raccolto dagli studenti di Biotecnologie dello stesso anno

Scrivendo

```
class(biotec)
## [1] "data.frame"
```

vediamo che anche biotec è un dataframe. Inoltre confrontando i nomi delle colonne di farmacia e di biotec possiamo verificare che sono essenzialmente uguali a meno di traduzione e eventuale abbreviazione. Possiamo creare un dataframe unico che raggruppi biotec e farmacia. Per farlo vorremmo incollare un dataframe sopra all'altro. A tal fine occorre uniformare i nomi delle colonne scrivendo per esempio

```
colnames(biotec)=colnames(farmacia)
studenti=rbind(farmacia, biotec)
head(studenti)
##
     Sex
                     Eyes
                             Hair Sh
                                             hF
               Η
                                        hM
## 1
       F 62 1.75
                  CASTANI CASTANI 40 1.77 1.78
## 2
       M 64 1.84
                  CASTANI CASTANI 43 1.72 1.80
                  CASTANI CASTANI 44 1.65 1.73
## 3
       M 80 1.70
       M 80 1.75
                  CASTANI
                             NERI 44 1.66 1.78
## 4
       F 50 1.70 NOCCIOLA
## 5
                             NERI 38 1.65 1.79
       M 63 1.88 CASTANI BIONDI 44 1.58 1.75
## 6
```

Si noti che il comando **rbind** incolla per riga, mentre l'analogo comando **cbind** incolla le colonne. Le intestazioni di riga di dati sono

```
rownames(studenti)
              "2"
                    "3"
                           "4"
                                 "5"
                                       "6"
                                             "7"
##
    [1] "1"
    [8]
        "8"
              "9"
                    "10"
                           "11"
                                 "12"
                                       "13"
                                             "14"
## [15] "15"
             "16"
                    "17"
                          "18"
                                 "19"
                                       "20"
                                             "21"
  [22] "22"
             "23"
                    "24"
                          "25"
                                 "26"
                                       "27"
                                             "28"
  [29] "29"
             "30"
                    "31"
                          "32"
                                 "33"
                                       "34"
                                             "35"
##
  [36] "36"
             "37"
                    "38"
                          "39"
                                "40"
                                       "41"
                                             "42"
## [43] "43"
             "44"
                    "45"
                          "46"
                                 "47"
                                       "48"
                                             "49"
## [50] "50"
             "51"
                    "52"
                          "53"
                                 "54"
                                       "55"
                                             "110"
## [57] "210" "310" "410" "56"
                                 "61"
                                       "71"
  [64] "91" "101" "111" "121" "131" "141" "151"
## [71] "161" "171" "181" "191" "201" "211" "221"
## [78] "231" "241" "251" "261" "271" "281" "291"
## [85] "301" "311" "321" "331" "341" "351" "361"
## [92] "371" "381" "391" "401" "411"
```

Per correggere la strana numerazione possiamo scrivere

```
rownames(studenti)=seq(length=nrow(studenti))
```

Giunti a questo punto la tabella dati presenta ancora alcuni problemi; per esempio se scriviamo

```
levels(studenti$Eyes)

## [1] "AZZURRI" "CASTANI" "MARRONI" "NERI"

## [5] "NOCCIOLA" "VERDI" "azzurri" "castani"

## [9] "marroni" "verdi"
```

Ci incuriosisce il dato con gli occhi neri. Verifichiamo:

```
studenti[which(studenti$Eyes=="NERI"),]

## Sex W H Eyes Hair Sh hM hF
## 20 M 69 1.7 NERI NERI 41 1.55 1.75
```

Possiamo ritenere che sia un errore e che in realtà gli occhi siano marroni molto scuri. Risulta evidente che nel riportare i colori degli occhi si sono usate dizioni diverse per colori essenzialmente uguali, per esempio i livelli "CASTANI", "NOCCIOLA", "MARRONI" possono esser fatti confluire in un unico livello "castani" e possiamo rendere minuscoli i nomi degli altri livelli con il comando

A questo punto

```
levels(studenti$Eyes)
## [1] "azzurri" "castani" "verdi"
```

Facciamo lo stesso con i capelli

Selezione in base a criteri

Supponiamo di voler selezionare gli studenti con gli occhi castani. Basta scrivere

```
subset(studenti,studenti$Eyes=="verdi")
                Η
                  Eyes
                           Hair Sh
## 7
        F 63 1.70 verdi castani 38 1.72 1.82
## 17
        F 51 1.55 verdi castani 37 1.60 1.70
## 25
        F 91 1.81 verdi biondi 42 1.60 1.87
## 33
        M 75 1.82 verdi castani 43 1.60 1.75
## 35
        F 46 1.64 verdi castani 37 1.56 1.89
        F 56 1.70 verdi castani 39 1.68 1.90
## 37
## 38
        F 55 1.65 verdi castani 38 1.68 1.70
## 41
        M 56 1.70 verdi castani 39 1.65 1.80
## 42
        M 67 1.73 verdi castani 42 1.55 1.85
## 47
        F 52 1.75 verdi biondi 38 1.62 1.80
## 51
        M 75 1.76 verdi castani 42 1.60 1.68
## 58
        M 64 1.74 verdi castani 41 1.63 1.80
## 60
        M 64 1.80 verdi castani 42 1.56 1.75
## 72
        F 55 1.67 verdi castani 40 1.60 1.80
## 76
        M 85 1.84 verdi castani 43 1.69 1.69
## 77
        F 60 1.67 verdi castani 38 1.64 1.70
        F 62 1.61 verdi castani 39 1.60 1.66
## 81
## 90
        F 49 1.60 verdi castani 40 1.58 1.75
## 91
        F 62 1.76 verdi biondi 40 1.70 1.73
## 93
        F 53 1.65 verdi castani 38 1.55 1.85
        M 80 1.80 verdi castani 44 1.68 1.70
## 95
```

Se siamo invece interessati al colore dei capelli degli studenti con occhi castani

```
subset(studenti,studenti$Eyes=="verdi",select="Hair")
##
         Hair
## 7
      castani
## 17 castani
## 25 biondi
## 33 castani
## 35 castani
## 37 castani
## 38 castani
## 41 castani
## 42 castani
## 47 biondi
## 51 castani
## 58 castani
## 60 castani
```

2.5. GLI ARRAY

```
## 72 castani
## 76 castani
## 77 castani
## 81 castani
## 90 castani
## 91 biondi
## 93 castani
## 95 castani
```

2.5 Gli array

Un array è una generalizzazione multidimensionale di una matrice. Gli array sono caratterizzati dal numero di dimensioni (se le dimensioni sono 2 un array si identifica con una matrice) e dal nome dei vari livelli

```
array(LETTERS[1:24],
\dim = c(2,3,4))
## , , 1
##
##
        [,1] [,2] [,3]
## [1,] "A" "C" "E"
## [2,] "B" "D" "F"
##
## , , 2
##
##
        [,1] [,2] [,3]
## [1,] "G" "I" "K"
## [2,] "H" "J" "L"
##
## , , 3
##
##
        [,1] [,2] [,3]
## [1,] "M" "O" "Q"
## [2,] "N" "P" "R"
##
## , , 4
##
##
        [,1] [,2] [,3]
## [1,] "S" "U" "W"
## [2,] "T" "V" "X"
```

2.6 Le liste

Una lista (in R list) è un vettore di oggetti. Gli oggetti possono avere un nome ed avere natura diversa fra di loro. Per esempio

```
x=list(a=month.abb, b=array(rep(0,20), dim=c(4,5)), c="your name")
X
## $a
## [1] "Jan" "Feb" "Mar" "Apr" "May" "Jun" "Jul"
  [8] "Aug" "Sep" "Oct" "Nov" "Dec"
##
## $b
       [,1] [,2] [,3] [,4] [,5]
##
## [1,]
        0
              0
                  0
                      0
## [2,] 0 0
                 0
## [3,] 0 0 0 0 0
       0 0 0 0 0
## [4,]
##
## $c
## [1] "your name"
```

Possiamo annidare anche liste entro liste

```
x=list(a=1:10,b=array(rep(0,20),dim=c(4,5)),
c="testo",d=list(g="h",r=1:10))
x
## $a
## [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
##
## $b
```

2.6. LE LISTE 23