

### Universidad de Concepción

Facultad de Ciencias Físicas y Matemáticas Departamento de Estadística

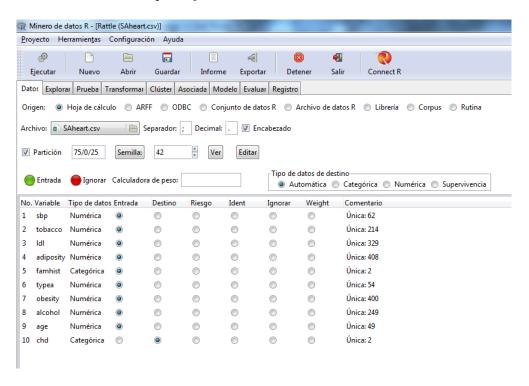
# LABORATORIO IV DATA MINING

Nombres: Katerin De la hoz Luna Fernando Peña Villalobos Ariel Pérez Almonacid

> Concepción 27 de junio de 2017

1)

1.1) El paso inicial es el mismo que en el laboratorio anterior, usando rattle() e importando la tabla SAheart, donde se buscará predecir qué pacientes poseen una enfermedad coronaria a partir de los otros datos que hay en la tabla:



Ahora, yendo a Modelo, se marca SVM, ocupando en este caso Núcleo: Radial Basis, y se ejecuta.

Resumen del modelo SVM (construido con ksvm):

Support Vector Machine object of class "ksvm"

SV type: C-svc (classification)

parameter : cost C = 1

Gaussian Radial Basis kernel function.

Hyperparameter: sigma = 0.105041657530422

Number of Support Vectors: 236

Objective Function Value: -181.8399

Training error: 0.196532 Probability model included.

Tiempo transcurrido: 0.16 segs

1.2) Para calcular la matriz de confusión, se cambia a la pestaña Evaluar, marcando en Matriz de Error y en SVM, el cual es el modelo con el que se está trabajando, y nuevamente se ejecuta, dando como resultado la siguiente matriz de confusión:

## Predicho Real No Si No 67 9 Si 23 17

De donde se puede extraer la siguiente información:

```
\begin{aligned} & \text{Precisi\'on Global} = 72\,\% \\ & \text{Precisi\'on Positiva} = 43\,\% \\ & \text{Precisi\'on Negativa} = 88\,\% \\ & \text{Falsos Positivos} = 12\,\% \\ & \text{Falsos Negativos} = 58\,\% \end{aligned}
```

Si se comparan estos resultados con los obtenidos utilizando árbol, cuya matriz de confusión es:

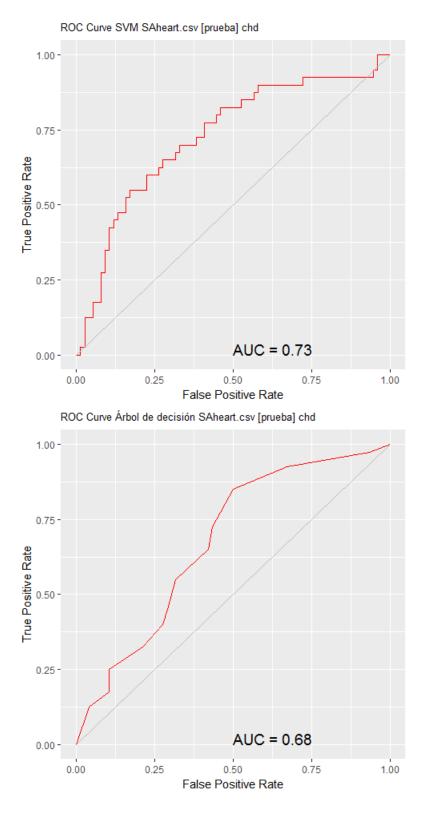
```
Predicho
Real No Si
No 55 21
Si 24 16
```

Y los indicadores son los siguientes:

```
\begin{aligned} & \text{Precisi\'on Global} = 61\,\% \\ & \text{Precisi\'on Positiva} = 40\,\% \\ & \text{Precisi\'on Negativa} = 72\,\% \\ & \text{Falsos Positivos} = 28\,\% \\ & \text{Falsos Negativos} = 60\,\% \end{aligned}
```

se puede observar que en este caso es más conveniente utilizar Máquinas de Soporte Vectorial, con el kernel elegido, debido a que nos interesa tener un porcentaje bajo de falsos negativos. En este caso, se tiene un  $58\,\%$  versus un  $60\,\%$ , respectivamente.

1.3) Para graficar la curva ROC, en la misma pestaña, se marca ROC y el tipo de modelo con el que se desea graficar esta curva (en este caso, Árbol y SVM).



Aquí se observa que, juzgando por el área bajo la curva ROC, para ambos casos se obtiene un resultado decente, siendo más conveniente el método de Máquinas de Soporte Vectorial (AUC=0.73) que el de árboles de decisión (AUC=0.68). Sin embargo, como ya se comentó, lo principal a tomar en cuenta en este caso es cuál método minimiza el porcentaje de falsos negativos, por lo que, a pesar de que en este caso coincidan, es más conveniente quedarse

con el criterio anterior para este problema.

1.4) Se regresa a la pestaña modelo y se ejecuta cambiando el Núcleo, según cuál se quiera ocupar. Para cada uno de los núcleos considerados, se obtuvieron las siguientes matrices de confusión:

#### Polynomial:

Predicho

Real No Si

No 61 15

Si 17 23

#### Linear:

Predicho

Real No Si

No 61 15

Si 17 23

#### Hyperbolic Tangent:

Predicho

Real No Si

No 61 15

Si 20 20

#### Laplacian:

Predicho

Real No Si

No 68 8

Si 23 17

#### Bessel:

Predicho

Real No Si

No 65 11

Si 23 17

#### ANOVA RBF:

Predicho

Real No Si

No 45 31

Si 19 21

#### Spline:

Predicho

Real No Si

No 55 21

Si 20 20

Para estos, se calcula el porcentaje de falsos negativos, que es el indicador de interés: Polynomial =  $43\,\%$ 

```
Linear = 43\%
Hyperbolic Tangent = 50\%
Laplacian = 58\%
Bessel = 58\%
ANOVA RBF = 48\%
Spline = 50\%
```

Así, el método más conveniente para este caso es Máquinas de Soporte Vectorial, escogiendo Núcleo Polynomial o Núcleo Linear.

#### Utilizando código

1) Utilizando el código anexado, se procede en busca del mismo objetivo, y se empieza por ejecutar el modelo de Máquinas de Soporte Vectorial con Núcleo radial y se compara con lo realizado con Árboles de Decisión a través de la matriz de confusión:

#### Radial:

Predicho
Real No Si
No 71 9
Si 23 12

#### Árboles:

Predicho
Real No Si
No 63 17
Si 17 18

Para SVM se tiene:

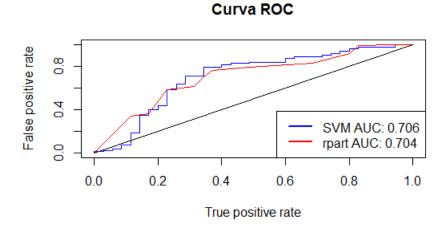
Precisión Global = 72%Precisión Positiva = 34%Precisión Negativa = 89%Falsos Positivos = 11%Falsos Negativos = 66%

Para árboles de decisión se tiene:

 $\begin{aligned} & \text{Precisi\'on Global} = 70\,\% \\ & \text{Precisi\'on Positiva} = 51\,\% \\ & \text{Precisi\'on Negativa} = 79\,\% \\ & \text{Falsos Positivos} = 21\,\% \\ & \text{Falsos Negativos} = 49\,\% \end{aligned}$ 

En esta ocasión, dado que los datos de aprendizaje y prueba fueron elegidos distintos a los usados con el comando Rattle, nos conviene más usar árboles de decisión, ya que el porcentaje de falsos negativos es menor.

Por otro lado, las curvas ROC que resultan de estos modelos son las siguientes:



Nuevamente, según estos gráficos, el mejor modelo vendría siendo la Máquina de Soporte Vectorial con núcleo radial. Sin embargo, como ya se mencionó, en este caso se conviene juzgar según lo hecho en el paso anterior.

Ahora se procede a utilizar tres modelos más de Máquinas de Soporte Vectorial, pero utilizando otros núcleos.

#### Polynomial:

Predicho

Real No Si

No 75 5

Si 19 16

#### Lineal:

Predicho

Real No Si

No 70 10

Si 19 16

#### Hyperbolic Tangent:

Predicho

Real No Si

No 65 15

Si 21 14

cuyos porcentajes de falsos negativos son:

Polynomial = 54%

Linear = 54%

Hyperbolic Tangent = 60%

De aquí se vuelve a apreciar un mejor resultado para el caso de los núcleos Linear y Polynomial (siendo el árbol en esta ocasión mejor que ambos).

2)

- 2.1) En primera instancia ocuparemos Máquina de Soporte Vectorial con kernel lineal y el  $70\,\%$  de los datos para entrenar el método ignorando la variable ID. En este caso se utilizaron 545 vectores de soporte.
- 2.2) rattle() nos entrega la siguiente matriz de confusión.

Predicho
Real No Yes
No 114 50
Yes 45 91

Precisión global=68%Precisión positiva=67%

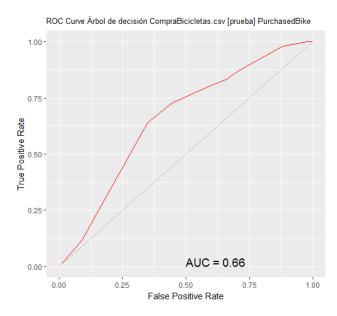
Usando Árboles de Decisión se tiene la siguiente matriz de confusión..

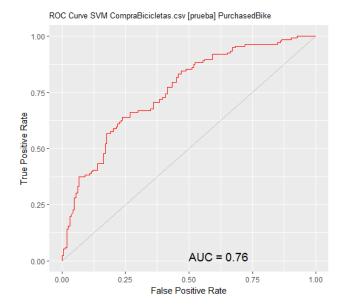
Predicho
Real No Yes
No 107 57
Yes 49 87

Precisión global= $65\,\%$ Precisión positiva= $63\,\%$ 

Notamos que en ambos casos la precisión global es aceptable pero es más alta en el método de Máquinas de Soporte Vectorial. Como el objetivo es vender el máximo de bicicletas , nos interesa la precisión positiva y nuevamente es mejor SVM.

2.3) La curvas ROC son las siguientes.





Como el área bajo la curva de la curva ROC generada por SVM es mayor, se confirma la posible mayor efectividad de este último modelo.

#### Utilizando código

2)

- 2.1) Utilizando el código anexado, se procede en busca del mismo objetivo, y se empieza por ejecutar el modelo de Máquinas de Soporte Vectorial con núcleo lineal y 532 vectores de soporte.
- 2.2) Utilizando el modelo de Máquinas de Soporte Vectorial se obtiene la matriz de confusión.

Predicho
No Yes
No 99 41
Yes 72 88

Precisión global=62 %

Precisión positiva= $55\,\%$ 

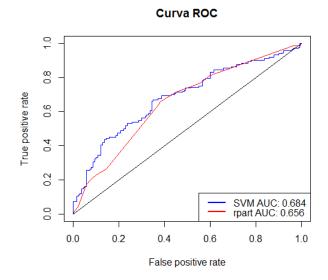
Utilizando Árboles de Decisión tenemos la siguiente matriz de confusión.

Predicho
No Yes
No 100 40
Yes 72 88

Precisión global= $63\,\%$ Precisión positiva= $55\,\%$ 

Ahora obtenemos menor precisión positiva en ambos modelos, sin embargo la precisión global es levemente mejor en el modelo de Árbol de decisión.

2.3) La curva ROC de ambos modelos se adjuntan en el siguiente gráfico



Sigue siendo mayor el área bajo la curva generada por el modelo SVM.

#### Utilizando Rattle

3)

3.1) Luego de probar el método de Máquinas de Soporte Vectorial con varios núcleos, el criterio para escoger el mejor fue comparar tiempo de ejecución y precisión global:

Núcleo	Tiempo de ejecución (segs)	precisión global (%)
Radial basis	43.67	94
Plynomial	22.02	93
Linear	15.50	93
Hyperbolic Tangent	116.40	36
Laplacian	117.60	90
Bessel	535.80	7

Así, se escoge el núcleo linear, ya que tiene el menor tiempo de ejecución y una de las más altas precisiones globales.

En el caso de árbol de decisión, el tiempo fue de 17.9 segs y la precisión de 73 %.

3.2 La matriz de confusión para SVM con núcleo linear es la siguiente:

	Predicho									
Real	cero	${\tt cinco}$	${\tt cuatro}$	dos	nueve	ocho	seis	siete	tres	uno
cero	351	0	2	3	0	1	2	0	0	0
cinco	5	141	2	0	2	3	0	0	7	0
cuatro	2	2	181	5	4	0	2	2	0	2
dos	3	5	3	179	0	3	1	1	3	0
nueve	0	1	2	0	171	0	0	3	0	0
ocho	7	4	0	4	3	144	0	0	4	0
seis	0	2	4	2	0	1	161	0	0	0
siete	0	0	6	1	5	1	0	134	0	0

tres	2	9	0	2	0	4	0	1	148	0
uno	0	0	5	0	1	1	3	0	0	254

Y las precisiones positivas para cada número son:

cero = 98%

cinco = 89%

cuatro = 91%

dos = 90%

nueve = 97%

ocho = 87%

 $\mathrm{seis} = 95\,\%$ 

siete = 91%

tres = 89%

uno = 96%

Así, estos indicadores y lo obtenido en la parte 1, permiten concluir que es mejor utilizar SVM, con el núcleo escogido, que árbol de decisión.

Los números con las precisiones positivas más bajas, para el caso de SVM, son el ocho, cuatro y dos, que aún así poseen valores altos. En el caso de árbol de decisión, estos números también tuvieron bajos porcentajes del indicador. El ocho se confundió mucho con el cero, el cuatro con el dos y el nueve, y el dos con el cinco. La principal razón de que estos números inducen una menor precisión tiene que ver con su forma; las curvas que los caracterizan y las distintas maneras de escribirlos.

3.3) Como existen más de dos clases, es decir, el problema no es del tipo clasificación binaria, no es posible obtener la curva ROC; y por lo tanto, la única forma de analizar el modelo de SVM, y compararlo con árbol de decisión, es midiante los indicadores descritos anteriormente.

#### Utilizando código

3) Como las tablas de aprendizaje y de prueba están previamente establecidas, los resultados usando rattle y usando código no varían significativamente (a diferencia del problema 1, donde la manera en la que los datos totales son divididos si genera cambios en los resultados).

La matrices de confusión, y los indicadores de interés, con el modelo SVM, son los siguientes:

prediccionsv	m
--------------	---

	cero	cinco	cuatro	dos	nueve	ocho	seis	siete	tres	uno
cero	348	0	3	3	0	1	4	0	0	0
cinco	5	141	2	0	1	3	0	1	7	0
cuatro	1	2	180	5	4	0	4	2	0	2
dos	1	4	3	178	0	3	2	1	6	0
nueve	0	1	2	0	171	0	0	3	0	0
ocho	5	4	0	1	1	147	1	0	7	0
seis	0	2	4	1	0	1	162	0	0	0
siete	0	0	6	1	4	1	0	135	0	0

tres	2	9	0	2	0	4	0	1	148	0
uno	0	0	5	0	0	0	3	0	0	256

Precisión global = 93%

Precisiones positivas para cada número:

 $cero=97\,\%$ 

cinco = 88%

cuatro = 90%

dos = 90%

nueve = 97%

ocho = 89%

 $\mathrm{seis} = 95\,\%$ 

 $\mathrm{siete} = 92\,\%$ 

 $\mathrm{tres} = 89\,\%$ 

uno = 97%

Para el caso de árbol de decisión, tampoco se obtienen resultados significativamente distintos a los obtenidos con rattle, por la misma razón dada anteriormente. La matriz de confusión y los indicadores de interés son los siguientes:

#### prediccionrpart

	cero	cinco	cuatro	dos	nueve	ocho	seis	siete	tres	uno
cero	294	2	1	31	0	15	1	0	12	3
cinco	17	89	2	6	1	7	10	2	15	11
cuatro	1	1	138	11	13	5	0	5	0	26
dos	9	2	13	111	4	24	11	5	10	9
nueve	0	0	1	2	138	7	0	8	5	16
ocho	1	3	2	11	5	120	1	2	12	9
seis	11	10	2	4	0	27	104	3	1	8
siete	0	1	10	6	4	3	0	113	1	9
tres	10	22	3	2	1	16	0	3	105	4
uno	1	1	3	2	8	5	0	1	0	243

Precisión global = 72%

Precisiones positivas para cada número:

cero = 82%

cinco = 56%

cuatro = 69%

 $\mathrm{dos} = 56\,\%$ 

nueve = 78%

ocho = 72%

 $\mathrm{seis} = 61\,\%$ 

siete = 77%

 $\mathrm{tres} = 63\,\%$ 

uno = 92%

ANEXO:

1) Máquinas de Soporte Vectorial con Núcleo Radial y Árboles de Decisión: Datos<-read.table('SAheart.csv', sep=";", dec=".", header=T) head(Datos) ##Fijamos la semilla de modo de poder comparar los resultados set.seed(30) #Generamos una muestra donde el 75% de los datos serán utilizados como #tabla de aprendizaje y el 25% como tabla de prueba (testing): muestra <-sample(1:nrow(Datos),nrow(Datos)%/%(100/25))</pre> ttesting<-Datos[muestra,] taprendizaje<- Datos[-muestra,]</pre> #Generamos el modelo utilizando la función kernel radial: modelosvm<-svm(chd~.,data=taprendizaje, kernel="radial")</pre> #Realizamos las predicciones sobre la tabla de prueba: prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting)</pre> #Calculamos la matriz de confusión y la precisión global: MCsvm<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionsvm)</pre> PGsvm<-(sum(diag(MCsvm)))/sum(MCsvm) PGsvm #Comparativa con árboles de decisión modelorpart<-rpart(chd~.,data=taprendizaje)</pre> prediccionrpart<-predict(modelorpart, ttesting, type="class")</pre> MCrpart<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionrpart)</pre> MCrpart PGrpart<-(sum(diag(MCrpart)))/sum(MCrpart) **PGrpart** #El siguiente código permite construir la curva ROC #sin la necesidad de recurrir a rattle: modelosvm<-svm(chd~.,data=taprendizaje, kernel="radial", probability=TRUE)</pre> modelorpart<-rpart(chd~.,data=taprendizaje)</pre> prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting, probability=TRUE)</pre> prediccionrpart<-predict(modelorpart, ttesting, probability=TRUE)</pre> prediccionsvm.rocr <- prediction(attr(prediccionsvm, "probabilities")[,2], ttesting\$cho</pre> prediccionrpart.rocr <- prediction(prediccionrpart[,1], ttesting\$chd)</pre> prediccionsvm.perf <- performance(prediccionsvm.rocr, "fpr", "tpr")</pre> prediccionrpart.perf <- performance(prediccionrpart.rocr, "fpr", "tpr" )</pre>

```
plot(prediccionsvm.perf, main="Curva ROC", col="blue")
 plot(prediccionrpart.perf, col="red", add=TRUE)
 lines(c(0,1), c(0,1), col="black")
 #El área bajo la curva, AUC, está dada por:
 AUCsvm<-1-as.numeric(slot(performance(prediccionsvm.rocr,"auc"), "y.values"))
 AUCsvm
 AUCrpart<-1- as.numeric(slot(performance(prediccionrpart.rocr, "auc"), "y.values"))
 AUCrpart
 legend("bottomright", c(paste("SVM", "AUC:",round(AUCsvm, 3)),
                           paste("rpart", "AUC:", round(AUCrpart,3))),
         lty = c(1,1), lwd=c(2.5,2.5), col=c("blue", "red"))
 Máquinas de Soporte Vectorial usando núcleo:
• Polinomial:
 set.seed(30)
 #Generamos una muestra donde el 75% de los datos serán utilizados como
 #tabla de aprendizaje y el 25% como tabla de prueba (testing):
 muestra <-sample(1:nrow(Datos),nrow(Datos)%/%(100/25))</pre>
 ttesting<-Datos[muestra,]
 taprendizaje<- Datos[-muestra,]</pre>
 #Generamos el modelo utilizando la función kernel polinomial:
 modelosvm<-svm(chd~.,data=taprendizaje, kernel="polynomial")</pre>
 #Realizamos las predicciones sobre la tabla de prueba:
 prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting)</pre>
 #Calculamos la matriz de confusión y la precisión global:
 MCsvm<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionsvm)</pre>
 MCsvm
 PGsvm<-(sum(diag(MCsvm)))/sum(MCsvm)
 #Generamos el modelo utilizando la función kernel polinomial:
 modelosvm<-svm(chd~.,data=taprendizaje, kernel="polynomial")</pre>
 #Realizamos las predicciones sobre la tabla de prueba:
 prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting)</pre>
 #Calculamos la matriz de confusión y la precisión global:
 MCsvm<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionsvm)</pre>
 MCsvm
```

```
PGsvm<-(sum(diag(MCsvm)))/sum(MCsvm)
 PGsvm
• Lineal:
 set.seed(30)
 #Generamos una muestra donde el 75% de los datos serán utilizados como
 #tabla de aprendizaje y el 25% como tabla de prueba (testing):
 muestra <-sample(1:nrow(Datos),nrow(Datos)%/%(100/25))</pre>
 ttesting <- Datos [muestra,]
 taprendizaje <- Datos [-muestra,]
 #Generamos el modelo utilizando la función kernel lineal:
 modelosvm<-svm(chd~.,data=taprendizaje, kernel="linear")</pre>
 #Realizamos las predicciones sobre la tabla de prueba:
 prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting)</pre>
 #Calculamos la matriz de confusión y la precisión global:
 MCsvm<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionsvm)</pre>
 MCsvm
 PGsvm<-(sum(diag(MCsvm)))/sum(MCsvm)
 PGsvm
 #Generamos el modelo utilizando la función kernel lineal:
 modelosvm<-svm(chd~.,data=taprendizaje, kernel="linear")</pre>
 #Realizamos las predicciones sobre la tabla de prueba:
 prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting)</pre>
 #Calculamos la matriz de confusión y la precisión global:
 MCsvm<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionsvm)</pre>
 PGsvm<-(sum(diag(MCsvm)))/sum(MCsvm)
 PGsvm
```

#### • Hyperbolic tangent:

```
#Generamos una muestra donde el 75% de los datos serán utilizados como
#tabla de aprendizaje y el 25% como tabla de prueba (testing):
muestra <-sample(1:nrow(Datos),nrow(Datos)%/%(100/25))
ttesting<-Datos[muestra,]</pre>
```

```
taprendizaje <- Datos [-muestra,]
  #Generamos el modelo utilizando la función kernel Hyperbolic Tangent:
  modelosvm<-svm(chd~.,data=taprendizaje, kernel="sigmoid")</pre>
  #Realizamos las predicciones sobre la tabla de prueba:
  prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting)</pre>
  #Calculamos la matriz de confusión y la precisión global:
  MCsvm<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionsvm)</pre>
  MCsvm
  PGsvm<-(sum(diag(MCsvm)))/sum(MCsvm)
  PGsvm
  #Generamos el modelo utilizando la función kernel Hyperbolic Tangent:
  modelosvm<-svm(chd~.,data=taprendizaje, kernel="sigmoid")</pre>
  #Realizamos las predicciones sobre la tabla de prueba:
  prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting)</pre>
  #Calculamos la matriz de confusión y la precisión global:
 MCsvm<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionsvm)</pre>
 PGsvm<-(sum(diag(MCsvm)))/sum(MCsvm)
  PGsvm
2 Máquina de Soporte Vectorial con Núcleo Linear y Árboles de decisión:
  library(rattle)
  ##Instalacion y carga de las librerias necesarias
  install.if.required <- function(x){</pre>
    if(!require(x, character.only=TRUE)){
      install.packages(x, dependencies = TRUE, character.only=TRUE)
      library(class, character.only=TRUE)
  }
  lapply(c("class", "e1071", "ROCR", "rpart"), install.if.required)
   if(!require(class)){
    install.packages("class", dependencies = TRUE)
     library(class)
   }
   if(!require(e1071)){
     install.packages("e1071", dependencies = TRUE)
     library(e1071)
   }
```

```
if(!require(ROCR)){#
                         install.packages("ROCR", dependencies = TRUE)
   library(ROCR)
Datos <- read.table ('Comprabicicletas.csv', sep=";", dec=".", header=T)
#Datos<-Datos[,-1] #Sacamos la primera columna de la ID de los clientes
head(Datos)
##Fijamos la semilla de modo de poder comparar los resultados
set.seed(30)
#Generamos una muestra donde el 70% de los datos seran utilizados como tabla
de aprendizaje y el 30%como tabla de prueba (testing):
muestra <-sample(1:nrow(Datos),nrow(Datos)%/%(100/30))</pre>
ttesting<-Datos[muestra,]
taprendizaje <- Datos [-muestra,]
#Generamos el modelo utilizando la funcion kernel lineal:
modelosvm<-svm(PurchasedBike~.,data=taprendizaje, kernel="linear")
#Realizamos las predicciones sobre la tabla de prueba:
prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting)</pre>
#Calculamos la matriz de confusion y la precision global:
MCsvm<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionsvm)</pre>
MCsvm
PGsvm<-(sum(diag(MCsvm)))/sum(MCsvm)
#Precision global y matriz de confusion para todos los datos
prediccionsvm.tablacompleta<-predict(modelosvm, Datos)</pre>
#Calculamos la matriz de confusion y la precision global:
MCsvm.tablacompleta<-table(Datos[,ncol(Datos)],prediccionsvm.tablacompleta)
MCsvm.tablacompleta
PGsvm.tablacompleta<-(sum(diag(MCsvm.tablacompleta)))/sum(MCsvm.tablacompleta)
PGsvm.tablacompleta
#Metodo de arbol para calcula la matriz de confusión y la precisión
global de los datos de prueba
library(rpart) #LO MISMO PERO CON ARBOL
modelorpart<-rpart(PurchasedBike~.,data=taprendizaje)</pre>
prediccionrpart<-predict(modelorpart, ttesting, type="class")</pre>
MCrpart<-table(ttesting[,ncol(Datos)],prediccionrpart)</pre>
MCrpart
PGrpart<-(sum(diag(MCrpart)))/sum(MCrpart)
PGrpart
#Metodo de arboles de desicion para la tabla copleta
modelorpart<-rpart(PurchasedBike~.,data=taprendizaje)</pre>
prediccionrpart.tablacompleta<-predict(modelorpart, Datos, type="class")</pre>
MCrpart.tablacompleta<-table(Datos[,ncol(Datos)],prediccionrpart.tablacompleta)
MCrpart.tablacompleta
```

```
PGrpart.tablacompleta
  #El siguiente codigo permite construir la curva ROC sin la necesidad de recurrir
   a rattle:
  modelosvm<-svm(PurchasedBike~.,data=taprendizaje, kernel="linear", probability=TRUE)
  modelorpart<-rpart(PurchasedBike~.,data=taprendizaje)</pre>
  prediccionsvm<-predict(modelosvm, ttesting, probability=TRUE)</pre>
  prediccionrpart<-predict(modelorpart, ttesting, probability=TRUE)</pre>
  prediccionsvm.rocr <- prediction(attr(prediccionsvm, "probabilities")[,2],</pre>
   ttesting$PurchasedBike)
  prediccionrpart.rocr <- prediction(prediccionrpart[,1], ttesting$PurchasedBike)</pre>
  prediccionsvm.perf <- performance(prediccionsvm.rocr, "tpr", "fpr")</pre>
  prediccionrpart.perf <- performance(prediccionrpart.rocr, "fpr", "tpr" )</pre>
  plot(prediccionsvm.perf, main="Curva ROC", col="blue")
  plot(prediccionrpart.perf, col="red", add=TRUE)
  lines(c(0,1), c(0,1), col="black")
  #El area bajo la curva, AUC, esta dada por:
  AUCsvm<-as.numeric(slot(performance(prediccionsvm.rocr, "auc"), "y.values"))
  AUCsvm
  AUCrpart<-1- as.numeric(slot(performance(prediccionrpart.rocr, "auc"), "y.values"))
  AUCrpart
  legend("bottomright", c(paste("SVM", "AUC:",round(AUCsvm, 3)), paste("rpart",
    "AUC:", round(AUCrpart,3))), lty = c(1,1), lwd=c(2.5,2.5),col=c("blue","red"))
3) Máquina de Soporte Vectorial con Núcleo Linear y Árboles de decisión:
  #Cargamos la tabla de entrenamiento y de testeo
  train <- read.csv("ZipDataTrainCod.csv", sep = ";", dec = ".", header = T)</pre>
  head(train)
  test <- read.csv("ZipDataTestCod.csv", sep = ";", dec = ".", header = T)</pre>
  head(test)
```

PGrpart.tablacompleta<-(sum(diag(MCrpart.tablacompleta)))/sum(MCrpart.tablacompleta)

modelosvm <- svm(Numero~., data = train, kernel = "linear")</pre>

#Generamos el modelo SVM con núcleo linear

```
#Realizamos las predicciones sobre la tabla de testeo
prediccionsvm <- predict(modelosvm, test)</pre>
#Calculamos la matriz de confusion y la precision global
MCsvm <- table(test[,1], prediccionsvm)</pre>
MCsvm
PGsvm <- (sum(diag(MCsvm)))/(sum(MCsvm))
PGsvm
#Precisiones positivas
x \leftarrow rep(0,10)
y <- c("cero", "cinco", "cuatro", "dos", "nueve", "ocho", "seis", "siete", "tres", "uno")
PrecPossvm <- data.frame(y,x)</pre>
PrecPossvm <- as.matrix(PrecPossvm)</pre>
for (i in 1:10){
  PrecPossvm[i,2] <- round(((MCsvm[i,i])/(sum(MCsvm[i,])))*100)</pre>
PrecPossvm
#Comparativa con árbol de decisión
modelorpart <- rpart(Numero~., data = train)</pre>
prediccionrpart <- predict(modelorpart, test, type = "class")</pre>
MCrpart <- table(test[,1], prediccionrpart)</pre>
PGrpart <- (sum(diag(MCrpart)))/(sum(MCrpart))</pre>
PGrpart
PrecPosrpart <- data.frame(y,x)</pre>
PrecPosrpart <- as.matrix(PrecPosrpart)</pre>
for (i in 1:10){
  PrecPosrpart[i,2] <- round(((MCrpart[i,i])/(sum(MCrpart[i,])))*100)</pre>
PrecPosrpart
```