Nomogramma di Fagan con matplotlib

Max Pierini

info@maxpierini.it May 27, 2020

Il nomogramma di Fagan semplifica l'interpretazione delle Likelihood Ratios di un test, segno o sintomo, data la probabilità di malattia priori, indicando la risultante probabilità di malattia a posteriori [1] [2] fornendo uno strumento grafico di facile utilizzo senza la necessità di effettuare calcoli.

Costruiamo passo per passo un nomogramma di Fagan con matplotlib in Python.

```
[1]: import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from IPython.display import clear_output, display, Markdown
```

Sappiamo che gli Odds a posteriori $\mathbf{O_{po}}$ dato il risultato di un test \odot (o la presenza di un segno o di un sintomo) sono pari alla Likelihood Ratio \mathbf{LR} del test (o del segno/sintomo) moltiplicato per gli Odds a priori $\mathbf{O_{pr}}$

$$O_{po} = LR \cdot O_{pr}$$

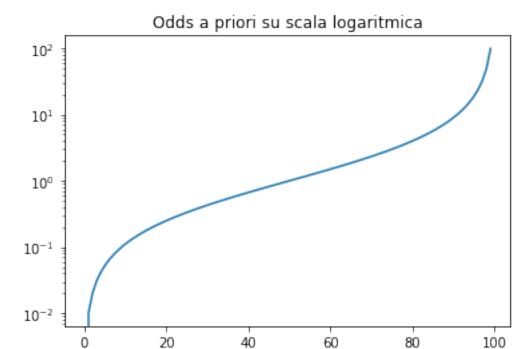
La relazione tra Odds e Probabilità è $\mathbf{0} = P/(1-P)$, possiamo dunque dire che

$$\frac{\mathbf{Po}}{1 - \mathbf{Po}} = \mathbf{LR} \cdot \frac{\mathbf{Pr}}{1 - \mathbf{Pr}}$$

dove **Po** è la probabilità di malattia a posteriori dato il risultato del test $\mathbf{Po} = P(M|\odot)$ e \mathbf{Pr} è la probabilità di malattia a priori $\mathbf{Pr} = P(M)$

I tre termini di questa equazione rappresentano la base dei tre assi dei nomogramma di Fagan che lega probabilità a priori e a posteriori di malattia in base alla Likelihood Ratio. In particolare, volendo porre a sinistra nel nomogramma l'asse delle probabilità a priori, a destra l'asse delle probabilità a posteriori e al centro l'asse delle Likelhood Ratios, possiamo riscrivere

$$\frac{\mathbf{Pr}}{1 - \mathbf{Pr}} = \frac{1}{\mathbf{LR}} \cdot \frac{\mathbf{Po}}{1 - \mathbf{Po}}$$



Data la natura logaritmica degli Odds, useremo scale logaritmiche per tutti gli assi e dunque riscriviamo

$$\log\left(\frac{\mathbf{Pr}}{1 - \mathbf{Pr}}\right) = \log\left(\frac{1}{\mathbf{LR}} \cdot \frac{\mathbf{Po}}{1 - \mathbf{Po}}\right)$$

Impostiamo la base del nomogramma, ponendo i tre assi ad $x = \{-1, 0, 1\}$ e impostando come limite per l'asse y l'intero più vicino al logaritmo del massimo e del minimo Odd che vogliamo usare

$$\mathbf{O}_{max} = \log\left(\frac{P_{max}}{1 - P_{max}}\right)$$

$$\mathbf{O}_{min} = \log \left(\frac{P_{min}}{1 - P_{min}} \right)$$

dove sceglieremo $P_{max}=99.9\%=.999$ e $P_{min}=0.1\%=0.001$ dunque

```
$$

$$

\mathbf{{0}}_{{\min}} = {\min:.2f}

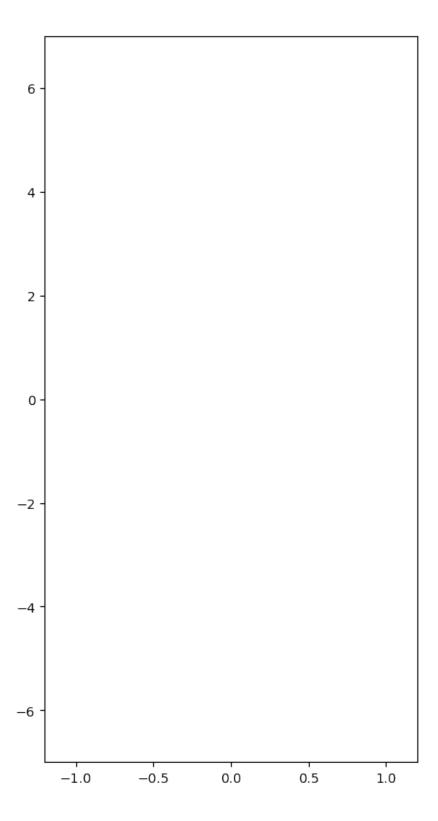
$$

"""))

fig, ax = plt.subplots(figsize=(5,10), dpi=100)
ax.set_xlim(-1.2, 1.2)
ax.set_ylim(Omin, Omax)
plt.show();
```

$$\mathbf{O}_{max} = 7.00$$

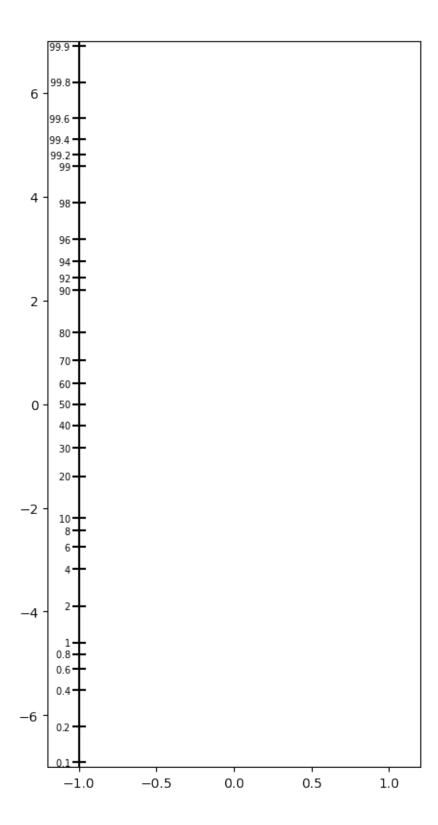
$$\mathbf{O}_{min} = -7.00$$



Iniziamo a disegnare il primo asse del nomogramma delle \mathbf{Pr} probabilità a priori, alle ascisse x=-1. I segni sull'asse corrisponderanno agli Odds mentre le etichette alle Probabilità.

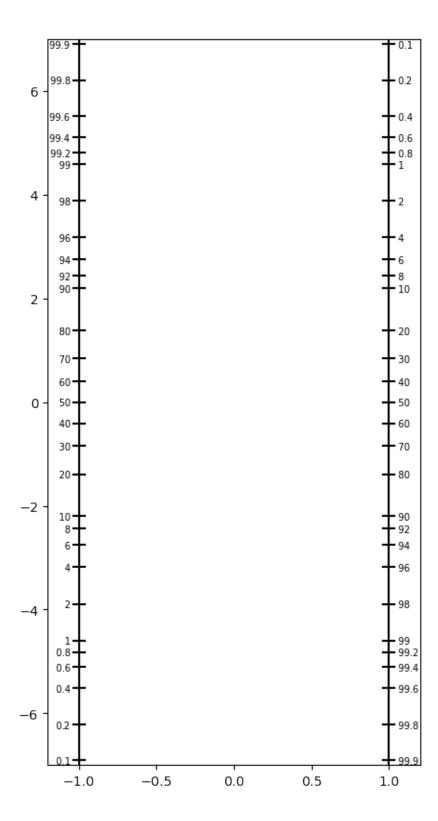
Scegliamo un vettore di Probabilità per i segni/etichette maggiori che vogliamo visualizzare e calcoliamo i corrispondenti valori Odds, ad esempio:

```
[4]: Pticks = np.sort(np.concatenate([
         np.arange(.1, .999, .1),
         np.arange(.08, 0, -.02),
         np.arange(.01, 0, -.002),
         np.arange(.92, .999, +.02),
         np.arange(.99, .999, +.002),
         [.001, .999]
     ]))
     print(f"Etichette Probabilità: {Pticks}")
    Etichette Probabilità: [0.001 0.002 0.004 0.006 0.008 0.01 0.02 0.04 0.06
    0.08 0.1
                0.2
     0.3
          0.4
                 0.5
                       0.6
                             0.7
                                  0.8
                                          0.9 0.92 0.94 0.96 0.98 0.99
     0.992 0.994 0.996 0.998 0.999]
[5]: Oticks = Pticks / (1 - Pticks)
     print(f"Etichette Odds: {Oticks}")
    Etichette Odds: [1.00100100e-03 2.00400802e-03 4.01606426e-03 6.03621730e-03
     8.06451613e-03 1.01010101e-02 2.04081633e-02 4.16666667e-02
     6.38297872e-02 8.69565217e-02 1.11111111e-01 2.50000000e-01
     4.28571429e-01 6.66666667e-01 1.00000000e+00 1.50000000e+00
     2.3333333e+00 4.00000000e+00 9.00000000e+00 1.15000000e+01
     1.56666667e+01 2.40000000e+01 4.90000000e+01 9.90000000e+01
     1.24000000e+02 1.65666667e+02 2.49000000e+02 4.99000000e+02
     9.99000000e+02]
    e applichiamolo al primo asse, ricordando la relazione tra Odds e Probabilità e la scala logaritmica
[6]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(5,10), dpi=100)
     ax.set_xlim(-1.2, 1.2)
     ax.set_ylim(Omin, Omax)
     ax.axvline(-1, c="k")
     ax.scatter([-1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(Oticks), marker="_", c="k",__
```



Applichiamo il medesimo ragionamento per l'asse destro delle probabilità a posteriori, ma invertendone i valori.

```
[7]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(5,10), dpi=100)
     ax.set_xlim(-1.2, 1.2)
     ax.set_ylim(Omin, Omax)
     ax.axvline(-1, c="k")
     ax.scatter([-1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(Oticks), marker="_", c="k",__
     for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
         ax.text(
             -1.05, np.log(Otick),
             f"{Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"{Ptick:.1%}$",
             fontsize=7, va="center", ha="right"
         )
     ax.axvline(+1, c="k")
     ax.scatter([+1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(1/Oticks), marker="_",__
     \hookrightarrow c="k", s=100)
     for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
         ax.text(
             +1.05, np.log(Otick),
             f"${1-Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${1-Ptick:.1%}$",
             fontsize=7, va="center", ha="left"
     plt.show();
```



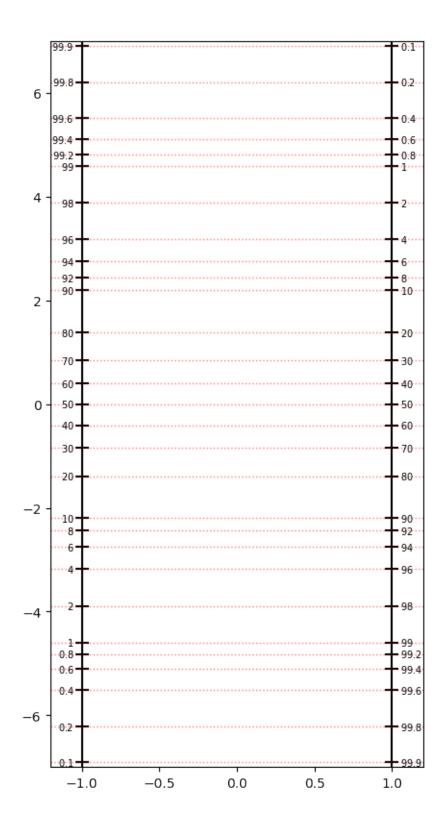
Occupiamoci ora dell'asse centrale delle Likelihood Ratios, scegliendo alcuni valori notevoli per i segni maggiori da mostrare. Ad esempio, le potenze di 10 da -3 a 3.

```
[8]: Lticks = [10 ** int(i) for i in np.arange(-3, 3.1, 1)]
print(f"Etichette Likelihood Ratios: {Lticks}")
```

Etichette Likelihood Ratios: [0.001, 0.01, 0.1, 1, 10, 100, 1000]

Per posizionare i segni notiamo che i valori a priori e a posteriori sono complementari lungo l'asse x (avevamo infatto invertito l'asse destro)

```
[9]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(5,10), dpi=100)
     ax.set_xlim(-1.2, 1.2)
     ax.set_ylim(Omin, Omax)
     ax.axvline(-1, c="k")
     ax.scatter([-1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(Oticks), marker="_", c="k",_
     ⇒s=100)
     for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
         ax.text(
             -1.05, np.log(Otick),
             f"${Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${Ptick:.1%}$",
             fontsize=7, va="center", ha="right"
         )
     ax.axvline(+1, c="k")
     ax.scatter([+1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(1/Oticks), marker="_",__
     \hookrightarrow c="k", s=100)
     for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
         ax.text(
             +1.05, np.log(Otick),
             f"${1-Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${1-Ptick:.1%}$",
             fontsize=7, va="center", ha="left"
         )
     # Valori complementari esempio
     for Otick in Oticks:
         ax.axhline(np.log(Otick), c="r", ls=":", alpha=.5, lw=1)
     plt.show();
```



Pertanto è sufficiente risolvere l'equazione

$$\frac{1 - \mathbf{Pr}}{\mathbf{Pr}} = \mathbf{LR} \cdot \frac{\mathbf{Pr}}{1 - \mathbf{Pr}}$$

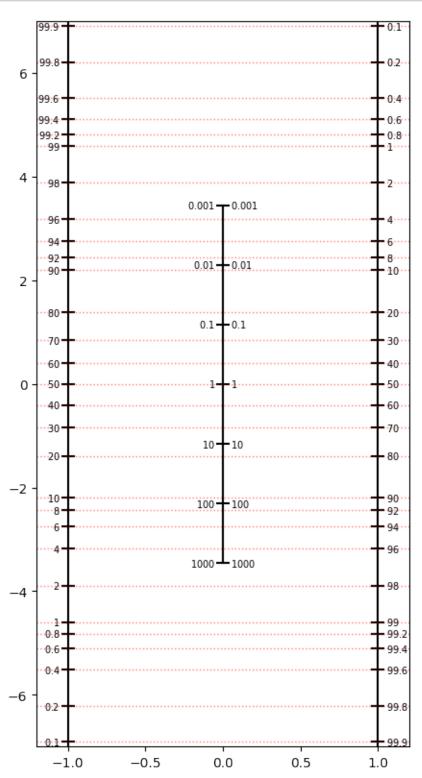
da cui otteniamo

$$\mathbf{Pr} = \frac{1}{1 + \sqrt{\mathbf{LR}}}$$

e calcolare poi i corrispondenti Odds per ottenere il valore della coordinata sull'asse y del contenitore

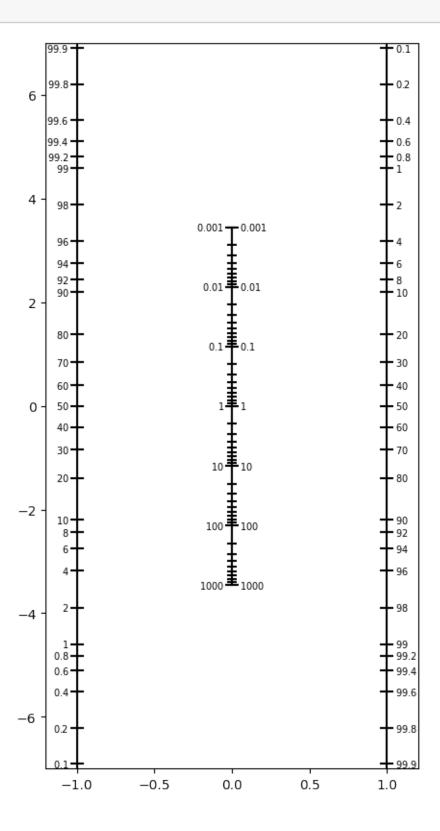
```
[10]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(5,10), dpi=100)
      ax.set xlim(-1.2, 1.2)
      ax.set_ylim(Omin, Omax)
      ax.axvline(-1, c="k")
      ax.scatter([-1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(Oticks), marker="_", c="k",_
       ⇒s=100)
      for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
          ax.text(
              -1.05, np.log(Otick),
              f"${Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${Ptick:.1%}$",
              fontsize=7, va="center", ha="right"
          )
      ax.axvline(+1, c="k")
      ax.scatter([+1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(1/Oticks), marker="_",__
       \hookrightarrow c = "k", s = 100)
      for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
          ax.text(
              +1.05, np.log(Otick),
              f"${1-Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${1-Ptick:.1%}$",
              fontsize=7, va="center", ha="left"
          )
      0ps = []
      for Ltick in Lticks:
          Op = 1 / (np.sqrt(Ltick) + 1)
          Ops.append(Op)
          ax.scatter(0, np.log(0p/(1-0p)), marker="_", c="k", s=100)
          ax.text(+.05, np.log(0p/(1-0p)), f"{\{Ltick\}}, fontsize=7, c="k", []
       ⇔va="center", ha="left")
          ax.text(-.05, np.log(0p/(1-0p)), f"${Ltick}$", fontsize=7, c="k",__
       →va="center", ha="right")
      ax.plot([0,0], [np.log(0ps[0]/(1-0ps[0])), np.log(0ps[-1]/(1-0ps[-1]))], c="k", [
       ن-ا=="-")
      # Valori complementari esempio
```

```
for Otick in Oticks:
    ax.axhline(np.log(Otick), c="r", ls=":", alpha=.5, lw=1)
plt.show();
```



Possiamo ora aggiungere dei segni minori sull'asse di $\mathbf{L}\mathbf{R}$ e rimuovere le linee verticali dei valori complementari

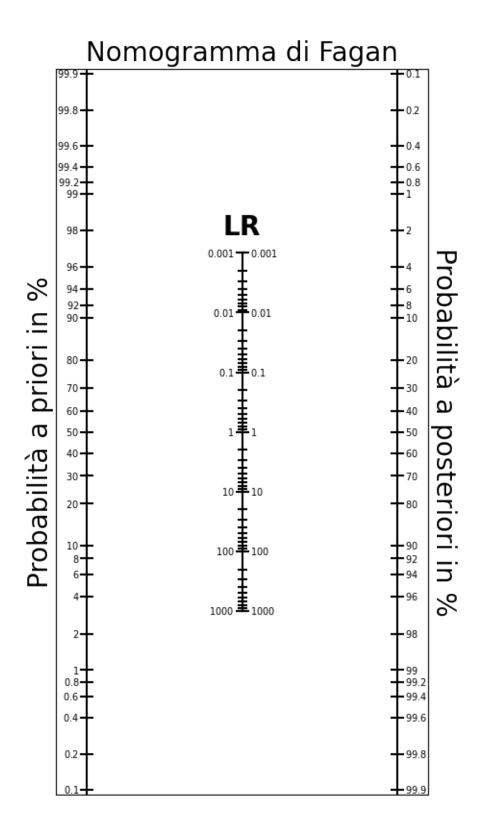
```
[11]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(5,10), dpi=100)
      ax.set_xlim(-1.2, 1.2)
      ax.set_ylim(Omin, Omax)
      ax.axvline(-1, c="k")
      ax.scatter([-1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(Oticks), marker="_", c="k",_
      for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
          ax.text(
              -1.05, np.log(Otick),
              f"${Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${Ptick:.1%}$",
              fontsize=7, va="center", ha="right"
          )
      ax.axvline(+1, c="k")
      ax.scatter([+1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(1/Oticks), marker="_",__
      \hookrightarrow c = "k", s = 100)
      for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
          ax.text(
              +1.05, np.log(Otick),
              f"${1-Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${1-Ptick:.1%}$",
              fontsize=7, va="center", ha="left"
          )
      0ps = []
      for Ltick in Lticks:
          Op = 1 / (np.sqrt(Ltick) + 1)
          Ops.append(Op)
          ax.scatter(0, np.log(0p/(1-0p)), marker=" ", c="k", s=100)
          ax.text(+.05, np.log(0p/(1-0p)), f"${Ltick}$", fontsize=7, c="k", \_
       ⇔va="center", ha="left")
          ax.text(-.05, np.log(0p/(1-0p)), f"{\{Ltick\}}, fontsize=7, c="k", []
       →va="center", ha="right")
          minors = [Ltick-10**int(np.log10(Ltick)-1)*i for i in range(9)]
          for minor in minors:
              if minor < .001:
                   continue
              Op = 1 / (np.sqrt(minor) + 1)
              ax.scatter(0, np.log(0p/(1-0p)), marker="_", c="k", s=50)
      ax.plot([0,0], [np.log(0ps[0]/(1-0ps[0])), np.log(0ps[-1]/(1-0ps[-1]))], c="k", [np.log(0ps[-1]/(1-0ps[-1]))]
       →ls="-")
```



Gli assi del nomogramma sono completi, rimuoviamo i valori di ascisse e coordinate del contenitore, aggiungiamo titolo ed etichette degli assi del nomogramma

```
[12]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(5,10), dpi=100)
      ax.set_xlim(-1.2, 1.2)
      ax.set_ylim(Omin, Omax)
      ax.axvline(-1, c="k")
      ax.scatter([-1 for in range(len(Pticks))], np.log(Oticks), marker=" ", c="k",,,
      \rightarrows=100)
      for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
          ax.text(
              -1.05, np.log(Otick),
              f"${Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${Ptick:.1%}$",
              fontsize=7, va="center", ha="right"
          )
      ax.axvline(+1, c="k")
      ax.scatter([+1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(1/Oticks), marker="_",__
       \hookrightarrow C="k", S=100)
      for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
          ax.text(
              +1.05, np.log(Otick),
              f"${1-Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${1-Ptick:.1%}$",
              fontsize=7, va="center", ha="left"
          )
      Ops = []
      for Ltick in Lticks:
          Op = 1 / (np.sqrt(Ltick) + 1)
          Ops.append(Op)
          ax.scatter(0, np.log(0p/(1-0p)), marker=" ", c="k", s=100)
          ax.text(+.05, np.log(0p/(1-0p)), f"${Ltick}$", fontsize=7, c="k", []
       ⇔va="center", ha="left")
          ax.text(-.05, np.log(0p/(1-0p)), f"${Ltick}$", fontsize=7, c="k", __

ya="center", ha="right")
          minors = [Ltick-10**int(np.log10(Ltick)-1)*i for i in range(9)]
          for minor in minors:
              if minor < .001:</pre>
                  continue
              Op = 1 / (np.sqrt(minor) + 1)
              ax.scatter(0, np.log(0p/(1-0p)), marker="_", c="k", s=50)
      ax.plot([0,0], [np.log(0ps[0]/(1-0ps[0])), np.log(0ps[-1]/(1-0ps[-1]))], c="k", [-1])
       →ls="-")
      ax.set xticks([])
      ax.set_yticks([])
```



Possiamo ora testarlo per alcuni valori di Probabilità a priori e Likelihood Ratio, ricordando che i

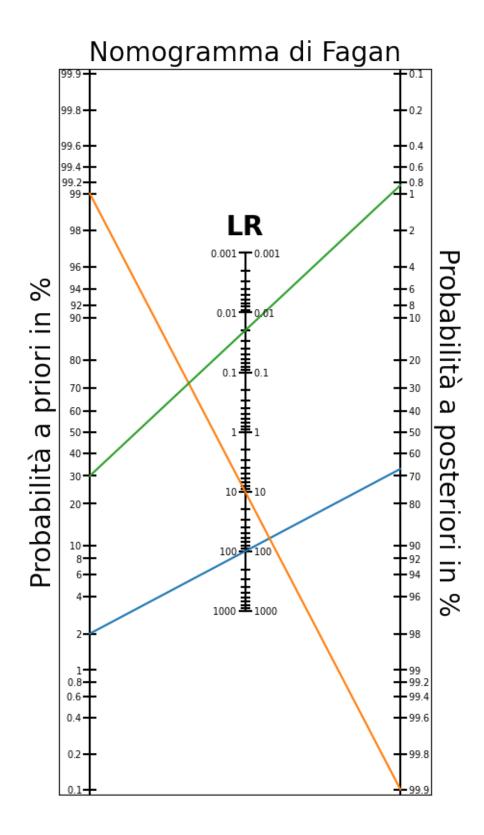
valori a priori e posteriori sono complementari sui due assi dunque la funzione per determinare la coordinata y della Probabilità a posteriori sarà

$$\log\left(\frac{\mathbf{Pr}}{1-\mathbf{Pr}}\right) = \log\left(\frac{1}{\mathbf{LR}} \cdot \frac{1-\mathbf{Po}}{\mathbf{Po}}\right)$$

```
[13]: def Fagan(draw=[]):
          fig, ax = plt.subplots(figsize=(5,10), dpi=100)
          ax.set_xlim(-1.2, 1.2)
          ax.set_ylim(Omin, Omax)
          ax.axvline(-1, c="k")
          ax.scatter([-1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(Oticks), marker="_",_
       \rightarrowc="k", s=100)
          for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
              ax.text(
                  -1.05, np.log(Otick),
                  f"${Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${Ptick:.1%}$",
                  fontsize=7, va="center", ha="right"
              )
          ax.axvline(+1, c="k")
          ax.scatter([+1 for _ in range(len(Pticks))], np.log(1/Oticks), marker="_",_
       \hookrightarrow c = "k", s = 100)
          for Otick, Ptick in zip(Oticks, Pticks):
              ax.text(
                  +1.05, np.log(Otick),
                  f"${1-Ptick:.0%}$" if Ptick<=.99 and Ptick>=.01 else f"${1-Ptick:.
       →1%}$",
                  fontsize=7, va="center", ha="left"
              )
          Ops = []
          for Ltick in Lticks:
              Op = 1 / (np.sqrt(Ltick) + 1)
              Ops.append(Op)
              ax.scatter(0, np.log(0p/(1-0p)), marker="\_", c="k", s=100)
              ax.text(+.05, np.log(Op/(1-Op)), f"{Ltick}$", fontsize=7, c="k", __
       ⇔va="center", ha="left")
              ax.text(-.05, np.log(0p/(1-0p)), f"${Ltick}$", fontsize=7, c="k", []
       →va="center", ha="right")
              minors = [Ltick-10**int(np.log10(Ltick)-1)*i for i in range(9)]
              for minor in minors:
                  if minor < .001:
                       continue
                  Op = 1 / (np.sqrt(minor) + 1)
```

```
ax.scatter(0, np.log(0p/(1-0p)), marker="_", c="k", s=50)
  ax.plot([0,0], [np.log(0ps[0]/(1-0ps[0])), np.log(0ps[-1]/(1-0ps[-1]))],_{U}
\hookrightarrow c="k", ls="-")
  ax.set_xticks([])
  ax.set yticks([])
  ax.set_title("Nomogramma di Fagan", fontsize=20)
  ax.text(-1.3, 0, "Probabilità a priori in %", ha="center", va="center",
→fontsize=20, rotation=90)
   ax.text(+1.3, 0, "Probabilità a posteriori in %", ha="center", va="center",
ax.text(0, np.log(0ps[0]/(1-0ps[0]))+.5, "$\mathbf{LR}$", ha="center", |
for line in draw:
      Opo = line[1] * (line[0]/(1-line[0]))
      Ppo = Opo/(1+Opo)
      print(f"Pr:{line[0]:>7.2%} LR:{line[1]:>7.2f} Po:{Ppo:>7.2%}")
      ax.plot(
           [-1, 1], [np.log(line[0]/(1-line[0])), np.log((1-line[0])/
\hookrightarrow (line[0]*line[1]))]
  plt.show();
```

Pr: 2.00% LR: 100.00 Po: 67.11% Pr: 99.00% LR: 10.00 Po: 99.90% Pr: 30.00% LR: 0.02 Po: 0.85%



Il nomogramma è completo e corretto.

References

- [1] F. Franco and A. Di Napoli, "Rapporto di verosimiglianza del risultato positivo e negativo di un test diagnostico e teorema di bayes," *Giornale di Clinica Nefrologica e Dialisi*, vol. 28, no. 2, pp. 134–136, 2016.
- [2] C. G. Caraguel and R. Vanderstichel, "The two-step fagan's nomogram: ad hoc interpretation of a diagnostic test result without calculation," *BMJ Evidence-Based Medicine*, vol. 18, no. 4, pp. 125–128, 2013.