Uebung 4: Shrinkage

Computational Statistics Sommersemester 2019 April 15, 2019 J. Groos (FBMN, h da)

Name:

Aufgabe 1

a)

```
packageTest("ElemStatLearn")
linreg <- lm(lpsa~.-train, data = prostate)
linreg_coeff <- linreg$coefficients</pre>
```

b)

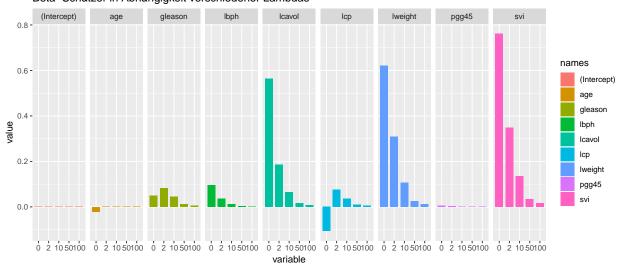
```
packageTest("glmnet")
ridgereg_0 <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 0, lambda = 0)
ridgereg_0_coeff = as.data.frame(as.matrix(ridgereg_0$beta))
ridgereg_10 <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 0, lambda = 10)
ridgereg_10_coeff = as.data.frame(as.matrix(ridgereg_10$beta))
ridgereg_coeffs <- data.frame(ridgereg_0_coeff, ridgereg_10_coeff, linreg_coeff)</pre>
colnames(ridgereg_coeffs) <- c("lambda_0", "lambda_10", "linreg")</pre>
ridgereg_coeffs
                   lambda 0 lambda 10
                                             linreq
#> (Intercept) 0.000000000 0.000000000 0.181560862
#> lcavol 0.564271417 0.064394837 0.564341279
#> lweight 0.622218451 0.106582457 0.622019787
#> age
              -0.021251155 0.001718267 -0.021248185
             0.096678106 0.012817952 0.096712523
#> lbph
              0.761615376 0.135335780 0.761673403
#> svi
#> lcp
              -0.106066349 0.036490103 -0.106050939
              0.049475128 0.044694072 0.049227933
#> gleason
               0.004454923 0.001324128 0.004457512
#> pgg45
lambda_0_mean <- mean(ridgereg_coeffs$lambda_0)</pre>
lambda_10_mean <- mean(ridgereg_coeffs$lambda_10)</pre>
```

Man sieht deutlich, dass ein größeres λ die Koeffizienten stärker "schrumpft" als ein kleines λ (Mittelwert der Koeffizienten für $\lambda=0$: 0.219044; für $\lambda=10$: 0.0448175). Bei $\lambda=0$ sind die Koeffizienten (bis auf den Intercept) nahezu identisch mit den geschätzten Koeffizienten des linearen Regressionsmodells. Im Falle $\lambda=10$ sind zudem alle Koeffizienten positiv.

c)

```
packageTest("ggplot2")
packageTest("reshape")
packageTest("gridExtra")
packageTest("grid")
coeff_plot <- function(lambda_list, y, linear_model, alpha){</pre>
  coeff_list <- matrix(NA, nrow = length(names(linear_model$coefficients)),</pre>
                        ncol = length(lambda_list))
  for (i in 1:length(lambda_list)){
    ridgereg <- glmnet(x = model.matrix(linear_model), y = y,
                         alpha = alpha, lambda = lambda_list[i])
    coeff <- as.vector(ridgereg$beta)</pre>
    coeff_list[,i] <- coeff</pre>
  }
  coeff_list <- as.data.frame(coeff_list)</pre>
  colnames(coeff_list) <- lambda_list</pre>
  coeff_list$names <- names(linear_model$coefficients)</pre>
  return(coeff_list)
}
coeffs <- coeff_plot(lambda_list = c(0, 2, 10, 50, 100), y = prostate$lpsa,</pre>
                      linear_model = linreg, alpha = 0)
df1.m <- melt(coeffs,id.vars = "names")</pre>
       ggplot(df1.m, aes(x=variable, y=value, fill=names)) +
  geom_bar(stat="identity", width = 0.75) +
    facet_grid(. ~ names) + ggtitle("Beta-Schätzer in Abhängigkeit verschiedener Lambdas")
p
```

Beta-Schätzer in Abhängigkeit verschiedener Lambdas



Negative β werden mit größer werdendem λ positiv. Außerdem konvergieren die β -Schätzer Richtung 0, werden aber nie genau 0 (anders als beim Lasso-Verfahren).

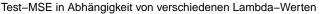
d)

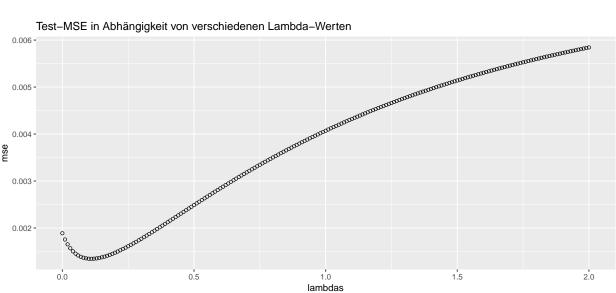
```
train = prostate[prostate$train == TRUE, ]
test = prostate[prostate$train == FALSE, ]
lambdas <-c(0, 0.09, 2)
for (lambda in lambdas){
    ridgereg <- glmnet(x = as.matrix(within(train, rm(lpsa))), y = train$lpsa, alpha = 0,
                       lambda = lambda)
    y.true <- test$lpsa
    y.pred <- predict.glmnet(ridgereg, newx = as.matrix(within(test, rm(lpsa))),</pre>
                             lambda = lambda, alpha = 0)
    cat('\n')
    print(lambda)
    cat(mean(y.true-y.pred)^2)
    cat('\n')
}
#>
#> [1] 0
#> 0.0018885
#> [1] 0.09
#> 0.001354592
#>
#> [1] 2
#> 0.00584328
```

Das optimale λ liegt im Bereich um 0.09.

```
\mathbf{e})
```

```
lambdas <- seq(0, 2, 0.01)
cv_glm_fit <- cv.glmnet(x = as.matrix(within(prostate, rm(lpsa))), y = prostate$lpsa,</pre>
                          alpha = 0, lambda = lambdas)
opt_lambda <- cv_glm_fit$lambda.min</pre>
mse <- c()
for (lambda in lambdas){
    ridgereg <- glmnet(x = as.matrix(within(train, rm(lpsa))), y = train$lpsa, alpha = 0,
                         lambda = lambda)
    y.true <- test$lpsa
    y.pred <- predict.glmnet(ridgereg, newx = as.matrix(within(test, rm(lpsa))),</pre>
                                          lambda = lambda, alpha = 0)
    mse <- append(mse, mean(y.true-y.pred)^2)</pre>
}
lambda_mse <- NULL</pre>
lambda_mse$lambdas <- lambdas</pre>
lambda_mse$mse <- mse</pre>
lambda_mse <- as.data.frame(lambda_mse)</pre>
ggplot(lambda_mse, aes(x=lambdas, y=mse)) +
    geom_point(shape=1) +
  ggtitle("Test-MSE in Abhängigkeit von verschiedenen Lambda-Werten")
```





```
opt lambda test <- lambda mse$lambdas[lambda mse$mse == min(lambda mse$mse)]
```

Der optimale Schätzer für λ des kompletten Datensatzes beträgt laut cv.glmnet 0.08. Dieser liegt nicht weit vom Lambda-Wert aus d) mit dem niedrigsten Test-MSE (0.09). Auch der Plot des Test-MSE in Abhängigkeit von verschiedenen λ -Werten spricht für ein optimales Lambdas von ~ 0.1 . (Optimales Lambda (out-of-sample) = 0.11)

f)

```
linreg <- lm(lpsa~.-train, data=prostate)</pre>
ridgereg <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 0,
                        lambda = opt_lambda)
ridgereg_coeff <- as.vector(ridgereg$beta)</pre>
coeff_df <- NULL</pre>
coeff_df$ridgereg_coeffs <- ridgereg_coeff</pre>
coeff_df$linreg_coeffs <- linreg_coeff</pre>
coeff_df <- as.data.frame(coeff_df)</pre>
coeff_df
#>
                ridgereg coeffs linreg coeffs
#> (Intercept)
                     0.00000000
                                   0.181560862
#> lcavol
                     0.49522884
                                   0.564341279
#> lweight
                     0.60519651
                                   0.622019787
                    -0.01692193 -0.021248185
#> age
                                   0.096712523
#> lbph
                     0.08629548
#> svi
                     0.68884547
                                   0.761673403
#> lcp
                    -0.04230475
                                  -0.106050939
                     0.06336117
#> gleason
                                   0.049227933
                     0.00344542
                                   0.004457512
#> pgg45
```

Vergleicht man die Koeffizienten der Ridge-Regression mit den Koeffizienten der linearen Regression as a) wird der "Shrinking"-Effekt der Ridge-Regression deutlich. Nahezu alle Koeffizienten der Ridge-Regression liegen näher an der 0 als die Koeffizienten der linearen Regression (mit Ausnahme des Koeffizienten der Kovariaten "gleason").

Aufgabe 2

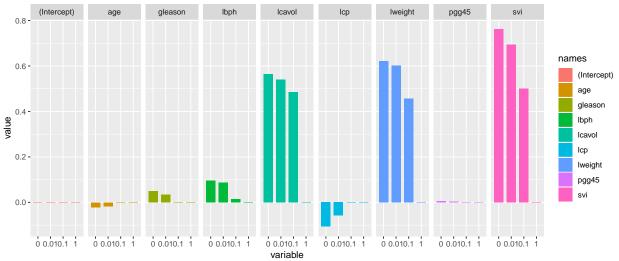
a)

```
packageTest("tidyverse")
lasso_0 <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 1,</pre>
                       lambda = 0)
lasso_10 <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 1,</pre>
                      lambda = 10)
coeff_df$lasso_0_coeffs <- as.vector(lasso_0$beta)</pre>
coeff_df$lasso_10_coeffs <- as.vector(lasso_10$beta)</pre>
coeff_df %>% select(2:4)
              linreg_coeffs lasso_0_coeffs lasso_10_coeffs
#> (Intercept) 0.181560862 0.000000000
              0.564341279 0.564271417
#> lcavol
                                                          0
               0.622019787 0.622218451
#> lweight
                                                          0
                                                          0
#> age
              -0.021248185 -0.021251155
#> lbph
               0.096712523 0.096678106
#> svi
                0.761673403
                             0.761615376
                                                          0
#> lcp
               -0.106050939 -0.106066349
                                                          0
                0.049227933 0.049475128
                                                          0
#> gleason
                 0.004457512
                               0.004454923
                                                          0
#> pgg45
```

Das Lasso-Verfahren mit $\lambda=0$ generiert nahezu identische β -Schätzer wie die lineare Regression. Bei $\lambda=10$ liegen alle "geschrumpften" β -Schätzer bereits bei 0.

b)





Auch beim Lasso-Verfahren zeichnet sich ein ähnliches Bild ab wie bei Aufgabe 1 c). Bei größer werdendem λ "schrumpfen" die β -Schätzer, konvergieren gegen 0 und werden, anders als bei Ridge-Regression, ab einem bestimmten λ sogar 0.

c)

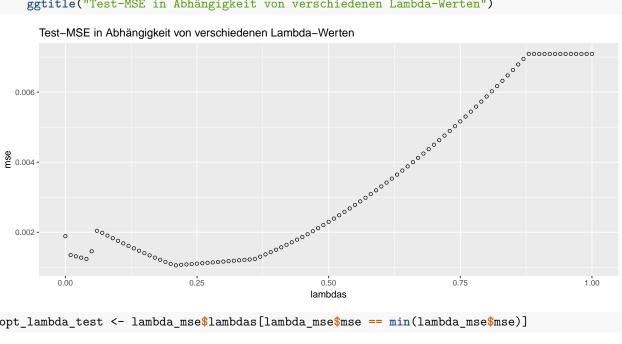
```
lambdas \leftarrow c(0, 0.002, 1)
for (lambda in lambdas){
    ridgereg <- glmnet(x = as.matrix(within(train, rm(lpsa))), y = train$lpsa, alpha = 1,
                        lambda = lambda)
    y.true <- test$lpsa
    y.pred <- predict.glmnet(ridgereg, newx = as.matrix(within(test, rm(lpsa))),</pre>
                              lambda = lambda, alpha = 1)
    cat('\n')
    print(lambda)
    cat(mean(y.true-y.pred)^2)
    cat('\n')
}
#>
#> [1] 0
#> 0.0018885
#> [1] 0.002
#> 0.00166617
#>
#> [1] 1
#> 0.007089943
```

Hier scheint der "Sweet Spot" für λ zwischen 0.002 und 1 zu liegen.

d)

```
opt_lambda <- cv_glm_fit$lambda.min
mse <- c()
for (lambda in lambdas){
    ridgereg <- glmnet(x = as.matrix(within(train, rm(lpsa))), y = train$lpsa, alpha = 1,
                         lambda = lambda)
    y.true <- test$lpsa
    y.pred <- predict.glmnet(ridgereg, newx = as.matrix(within(test, rm(lpsa))),</pre>
                                          lambda = lambda, alpha = 1)
    mse <- append(mse, mean(y.true-y.pred)^2)</pre>
}
lambda_mse <- NULL</pre>
lambda_mse$lambdas <- lambdas</pre>
lambda_mse$mse <- mse</pre>
lambda_mse <- as.data.frame(lambda_mse)</pre>
ggplot(lambda_mse, aes(x=lambdas, y=mse)) +
    geom_point(shape=1) +
    ggtitle("Test-MSE in Abhängigkeit von verschiedenen Lambda-Werten")
```

Test-MSE in Abhängigkeit von verschiedenen Lambda-Werten



```
opt_lambda_test <- lambda_mse$lambdas[lambda_mse$mse == min(lambda_mse$mse)]
```

Hier liegt der optimale Wert für λ für den kompletten Datensatz bei 0.03. Dieser Wert liegt wieder sehr nahe am ermittelten Optimum aus c). Plottet man den Test-MSE (out-of-sample) in Abhängigkeit verschiedener λ -Werte, kommt man allerdings auf ein ein optimalen λ -Wert von 0.21.

```
e)
```

```
lasso <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 1,</pre>
                         lambda = opt_lambda)
lasso_coeff <- as.vector(lasso$beta)</pre>
coeff_df$lasso_coeff <- lasso_coeff</pre>
```

```
coeff_df %>% select(2, 5)
             linreg_coeffs lasso_coeff
#> (Intercept) 0.181560862 0.000000000
             0.564341279 0.509014219
#> lcavol
#> lweight
             0.622019787 0.557842439
#> age
              -0.021248185 -0.010141293
#> lbph
             0.096712523 0.067050112
              0.761673403 0.598213638
#> svi
              -0.106050939 0.000000000
#> lcp
               0.049227933 0.007500980
#> gleason
#> pgg45
               0.004457512 0.002386821
```

Wie bereits in Aufgabe 1 ist beim Lasso-Verfahren gut zu erkennen, dass die Koeffizienten im Vergleich zur linearen Regression aus Aufgabe 1 a) "geschrumpft" werden und näher an der 0 liegen.