Uebung 4: Shrinkage

Computational Statistics
Sommersemester 2019
April 15, 2019
J. Groos (FBMN, h da)

-			
9	n	2	^•
	H		

Aufgabe 1

a)

```
packageTest("ElemStatLearn")
linreg <- lm(lpsa~.-train, data = prostate)
linreg_coeff <- linreg$coefficients</pre>
```

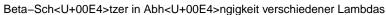
b)

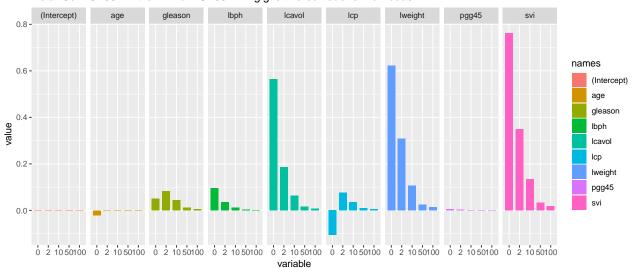
```
packageTest("glmnet")
ridgereg_0 <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 0, lambda = 0)
ridgereg_0_coeff = as.data.frame(as.matrix(ridgereg_0$beta))
ridgereg_10 <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 0, lambda = 10)
ridgereg_10_coeff = as.data.frame(as.matrix(ridgereg_10$beta))
ridgereg_coeffs <- data.frame(ridgereg_0_coeff, ridgereg_10_coeff, linreg_coeff)</pre>
colnames(ridgereg coeffs) <- c("lambda 0", "lambda 10", "linreg")</pre>
ridgereg_coeffs
#>
                   lambda 0 lambda 10
                                              linreq
#> (Intercept) 0.000000000 0.00000000 0.181560862
              0.564271417 0.064394837 0.564341279
#> lcavol
#> lweight
              0.622218451 0.106582457 0.622019787
              -0.021251155 0.001718267 -0.021248185
#> age
              0.096678106 0.012817952 0.096712523
#> lbph
               0.761615376 0.135335780 0.761673403
#> svi
#> lcp
              -0.106066349 0.036490103 -0.106050939
              0.049475128 0.044694072 0.049227933
#> gleason
                0.004454923 0.001324128 0.004457512
#> pgg45
lambda_0_mean <- mean(ridgereg_coeffs$lambda_0)</pre>
lambda_10_mean <- mean(ridgereg_coeffs$lambda_10)</pre>
```

Man sieht deutlich, dass ein größeres λ die Koeffizienten stärker "schrumpft" als ein kleines λ (Mittelwert der Koeffizienten für $\lambda=0$: 0.219044; für $\lambda=10$: 0.0448175). Bei $\lambda=0$ sind die Koeffizienten (bis auf den Intercept) nahezu identisch mit den geschätzten Koeffizienten des linearen Regressionsmodells. Im Falle $\lambda=10$ sind zudem alle Koeffizienten positiv.

c)

```
packageTest("ggplot2")
packageTest("reshape")
packageTest("gridExtra")
packageTest("grid")
coeff_plot <- function(lambda_list, y, linear_model, alpha){</pre>
  coeff_list <- matrix(NA, nrow = length(names(linear_model$coefficients)),</pre>
                         ncol = length(lambda_list))
  for (i in 1:length(lambda_list)){
    ridgereg <- glmnet(x = model.matrix(linear_model), y = y,</pre>
                         alpha = alpha, lambda = lambda_list[i])
    coeff <- as.vector(ridgereg$beta)</pre>
    coeff_list[,i] <- coeff</pre>
  coeff_list <- as.data.frame(coeff_list)</pre>
  colnames(coeff_list) <- lambda_list</pre>
  coeff_list$names <- names(linear_model$coefficients)</pre>
  return(coeff_list)
}
coeffs <- coeff_plot(lambda_list = c(0, 2, 10, 50, 100), y = prostate$lpsa,</pre>
                      linear_model = linreg, alpha = 0)
df1.m <- melt(coeffs,id.vars = "names")</pre>
p <- ggplot(df1.m, aes(x=variable, y=value, fill=names)) +</pre>
  geom_bar(stat="identity", width = 0.75) +
    facet_grid(. ~ names) + ggtitle("Beta-Schätzer in Abhängigkeit verschiedener Lambdas")
p
```





Negative β werden mit größer werdendem λ positiv. Außerdem konvergieren die β -Schätzer Richtung 0, werden aber nie genau 0 (anders als beim Lasso-Verfahren).

d)

```
train = prostate[prostate$train == TRUE, ]
test = prostate[prostate$train == FALSE, ]
lambdas <- c(0, 0.09, 2)
for (lambda in lambdas){
    ridgereg <- glmnet(x = as.matrix(within(train, rm(lpsa))), y = train$lpsa, alpha = 0,
                        lambda = lambda)
    y.true <- test$lpsa</pre>
    y.pred <- predict.glmnet(ridgereg, newx = as.matrix(within(test, rm(lpsa))),</pre>
                              lambda = lambda, alpha = 0)
    cat('\n')
    print(lambda)
    cat(mean((y.true-y.pred)^2))
    cat('\n')
}
#>
#> [1] 0
#> 0.52125
#>
#> [1] 0.09
#> 0.4940847
#> [1] 2
#> 0.5691183
```

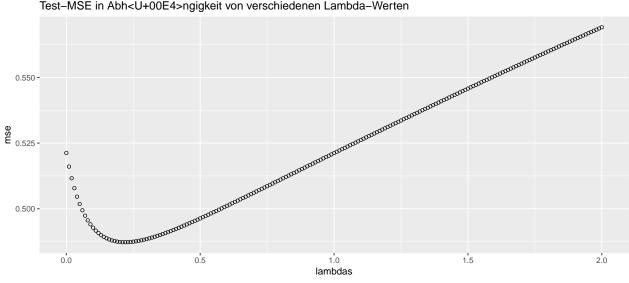
Das optimale λ liegt im Bereich um 0.09.

e)

```
lambdas \leftarrow seq(0, 2, 0.01)
cv_glm_fit <- cv.glmnet(x = as.matrix(within(prostate, rm(lpsa))), y = prostate$lpsa,</pre>
                          alpha = 0, lambda = lambdas)
opt_lambda <- cv_glm_fit$lambda.min</pre>
mse <- c()
for (lambda in lambdas){
    ridgereg <- glmnet(x = as.matrix(within(train, rm(lpsa))), y = train$lpsa, alpha = 0,
                         lambda = lambda)
    y.true <- test$lpsa
    y.pred <- predict.glmnet(ridgereg, newx = as.matrix(within(test, rm(lpsa))),</pre>
                                           lambda = lambda, alpha = 0)
    mse <- append(mse, mean((y.true-y.pred)^2))</pre>
}
lambda_mse <- NULL</pre>
lambda_mse$lambdas <- lambdas</pre>
lambda_mse$mse <- mse</pre>
lambda_mse <- as.data.frame(lambda_mse)</pre>
ggplot(lambda_mse, aes(x=lambdas, y=mse)) +
```

```
geom_point(shape=1) +
ggtitle("Test-MSE in Abhängigkeit von verschiedenen Lambda-Werten")
```

Test-MSE in Abh<U+00E4>ngigkeit von verschiedenen Lambda-Werten



```
opt_lambda_test <- lambda_mse$lambdas[lambda_mse$mse == min(lambda_mse$mse)]
```

Der optimale Schätzer für λ des kompletten Datensatzes beträgt laut cv.glmnet 0.05. Dieser liegt nicht weit vom Lambda-Wert aus d) mit dem niedrigsten Test-MSE (0.09). Der Plot des Test-MSE in Abhängigkeit von verschiedenen λ -Werten spricht allerdings für ein optimales Lambdas von 0.22. Diese Diskrepanz lässt sich durch zwei Faktoren erklären:

- 1. cv.glmnet führt standardmäßig eine 10-fache Kreuzvalidierung durch, um das beste λ zu finden. Das optimale λ laut Test-MSE wird hier nicht über Kreuzvalidierung ermittelt.
- 2. Wir ermitteln den Test-MSE "out-of-sample", das heißt die Daten, mit denen wir die Ridge-Regression fitten, sind unterschiedlich.

f)

```
linreg <- lm(lpsa~.-train, data=prostate)</pre>
ridgereg <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 0,
                        lambda = opt_lambda)
ridgereg coeff <- as.vector(ridgereg$beta)</pre>
coeff df <- NULL
coeff_df$ridgereg_coeffs <- ridgereg_coeff</pre>
coeff_df$linreg_coeffs <- linreg_coeff</pre>
coeff_df <- as.data.frame(coeff_df)</pre>
coeff df
#>
                ridgereg_coeffs linreg_coeffs
#> (Intercept)
                    0.000000000
                                  0.181560862
#> lcavol
                    0.517812483
                                  0.564341279
#> lweight
                    0.612294843
                                  0.622019787
#> age
                   -0.018356569 -0.021248185
                    0.089706516
#> lbph
                                 0.096712523
```

```
#> svi 0.712178801 0.761673403

#> lcp -0.061984651 -0.106050939

#> gleason 0.059595799 0.049227933

#> pgg45 0.003725113 0.004457512
```

Vergleicht man die Koeffizienten der Ridge-Regression mit den Koeffizienten der linearen Regression as a) wird der "Shrinking"-Effekt der Ridge-Regression deutlich. Nahezu alle Koeffizienten der Ridge-Regression liegen näher an der 0 als die Koeffizienten der linearen Regression (mit Ausnahme des Koeffizienten der Kovariaten "gleason").

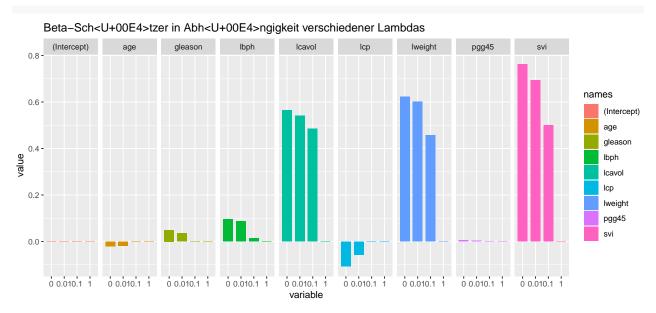
Aufgabe 2

a)

```
packageTest("tidyverse")
lasso_0 <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 1,</pre>
                       lambda = 0)
lasso_10 <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 1,</pre>
                       lambda = 10)
coeff df$lasso 0 coeffs <- as.vector(lasso 0$beta)</pre>
coeff_df$lasso_10_coeffs <- as.vector(lasso_10$beta)</pre>
coeff df %>% select(2:4)
#>
               linreg_coeffs lasso_0_coeffs lasso_10_coeffs
                 #> (Intercept)
#> lcavol
                 0.564341279
                                0.564271417
                                                           0
#> lweight
                 0.622019787
                                0.622218451
                                                           0
                                                           0
#> age
                -0.021248185
                              -0.021251155
                                                           0
#> lbph
                 0.096712523
                               0.096678106
                                0.761615376
                                                           0
#> svi
                 0.761673403
#> lcp
                -0.106050939
                               -0.106066349
                                                           0
                                0.049475128
                                                           0
#> qleason
                 0.049227933
                 0.004457512
                                0.004454923
                                                           0
#> pgg45
```

Das Lasso-Verfahren mit $\lambda=0$ generiert nahezu identische β -Schätzer wie die lineare Regression. Bei $\lambda=10$ liegen alle "geschrumpften" β -Schätzer bereits bei 0.

b)



Auch beim Lasso-Verfahren zeichnet sich ein ähnliches Bild ab wie bei Aufgabe 1 c). Bei größer werdendem λ "schrumpfen" die β -Schätzer, konvergieren gegen 0 und werden, anders als bei Ridge-Regression, ab einem bestimmten λ sogar 0.

c)

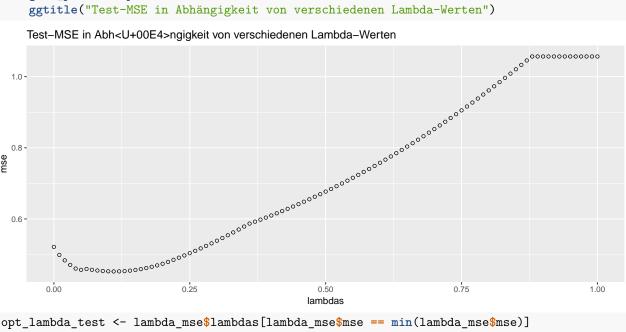
```
lambdas <- c(0, 0.002, 1)
for (lambda in lambdas){
    ridgereg <- glmnet(x = as.matrix(within(train, rm(lpsa))), y = train$lpsa, alpha = 1,
                        lambda = lambda)
    y.true <- test$lpsa
    y.pred <- predict.glmnet(ridgereg, newx = as.matrix(within(test, rm(lpsa))),</pre>
                              lambda = lambda, alpha = 1)
    cat('\n')
    print(lambda)
    cat(mean((y.true-y.pred)^2))
    cat('\n')
}
#>
#> [1] 0
#> 0.52125
#>
#> [1] 0.002
#> 0.5154957
#>
#> [1] 1
#> 1.056733
```

Hier scheint der "Sweet Spot" für λ um 0.002 zu liegen.

d)

```
lambdas \leftarrow seq(0, 1, 0.01)
cv_glm_fit <- cv.glmnet(x = as.matrix(within(prostate, rm(lpsa))), y = prostate$lpsa,</pre>
                          alpha = 1, lambda = lambdas)
opt_lambda <- cv_glm_fit$lambda.min</pre>
mse <- c()
for (lambda in lambdas){
    ridgereg <- glmnet(x = as.matrix(within(train, rm(lpsa))), y = train$lpsa, alpha = 1,
                         lambda = lambda)
    y.true <- test$lpsa
    y.pred <- predict.glmnet(ridgereg, newx = as.matrix(within(test, rm(lpsa))),</pre>
                                          lambda = lambda, alpha = 1)
    mse <- append(mse, mean((y.true-y.pred)^2))</pre>
}
lambda_mse <- NULL</pre>
lambda mse$lambdas <- lambdas</pre>
lambda_mse$mse <- mse</pre>
lambda_mse <- as.data.frame(lambda_mse)</pre>
ggplot(lambda_mse, aes(x=lambdas, y=mse)) +
    geom_point(shape=1) +
    ggtitle("Test-MSE in Abhängigkeit von verschiedenen Lambda-Werten")
```

Test-MSE in Abh<U+00E4>ngigkeit von verschiedenen Lambda-Werten



opt_lambda_test <- lambda_mse\$lambdas[lambda_mse\$mse == min(lambda_mse\$mse)]

Hier liegt der optimale Wert für λ für den kompletten Datensatz bei 0.04. Dieser Wert liegt wieder sehr nahe am ermittelten Optimum aus c). Plottet man den Test-MSE (out-of-sample) in Abhängigkeit verschiedener λ -Werte, kommt man allerdings auf ein ein optimalen λ -Wert von 0.11. Dies liegt wieder an den gleichen Gründen, wie in Aufgabe 1 e).

e)

```
lasso <- glmnet(x = model.matrix(linreg), y = prostate$lpsa, alpha = 1,</pre>
                        lambda = opt_lambda)
lasso_coeff <- as.vector(lasso$beta)</pre>
coeff_df$lasso_coeff <- lasso_coeff</pre>
coeff_df %>% select(2, 5)
               linreg_coeffs lasso_coeff
#> (Intercept)
                 0.181560862 0.000000000
#> lcavol
                 0.564341279 0.505343016
#> lweight
                 0.622019787 0.536937808
                -0.021248185 -0.007112532
#> age
#> lbph
                 0.096712523 0.057764453
#> svi
                 0.761673403 0.584346248
#> lcp
                -0.106050939 0.000000000
                 0.049227933 0.000000000
#> gleason
                 0.004457512 0.002185322
#> pgg45
```

Wie bereits in Aufgabe 1 ist beim Lasso-Verfahren gut zu erkennen, dass die Koeffizienten im Vergleich zur linearen Regression aus Aufgabe 1 a) "geschrumpft" werden und näher an der 0 liegen. Anders als bei der Ridge-Regression sind beim Lasso-Verfahren zwei β -Schätzer tatsächlich 0 geworden (lcp und gleason).