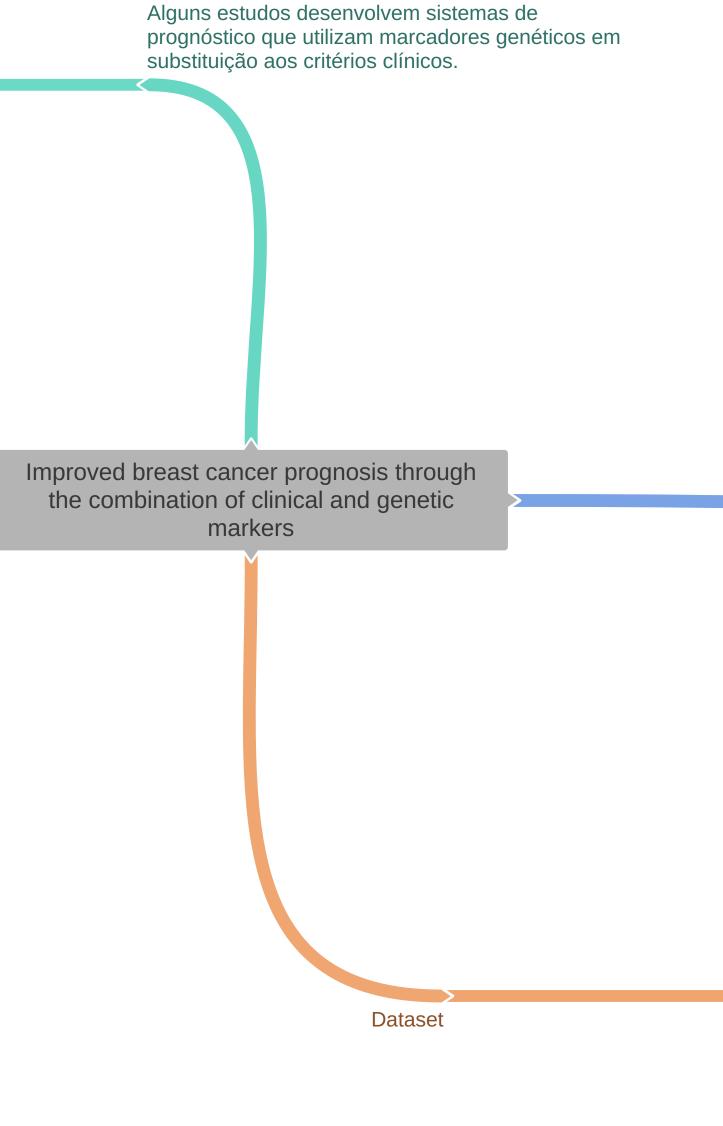


made for free at coggle.it

Marcadores clínicos

O paper estudado visa utilizar ambas as características, ou seja, uma complementado a outra Limitações Métodos de filtragem avaliam as características individuais do genes, negligenciando uma possível relação entre eles. Não remoção de características redundantes entre os genes Utilização da técnica Microarray Profiling Examina os níveis de sequência genética de milhares de genes de uma determinada célula Desenvolvimento de um algoritmo próprio (I-RELIEF) por conta das limitações da técnica MicroarrayProfiling Primeiro algoritmo de seleção de atributos que utiliza uma abordagem não linear. Feature selection A utilização de assinaturas híbridas apresentou melhroes resultados do que métodos que utilizaram as características isoladamente Resultados 90% sensibilidade Assinaturas híbridas 67% especificidade 70 genes identificados



Modelos que usam apenas critérios clínicos apresentam apenas 10% de especificidade e 90% de sensibilidade, ou seja, percebe-se a necessidade melhorar este nível de confiança no prognóstico para evitar o excesso ou subexcesso de tratamento em pacientes recém diagnósticos com cancer de mama.

Utilização de dados relacionados a probabilidade de sobrevivência para comparar diferentes abordagens de prognóstico

Método

Utilização de um estudo computacional sobre dados publicos de microarranjo, o qual identificou a assinatura prognóstica de 70 genes (também conhecida como assinatura de Amsterdam).

assinatura de 76 genes de cancer de mama utilizados na predição do desenvolvimento secundário desta patologia.

Vale ressaltar que existe um estudo o qual idenfiicou a

Este estudo mostrou que o nível de especificidade foi de 50% malente em relação aos 10% obtivos quando utilizados dados clínicos

Algoritmo I-RELIEF

Capacidade de idenfificar a assinatura híbrida da combinação de características clínicas e marcadores genéticos

Amostras coletadas de 97 pacientes com câncer de mama negativo para linfonodos, associadas a informações clínicas, por exemplo, idade e tamanho do tumor.