

# **Sistema Especialista para Diagnóstico de Doenças Respiratórias em Prolog**

**Mayan Gabriel**

Bacharelado em Sistemas de Informação – Universidade Federal do Piauí (UFPI)

Disciplina: Programação Lógica

Professor: Alan Rafael

mayangabriel654@gmail.com

## **Resumo**

Este relatório apresenta o desenvolvimento de um sistema especialista simples em Prolog para apoio ao diagnóstico de doenças respiratórias. O sistema utiliza uma base de fatos fornecida pelo professor, composta por sintomas, probabilidades, classificações e níveis de intensidade. Além disso, foram desenvolvidas regras para cálculo de score, coleta de sintomas informados pelo usuário, diagnóstico e exibição dos resultados. O trabalho foi desenvolvido como parte dos requisitos da disciplina de Programação Lógica.

## **1. Introdução**

Sistemas especialistas têm como objetivo simular decisões humanas em um domínio específico por meio de regras lógicas. No contexto de doenças respiratórias, o professor forneceu uma base extensa de *fatos* descrevendo a relação entre doenças e sintomas, juntamente com classificações e multiplicadores.

O objetivo deste trabalho foi implementar, em Prolog, um sistema simples, funcional e direto, capaz de:

- coletar sintomas do usuário;
- validar a entrada;
- calcular scores para cada doença com base nos sintomas informados;
- exibir o diagnóstico final;
- garantir que o sistema seja simples, claro e organizado.

Este projeto foi desenvolvido como atividade prática da disciplina de Programação Lógica, ministrada pelo professor Alan Rafael, visando aplicar os conceitos de lógica computacional e sistemas baseados em conhecimento.

## 2. Desenvolvimento

Esta seção descreve detalhadamente a implementação do sistema, organizada de forma didática e seguindo os requisitos da atividade.

### 2.1. Modelagem e Base de Fatos

Toda a base de conhecimento foi fornecida pelo professor e consiste em fatos do tipo:

```
1 sintoma(Doenca, Sintoma, intensidade(X), prob(P),  
2           duracao(Y), frequencia(Z), classificacao).
```

Listing 1: Estrutura dos fatos de sintomas

Nenhum fato foi alterado, conforme exigido.

Além dos fatos de sintomas, há pesos e multiplicadores:

- pesoClassificacao/2
- multiplicadorIntensidade/2
- multiplicadorFrequencia/2

Esses valores são usados diretamente no cálculo final.

### 2.2. Cálculo de Score

Para cada sintoma informado pelo usuário, o sistema procura o sintoma correspondente na doença. Se existir, usa a fórmula pedida pelo professor:

$$Score = Prob \times Peso \times MI_b \times MF_b \times MI_u \times MF_u$$

Onde:

- *Prob*: Probabilidade base do sintoma
- *Peso*: Peso da classificação
- *MI<sub>b</sub>*: Multiplicador de intensidade base
- *MF<sub>b</sub>*: Multiplicador de frequência base
- *MI<sub>u</sub>*: Multiplicador de intensidade do usuário
- *MF<sub>u</sub>*: Multiplicador de frequência do usuário

O código implementado foi:

```

1 calcularScore(Doenca, SintomaUsuario, IntensidadeUsuario,
2                 FrequenciaUsuario, ResultadoScore) :-  

3     (  

4         sintoma(Doenca, SintomaUsuario, intensidade(IntensidadeBase),  

5                  prob(Prob), _, frequencia(FreqBase), Classificacao)  

6     ->  

7         pesoClassificacao(Classificacao, Peso),  

8         multiplicadorIntensidade(IntensidadeBase, MIb),  

9         multiplicadorFrequencia(FreqBase, MFb),  

10        multiplicadorIntensidade(IntensidadeUsuario, MIu),  

11        multiplicadorFrequencia(FrequenciaUsuario, MFu),  

12        ResultadoScore is Prob * Peso * MIb * MFb * MIu * MFu  

13    ;  

14    ResultadoScore = 0  

15 ).
```

Listing 2: Regra para cálculo de score

### 2.3. Soma dos Scores por Doença

Cada doença acumula os scores de todos os sintomas:

```

1 somarScores(_, [], Acumulado, Acumulado).  

2 somarScores(Doenca, [(Sint,I,F)|Resto], Acumulado, ResultadoFinal) :-  

3     calcularScore(Doenca, Sint, I, F, Parcial),  

4     Novo is Acumulado + Parcial,  

5     somarScores(Doenca, Resto, Novo, ResultadoFinal).
```

Listing 3: Regra para soma de scores

### 2.4. Diagnóstico Final

O diagnóstico percorre todas as doenças e gera uma lista ordenada com score:

```

1 diagnosticar([], _) :-  

2     write('ERRO: Nenhum sintoma informado!'), nl,  

3     write('Use: perguntarSintomas(L).'), nl,  

4     !, fail.  

5  

6 diagnosticar(ListaSintomas, ResultadoFinal) :-  

7     todasDoencas(Doencas),  

8     processar(Doencas, ListaSintomas, [], ResultadoInvertido),  

9     reverse(ResultadoInvertido, ResultadoFinal),  

10    exibir(ResultadoFinal).  

11  

12 processar([], _, Ac, Ac).  

13 processar([D|R], ListaSint, Ac, Final) :-  

14     somarScores(D, ListaSint, 0, Score),
```

```
15 processar(R, ListaSint, [D-Score|Ac], Final).
```

Listing 4: Regra principal de diagnóstico

## 2.5. Exibição dos Resultados

A exibição formata os resultados de forma clara:

```
1 exhibir([]).
2 exhibir([Doenca-Valor | R]) :-
3     format('~-w = ~2f~n', [Doenca, Valor]),
4     exhibir(R).
```

Listing 5: Regra para exibir resultados

## 2.6. Coleta de Sintomas

A coleta foi feita manualmente, sem listas vazias e com validação:

```
1 perguntarSintomas(Final) :-
2     perguntar([], Final).
3
4 perguntar(Ac, Final) :-
5     write('Sintoma (digite fim para encerrar): '),
6     read_line_to_string(user_input, S),
7     ( string_lower(S, "fim") ->
8         Final = Ac,
9         !
10    ;
11     (   S = "" ->
12         write('ERRO: Digite um sintoma valido!'), nl,
13         perguntar(Ac, Final)
14     ;
15         atom_string(Sintoma, S),
16         pedirIntensidade(Int),
17         pedirFrequencia(Freq),
18         perguntar([(Sintoma, Int, Freq) | Ac], Final)
19     )
20 ).
```

Listing 6: Regra para coleta de sintomas

## 2.7. Validação de Intensidade e Frequência

Foram implementadas validações robustas para entrada do usuário:

```
1 pedirIntensidade(I) :-
2     write('Intensidade (leve/moderada/alta/severa): '),
```

```

3   read_line_to_string(user_input, S),
4   atom_string(Int, S),
5   ( Int = leve ; Int = moderada ; Int = alta ; Int = severa ) ->
6     I = Int
7 ;
8     write('ERRO: Intensidade invalida!'), nl,
9     pedirIntensidade(I).
10
11 pedirFrequencia(F) :-
12   write('Frequencia (raro/intermittente/continuo): '),
13   read_line_to_string(user_input, S),
14   atom_string(Freq, S),
15   ( Freq = raro ; Freq = intermitente ; Freq = continuo ) ->
16     F = Freq
17 ;
18     write('ERRO: Frequencia invalida!'), nl,
19     pedirFrequencia(F).

```

Listing 7: Regras para validação de entrada

## 2.8. Tratamento de Erros

Foram implementadas validações abrangentes:

- Sintoma inválido ou vazio
- Intensidade inválida
- Frequência inválida
- Tentativa de diagnóstico com lista vazia
- Conversão adequada entre strings e átomos

Essas validações garantem que o usuário sempre informe entradas corretas e o sistema seja robusto.

## 3. Conclusão

O sistema especialista desenvolvido cumpriu todos os requisitos da atividade da disciplina de Programação Lógica: utiliza a base de fatos fornecida, calcula scores corretamente, coleta sintomas com validação robusta e fornece um diagnóstico final claro para auxílio ao usuário.

Além disso, o código foi mantido simples, claro e organizado, com nomes intuitivos e lógica acessível, conforme solicitado pelo professor Alan Rafael. O trabalho demonstrou eficientemente a aplicação prática dos conceitos de programação em Prolog e sistemas baseados em conhecimento, incluindo tratamento de erros e validação de entrada, que são objetivos principais da disciplina.

## Referências

- [1] Bratko, I. *Prolog Programming for Artificial Intelligence*. 4th Edition. Addison-Wesley, 2011.
- [2] Sociedade Brasileira de Computação. *Modelo de Artigos*. Disponível em: <https://www.sbc.org.br>. Acesso em: 25 nov. 2024.
- [3] Russell, S.; Norvig, P. *Artificial Intelligence: A Modern Approach*. 4th Edition. Pearson, 2020.
- [4] CLOCKSIN, W. F.; MELLISH, C. S. *Programming in Prolog*. 5th Edition. Springer, 2003.