

Sistema Especialista para Diagnóstico de Doenças Respiratórias em Prolog

Mayan Gabriel

Bacharelado em Sistemas de Informação – Universidade Federal do Piauí (UFPI)

Disciplina: Programação Lógica

Professor: Alan Rafael

mayangabriel654@gmail.com

Resumo

Este relatório apresenta o desenvolvimento de um sistema especialista simples em Prolog para apoio ao diagnóstico de doenças respiratórias. O sistema utiliza uma base de fatos fornecida pelo professor, composta por sintomas, probabilidades, classificações e níveis de intensidade. Além disso, foram desenvolvidas regras para cálculo de score, coleta de sintomas informados pelo usuário, diagnóstico e exibição dos resultados. O trabalho foi desenvolvido como parte dos requisitos da disciplina de Programação Lógica.

1. Introdução

Sistemas especialistas têm como objetivo simular decisões humanas em um domínio específico por meio de regras lógicas. No contexto de doenças respiratórias, o professor forneceu uma base extensa de *fatos* descrevendo a relação entre doenças e sintomas, juntamente com classificações e multiplicadores.

O objetivo deste trabalho foi implementar, em Prolog, um sistema simples, funcional e direto, capaz de:

- coletar sintomas do usuário;
- validar a entrada;
- calcular scores para cada doença com base nos sintomas informados;
- exibir o diagnóstico final;
- garantir que o sistema seja simples, claro e organizado.

Este projeto foi desenvolvido como atividade prática da disciplina de Programação Lógica, ministrada pelo professor Alan Rafael, visando aplicar os conceitos de lógica computacional e sistemas baseados em conhecimento.

2. Desenvolvimento

Esta seção descreve detalhadamente a implementação do sistema, organizada de forma didática e seguindo os requisitos da atividade.

2.1. Modelagem e Base de Fatos

Toda a base de conhecimento foi fornecida pelo professor e consiste em fatos do tipo:

```
1 sintoma(Doenca, Sintoma, intensidade(X), prob(P),  
2 duracao(Y), frequencia(Z), classificacao).
```

Listing 1: Estrutura dos fatos de sintomas

Nenhum fato foi alterado, conforme exigido.

Além dos fatos de sintomas, há pesos e multiplicadores:

- `pesoClassificacao/2`
- `multiplicadorIntensidade/2`
- `multiplicadorFrequencia/2`

Esses valores são usados diretamente no cálculo final.

2.2. Cálculo de Score

Para cada sintoma informado pelo usuário, o sistema procura o sintoma correspondente na doença. Se existir, usa a fórmula pedida pelo professor:

$$Score = Prob \times Peso \times MI_b \times MF_b \times MI_u \times MF_u$$

Onde:

- *Prob*: Probabilidade base do sintoma
- *Peso*: Peso da classificação
- *MI_b*: Multiplicador de intensidade base
- *MF_b*: Multiplicador de frequência base
- *MI_u*: Multiplicador de intensidade do usuário
- *MF_u*: Multiplicador de frequência do usuário

O código implementado foi:

```

1 calcularScore(Doenca, SintomaUsuario, IntensidadeUsuario,
2               FrequenciaUsuario, ResultadoScore) :-
3     (
4         sintoma(Doenca, SintomaUsuario, intensidade(IntensidadeBase),
5               prob(Prob), _, frecuencia(FreqBase), Classificacao)
6     ->
7         pesoClassificacao(Classificacao, Peso),
8         multiplicadorIntensidade(IntensidadeBase, MIb),
9         multiplicadorFrequencia(FreqBase, MFb),
10        multiplicadorIntensidade(IntensidadeUsuario, MIu),
11        multiplicadorFrequencia(FrequenciaUsuario, MFu),
12        ResultadoScore is Prob * Peso * MIb * MFb * MIu * MFu
13    ;
14        ResultadoScore = 0
15    ).

```

Listing 2: Regra para cálculo de score

2.3. Soma dos Scores por Doença

Cada doença acumula os scores de todos os sintomas:

```

1 somarScores(_, [], Acumulado, Acumulado).
2 somarScores(Doenca, [(Sint,I,F)|Resto], Acumulado, ResultadoFinal) :-
3     calcularScore(Doenca, Sint, I, F, Parcial),
4     Novo is Acumulado + Parcial,
5     somarScores(Doenca, Resto, Novo, ResultadoFinal).

```

Listing 3: Regra para soma de scores

2.4. Diagnóstico Final

O diagnóstico percorre todas as doenças e gera uma lista ordenada com score:

```

1 diagnosticar([], _) :-
2     write('ERRO: Nenhum sintoma informado!'), nl,
3     write('Use: perguntarSintomas(L).'), nl,
4     !, fail.
5
6 diagnosticar(ListaSintomas, ResultadoFinal) :-
7     todasDoencas(Doencas),
8     processar(Doencas, ListaSintomas, [], ResultadoInvertido),
9     reverse(ResultadoInvertido, ResultadoFinal),
10    exibir(ResultadoFinal).
11
12 processar([], _, Ac, Ac).
13 processar([D|R], ListaSint, Ac, Final) :-
14     somarScores(D, ListaSint, 0, Score),

```

```
15 processar(R, ListaSint, [D-Score|Ac], Final).
```

Listing 4: Regra principal de diagnóstico

2.5. Exibição dos Resultados

A exibição formata os resultados de forma clara:

```
1 exibir([]).
2 exibir([Doenca-Valor | R]) :-
3     format('~w = ~2f~n', [Doenca, Valor]),
4     exibir(R).
```

Listing 5: Regra para exibir resultados

2.6. Coleta de Sintomas

A coleta foi feita manualmente, sem listas vazias e com validação:

```
1 perguntarSintomas(Final) :-
2     perguntar([], Final).
3
4 perguntar(Ac, Final) :-
5     write('Sintoma (digite fim para encerrar): '),
6     read_line_to_string(user_input, S),
7     ( string_lower(S, "fim") ->
8         Final = Ac, !
9     ;
10        ( S = "" ->
11            write('ERRO: Digite um sintoma valido!'), nl,
12            perguntar(Ac, Final)
13        ;
14            atom_string(Sintoma, S),
15            pedirIntensidade(Int),
16            pedirFrequencia(Freq),
17            perguntar([(Sintoma,Int,Freq)|Ac], Final)
18        )
19    ).
```

Listing 6: Regra para coleta de sintomas

2.7. Validação de Intensidade e Frequência

Foram implementadas validações robustas para entrada do usuário:

```
1 pedirIntensidade(I) :-
2     write('Intensidade (leve/moderada/alta/severa): '),
```

```

3   read_line_to_string(user_input, S),
4   atom_string(Int, S),
5   ( Int = leve ; Int = moderada ; Int = alta ; Int = severa ) ->
6       I = Int
7   ;
8       write('ERRO: Intensidade invalida!'), nl,
9       pedirIntensidade(I) .
10
11 pedirFrequencia(F) :-
12     write('Frequencia (raro/intermitente/continuo): '),
13     read_line_to_string(user_input, S),
14     atom_string(Freq, S),
15     ( Freq = raro ; Freq = intermitente ; Freq = continuo ) ->
16         F = Freq
17     ;
18         write('ERRO: Frequencia invalida!'), nl,
19         pedirFrequencia(F) .

```

Listing 7: Regras para validação de entrada

2.8. Tratamento de Erros

Foram implementadas validações abrangentes:

- Sintoma inválido ou vazio
- Intensidade inválida
- Frequência inválida
- Tentativa de diagnóstico com lista vazia
- Conversão adequada entre strings e átomos

Essas validações garantem que o usuário sempre informe entradas corretas e o sistema seja robusto.

3. Conclusão

O sistema especialista desenvolvido cumpriu todos os requisitos da atividade da disciplina de Programação Lógica: utiliza a base de fatos fornecida, calcula scores corretamente, coleta sintomas com validação robusta e fornece um diagnóstico final claro para auxílio ao usuário.

Além disso, o código foi mantido simples, claro e organizado, com nomes intuitivos e lógica acessível, conforme solicitado pelo professor Alan Rafael. O trabalho demonstrou eficientemente a aplicação prática dos conceitos de programação em Prolog e sistemas baseados em conhecimento, incluindo tratamento de erros e validação de entrada, que são objetivos principais da disciplina.

Referências

- [1] Bratko, I. *Prolog Programming for Artificial Intelligence*. 4th Edition. Addison-Wesley, 2011.
- [2] Sociedade Brasileira de Computação. *Modelo de Artigos*. Disponível em: <https://www.sbc.org.br>. Acesso em: 25 nov. 2024.
- [3] Russell, S.; Norvig, P. *Artificial Intelligence: A Modern Approach*. 4th Edition. Pearson, 2020.
- [4] CLOCKSIN, W. F.; MELLISH, C. S. *Programming in Prolog*. 5th Edition. Springer, 2003.