Algoritmos genéticos

• Inteligência Artificial •

INTRODUÇÃO

Este relatório descreve a implementação de algoritmos genéticos, proposto pela disciplina INE5430 (Inteligência Artificial). O tema a ser modelado corresponde ao Subset Sum Problem, ou problema da soma de subconjuntos. Foi utilizada a bilioteca PyGad do Python como ferramenta de suporte ao desenvolvimento da solução.

O PROBLEMA

O problema da Soma de Subconjuntos pode ser definido da seguinte maneira: dado um conjunto de inteiros I e um inteiro s, analisa-se a existência de algum subconjunto de I cuja soma resulte em s. O Subset Problem pode ser visto como um caso especial do Problema da Mochila, sendo assim NP-Completo.

USO E TESTES

Para rodar, basta executar **make run** no terminal e inserir o tipo de teste. Caso nenhum argumento seja fornecido, todos os testes pré-selecionados serão executados. Insira o número de um teste específico para executá-lo isoladamente. -1 gerará um caso de teste com 200 a 300 números aleatórios, e -2 gerará um caso de teste ainda maior, com convergência mais lenta.

Em cada um dos testes, o gráfico de convergência será plotado, e a execução seguirá quando o gráfico for fechado.

SOLUÇÃO

Utilizamos a biblioteca PyGad para computar a solução.

Também foram adicionados casos de teste, em formato de lista de tuplas de exemplos.

• Formato e codificação dos cromossomos:

Os cromossomos foram apresentados como listas de binários, como é possível visualizar pela saída do algoritmo e o arquivo solution.txt gerado.

• Tamanho da população:

O tamanho da população será sempre igual ao número de elementos no conjunto de entrada. Assim, varia conforme o teste que está sendo executado pelo usuário.

• Função de fitness:

A função de fitness, que avalia a qualidade do subconjunto gerado por um cromossomo, é definida como:

$$ext{fitness} = rac{1}{| ext{diferença}|+1}$$

E implementada como a fitness_func, que multiplica os valores da lista do teste atualmente sendo executado pelos pesos fornecidos na solução candidata e soma os resultados. A diferença absoluta entre essa soma e o valor alvo é usada para calcular o fitness, atribuindo maior pontuação às soluções que produzem uma soma mais próxima do alvo :

```
def fitness_func(ga_instance, solution, solution_idx):
   output_sum = numpy.sum(numpy.array(inputs) * solution)
   diff = abs(output - output_sum)
   fitness = 1.0 / (diff + 1)

return fitness
```

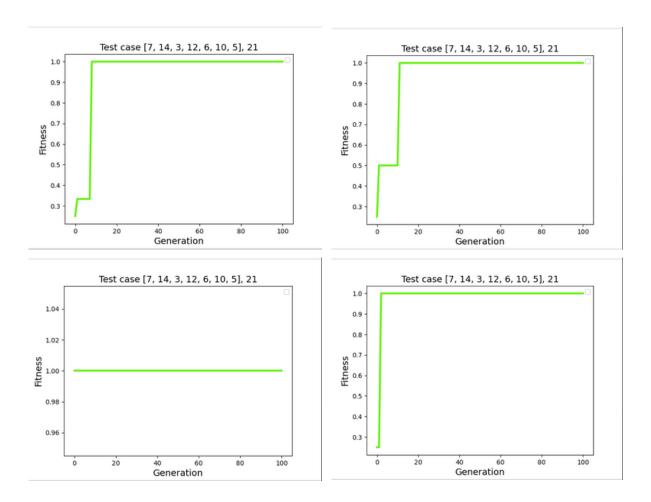
SOLUÇÃO

• Plots de execução:

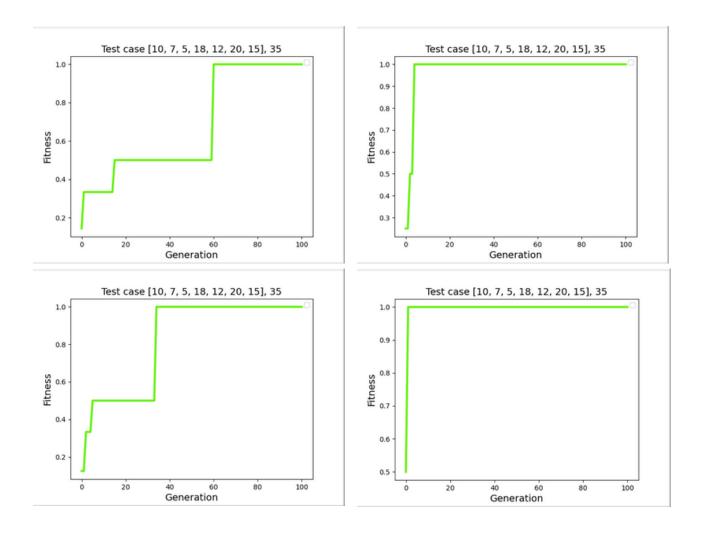
Analisaremos, por meio de gráficos, dois casos de teste escolhidos aleatoriamente do conjunto de casos. Os gráficos trazem a relação entre porcentagem de fitness da solução encontrada em relação às gerações percorridas:

1. Input: [7, 14, 3, 12, 6, 10, 5], saída esperada: 21

Mediante gráfico a seguir, pode-se ver a rápida convergência do algoritmo, mesmo após poucas gerações:



Figuras 1 a 4: convergência do algoritmo para diferentes execuções do mesmo caso de teste



Figuras 5 a 8: convergência do algoritmo para diferentes execuções do mesmo caso de teste

• Critério para seleção, cruzamento e mutação:

Foram utilizados os métodos padrão fornecidos pela biblioteca para mutação e tipos de crossover. A mutação ocorre em 20% dos genes, com uma probabilidade global de mutação de 10% por geração.

• Critério de parada:

Foi considerado um limite de 100 gerações como critério de parada.

DIFICULDADES E CONSIDERAÇÕES

O uso de algoritmos genéticos é uma abordagem interessante para problemas de otimização complexos como o Subset Sum, que não possuem soluções eficientes e determinísticas em tempo polinomial. No entanto, o custo computacional pode ser significativo, principalmente quando lidamos com conjuntos grandes ou muitas gerações.

CONCLUSÃO

Em resumo, o código desenvolvido provou-se eficiente para a resolução do problema proposto na disciplina.

ALUNOS

- Clara Rosa Oliveira Gonçalves matrícula: 22103511
- Gian Carlo Figueiredo Ferrari matrícula: 22100619
- Maykon Marcos Júnior matrícula: 22102199