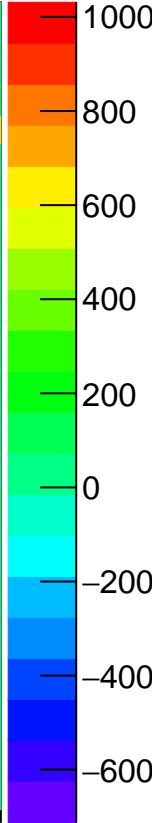


ge4b_ge2a	287.73	320.55	17.95	26.82	18.06	2.66	1.82						
eq3b_ge2a	28.33	18.79	21.55	42.83	27.64	17.30	4.19	3.72	7.93				
eq2b_ge2a	5.83	7.71	11.26	14.84	11.78	8.16	5.01	0.20	2.85	2.95	1.01		
eq1b_ge2a	6.18	5.88	6.67	6.70	5.38	2.60	1.56	0.82	19.11	31.49	105.43		
eq0b_ge2a	5.09	3.39	2.87	2.56	1.81	0.98	0.77	0.72	11.18	27.68	660.45		
ge4b_ge6j						-712.12	17.99	0.48	10.47	10.25	2.41		
eq3b_ge6j				1031.16	32.46	17.87	5.24	5.13	4.21	1.74			
eq2b_ge6j				76.08	28.51	13.04	4.48	10.79	3.23	2.24			
eq1b_ge6j				27.83	21.28	9.01	4.92	4.59	4.88	1.50			
eq0b_ge6j				9.82	6.70	4.11	1.89	2.83	1.54	0.98			
ge4b_eq5j				19.65	11.10	16.10	0.17	4.78	5.53	3.10			
eq3b_eq5j			24.38	44.37	24.38	8.89	1.77	5.54	1.72	0.98			
eq2b_eq5j			8.26	33.88	20.68	7.82	1.75	2.80	4.27	0.99			
eq1b_eq5j		79.69	33.08	17.96	11.11	4.82	1.59	3.11	2.16	0.84			
eq0b_eq5j			6.89	8.55	4.00	2.69	1.37	2.20	1.50	0.69			
ge4b_eq4j			6.59	10.16	-8.18	1.51	-0.05						
eq3b_eq4j		194.37	32.03	24.06	6.94	2.63	0.82	0.54	2.46	0.66			
eq2b_eq4j		23.40	20.57	14.21	5.22	2.10	1.19	1.81	1.43	0.67			
eq1b_eq4j	61.12	33.18	14.31	10.00	4.77	2.00	0.90	2.36	1.10	0.77			
eq0b_eq4j		4.83	6.58	4.90	3.11	1.61	0.91	1.75	1.45	0.67			
eq3b_eq3j		19.15	52.15	18.09	9.96	1.11	2.88	0.20	0.75	1.71	2.22		
eq2b_eq3j		2.07	11.25	9.29	5.75	1.82	0.87	0.33	0.81	1.23	0.29		
eq1b_eq3j	18.27	12.85	10.95	7.96	4.68	1.76	0.97	0.60	1.77	1.04	0.78		
eq0b_eq3j	5.93	4.14	5.97	4.86	3.05	1.78	1.03	0.56	1.51	0.95	0.67		
eq2b_eq2j	11.71	2.72	2.07	1.91	0.58	0.19	0.19	0.17	0.95	1.20	0.63		
eq1b_eq2j	11.15	7.81	4.39	3.39	1.31	1.04	0.60	0.30	1.37	0.96	0.53		
eq0b_eq2j	8.14	6.46	3.81	2.58	1.52	0.99	0.62	0.39	1.70	1.08	0.63		
eq1b_eq1j	4.72	4.06	3.92	3.81	4.02	3.30	5.56	6.32					
eq0b_eq1j	8.48	6.57	4.73	4.56	3.46	2.75	4.11	9.78	38.40	935.77			



200 400 600 800 1000 1200 HT