a
Decr. in accuracy of infection presence/absence
Bacterial counts
Bacterial prevalence
Predictor
Bacilli:Alicyclobacillus_sp
Actinobacteria:g__Corynebacterium
Alphaproteobacteria:g__Novosphingobium−2
Alphaproteobacteria:Devosia_sp−4
Actinobacteria:Corynebacterium_sp−1
Gammaproteobacteria:g__Halomonas
Actinobacteria:g__Brevibacterium
Gammaproteobacteria:Pseudomonas_alcaligenes
Gammaproteobacteria:f__Enterobacteriaceae−2
Flavobacteriia:Elizabethkingia_meningoseptica−1
Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae−18
Gammaproteobacteria:Acinetobacter_sp−2
Gammaproteobacteria:Stenotrophomonas_geniculata
Alphaproteobacteria:g__Ochrobactrum
Betaproteobacteria:Achromobacter_sp
Alphaproteobacteria:g__Erythromicrobium
Flavobacteriia:Chryseobacterium_sp−1
Alphaproteobacteria:g__Sphingomonas−4
Bacilli:g__Enterococcus
Gammaproteobacteria:g__Pseudomonas−3
Betaproteobacteria:f__Alcaligenaceae−1
b
Incr. % MSE of predicted Bd load
Bacterial counts
Bacterial prevalence
Predictor
Actinobacteria:f__Microbacteriaceae−1
Betaproteobacteria:Comamonas_sp
Actinobacteria:Microbacterium_sp
Alphaproteobacteria:Shinella_granuli
Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae−33
Gammaproteobacteria:Azorhizophilus_sp
Alphaproteobacteria:f__Beijerinckiaceae−1
Alphaproteobacteria:f__Rhizobiaceae−1
Gammaproteobacteria:g__Pseudomonas−7
Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae−18
species
Actinobacteria:o__Actinomycetales−3
Gammaproteobacteria:Perlucidibaca_sp
Alphaproteobacteria:Devosia_sp−4
Actinobacteria:o__Actinomycetales−4
Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae−3
Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae−21
Actinobacteria:Leucobacter_sp
Sphingobacteria:Pedobacter_sp−2
Alphaproteobacteria:f__Bradyrhizobiaceae−1
Cytophagia:Emticicia_sp
Inhibitory
No
Yes
NA