

Incr. % MSE of predicted *Bd* load

Actinobacteria:f__Microbacteriaceae-1
 Betaproteobacteria:Comamonas_sp
 Actinobacteria:Microbacterium_sp
 Alphaproteobacteria:Shinella_granuli
 Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae-33
 Gammaproteobacteria:Azorhizophilus_sp
 Alphaproteobacteria:f__Beijerinckiacae-1
 Alphaproteobacteria:f__Rhizobiaceae-1
 Gammaproteobacteria:g__Pseudomonas-7
 Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae-18
 species
 Actinobacteria:o__Actinomycetales-3
 Gammaproteobacteria:Perluclidibaca_sp
 Alphaproteobacteria:Devosia_sp-4
 Actinobacteria:o__Actinomycetales-4
 Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae-3
 Betaproteobacteria:f__Comamonadaceae-21
 Actinobacteria:Leucobacter_sp
 Spingobacteriia:Pedobacter_sp-2
 Alphaproteobacteria:f__Bradyrhizobiaceae-1
 Cytophagia:Emticia_sp

Predictor

Bacterial prevalence

Bacterial counts

Inhibitory

- No
- Yes
- NA