## 內容

1.	專案簡介	2
2.	實驗方法	2
	2.1 數據集	2
	2.2 分類器	3
	2.3 實驗流程	3
3.	實驗結果與分析	4
	3.1 Breast Cancer 數據集 (二元分類)	4
	3.2 Banknote Authentication 數據集 (二元分類)	5
	3.3 Digits 數據集 (多類別分類)	7
	3.4 Dry Bean 數據集 (多類別分類)	8
4.	綜合結論	9
附	錄	.10
	程式碼架構	.10
	環境建立與如何運行	.11
	Main	.11
	classifiers	.17
	utils	.19
	evaluation	.22
	visualize	.27
	GitHub	.32

# 1. 專案簡介

本研究旨在對三種基礎但具有代表性的機器學習分類器——K-近鄰演算法 (KNN)、隨機森林 (Random Forest) 和支持向量機 (SVM)——進行系統性的性能評估。為了全面地測試這些模型,選用了四個來自 UCI 機器學習庫和 Scikit-learn 的公開數據集,涵蓋了二元分類與多類別分類、不同樣本規模及特徵維度的場景

本報告將詳細闡述實驗的設計、流程、所採用的評估指標,並對實驗結果進行深入的分析與比較,以期得出各分類器在不同任務下的適用性與相對優劣

# 2. 實驗方法

### 2.1 數據集

選用了以下四個數據集進行實驗:

#### 1. Breast Cancer Wisconsin (乳癌數據集):

。 類型:二元分類

。 **任務:**根據 30 個從乳房腫塊細針穿刺數位影像中計算出的特徵,判斷其為惡性或良性

特性:特徵維度較高,樣本數較少 (569 筆)

#### 2. Banknote Authentication (鈔票鑑定數據集):

。 類型:二元分類

。 **任務:**根據從鈔票影像小波轉換中提取的 4 個特徵,判斷其為真鈔或偽鈔

。 **特性:**特徵維度低,分類邊界清晰

#### 3. Digits Dataset (手寫數字數據集):

。 **類型:**多類別分類 (10類)

○ **任務**:辨識 8x8 像素的手寫數字圖片(0-9)

。 **特性:**經典的多類別分類問題,特徵為 64 個像素值

#### 4. Dry Bean Dataset (乾豆數據集):

。 類型:多類別分類(7類)

○ 任務:根據 16 種外觀形態特徵,將乾豆分為 7 個不同的品種

。 **特性:** 樣本數最多 (約 13,611 筆),類別較多,是本次實驗中最具挑戰性的數據集

### 2.2 分類器

#### 1. K-Nearest Neighbors (KNN):

一種基於實例的非參數演算法,一個樣本的類別由其最近的 K 個鄰居的類別投票決定

#### 2. Random Forest (RF):

一種集成學習方法,構建多個決策樹並將它們的預測結果進行集成(投票或平均),以獲得更 準確、更穩定的預測,通常具有很好的抗過擬合能力

#### 3. Support Vector Machine (SVM):

一種強大的監督學習模型,其目標是找到一個能將不同類別的數據點以最大間隔 (margin) 分開的超平面透過 kernel trick, SVM 也能高效地處理非線性問題

### 2.3 實驗流程

#### 1. 數據預處理

在訓練每個模型前,對數據進行了**標準化(Standardization)** 處理,將所有特徵縮放到均值為 0、標準差為 1

此步驟被封裝在 Scikit-learn 的 Pipeline 中,以確保標準化的參數僅從訓練集學習,避免數據 洩漏

#### 2. 超參數優化

使用 GridSearchCV 搭配 **5-Fold Cross-Validation** 來為每個分類器在每個數據集上尋找最佳的超參數組合,搜索的參數網格如下:

o **KNN**: n neighbors: [3, 5, 7]

o Random Forest: n\_estimators: [50, 100, 200]

o **SVM**: C: [0.1, 1, 10], kernel: ['linear', 'rbf']

#### 3. 模型評估

#### 。 主要指標

從 5-Fold Cross-Validation 中獲取每個最佳模型的平均準確率 (Accuracy)、平均精確率 (Precision-Macro)、平均召回率 (Recall-Macro) 和平均 F1-Score (Macro)

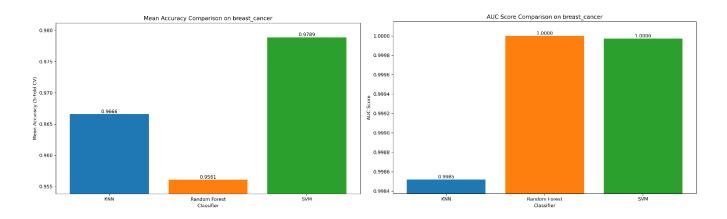
#### 。 輔助指標

在保留測試集 (一開始分割出去的那部分完全沒有參與訓練的 data) 上計算 AUC (Area Under the ROC Curve) 分數,並生成**混淆矩陣 (Confusion Matrix)** 以進行更深

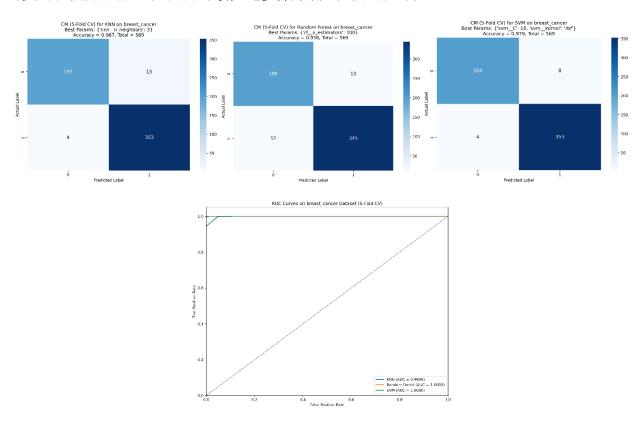
# 3. 實驗結果與分析

## 3.1 Breast Cancer 數據集 (二元分類)

在此數據集上, SVM 表現最為出色, 特別是其線性核心 (kernel='linear') 版本取得了最高的平均準確率和 AUC 分數



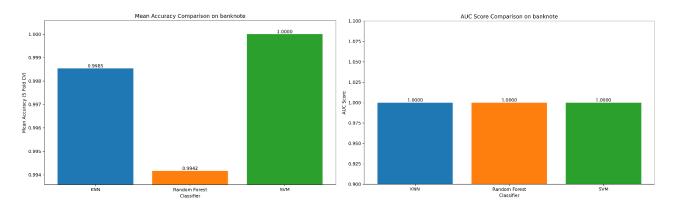
以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



分析:線性 SVM 的勝出強烈暗示此數據集的特徵在經過標準化後,具有高度的線性可分性。KNN 和 Random Forest 也表現不俗,但 SVM 尋找最大間隔超平面的能力使其在此任務上略勝一籌

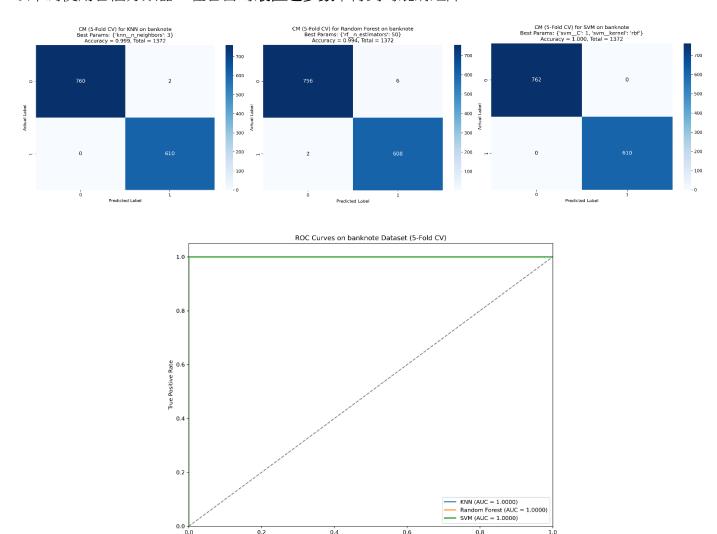
## 3.2 Banknote Authentication 數據集 (二元分類)

這是一個相對簡單的數據集,在 SVM 下曾在最佳超參數的配置下達到 100%的準確率



由於 AUC 本身評比的是**預測分數排序是否完美**,因此此處其他兩個分類器即使沒達到過 Accuracy=1,仍有 AUC=1 的分數

以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



分析:此數據集的清晰可分性使得所有模型都表現優異。KNN 在此類低維度、結構清晰的問題上非常高效。SVM 同樣找到了完美的分類邊界。

False Positive Rate

### 補充:不過考慮到出現 accuracy = 1 本身是一個不正常的跡象,因此此處我進行過一番檢查

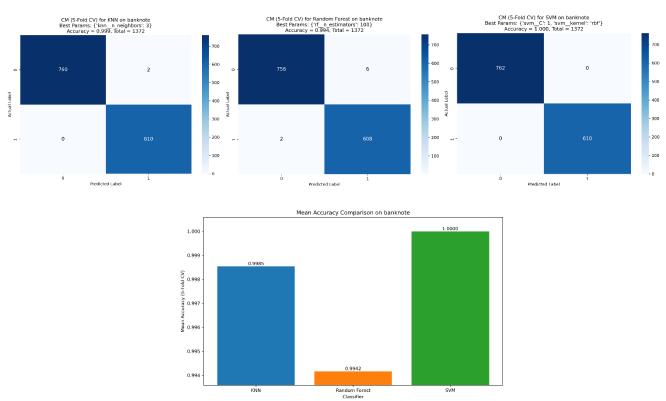
#### 1. test data 混入 train data

這是我首先懷疑的,不過經過檢查 test data 並沒有混入 train data 在程式中我使用的 sklearn.model\_selection 的 StratifiedKFold 進行資料分割,所有的 dataset 是用的都是同一套切割邏輯,但只有此數據集出現了 accuracy 為 1 的狀況

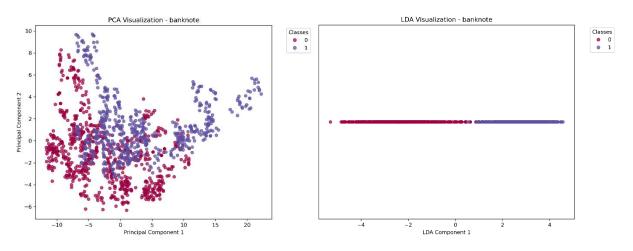
#### 2. 更改初始化的 random seed

另一個可能就是運氣很好真的撞到了(不過考慮到驗證的時候也是以 5-Fold Cross-Validation 進行,其實不太可能)

因此我有嘗試更改種子為:random\_state=133,結果仍舊完全一樣



#### 3. 資料可視化

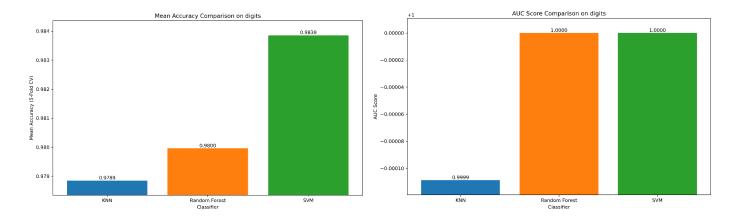


此處分別為資料集進行了 PCA 以及 LDA 的資料可視化。從 LDA 可以清晰地看出,紅色與藍色幾乎完全分開、中間重疊極少(幾乎沒有交錯區域)。也就是說,在這條線上模型可以找到一個分界點,使得兩類的機率分佈幾乎不重疊

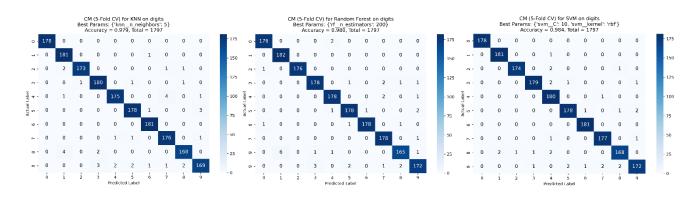
這證明了 Banknote 是一個幾乎**完美線性可分**的資料集,對於 **SVM 這種**學習一個穩定的「超平面」或「平滑邊界」的分類器而言,很容易就能找到能幾乎將資料集完美分割的邊界個人認為,這是 SVM 在此資料集上能多次達到 accuracy=1 的原因

## 3.3 Digits 數據集 (多類別分類)

在手寫數字辨識這個多類別任務中, SVM 再次取得了最高的平均準確率和 AUC 分數



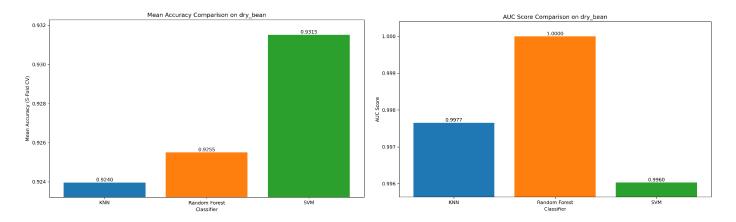
以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



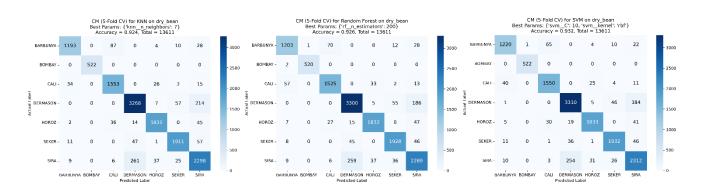
分析:所有三個分類器都表現出了強大的多類別分類能力,準確率均超過 97%。SVM 透過其核函數技巧,在處理 64 維像素特徵時展現了其優越性。值得注意的是,200 棵樹的 Random Forest 表現也極具競爭力,顯示了集成方法的效率

## 3.4 Dry Bean 數據集 (多類別分類)

所有模型的性能都非常接近, SVM 最終以微弱的優勢在 ACC 指標上勝出



以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



#### 分析:

在這個樣本量大、類別多的複雜問題上,模型之間的差距被縮小。SVM (C=10, kernel='rbf') 表現最好,說明一個經過良好調整的非線性 SVM 在處理複雜、高維且有大量數據的問題時是強大的工具。所有模型的 Accuracy 分數均在 0.92-0.94 之間,表明它們在所有 7 個類別上都有相當均衡的表現

另外,值得關注的是,這三種分類器的原理並不相同,但它們在這份資料集上的**混淆矩陣分佈 卻非常相似** 

在混淆矩陣裡,可以看到幾個固定的混淆現象:

#### • DERMASON $\leftrightarrow$ SIRA

這兩種豆的物理形狀特徵最接近,模型常混淆,不管是距離(KNN)、樹分裂(RF)或超平面(SVM),都難以區分

#### • BARBUNYA ↔ CALI:

也是形狀或顏色類似的類別,屬於次要混淆對

#### • BOMBAY:

幾乎完美分類,表示這個類別的特徵分佈非常獨立、清晰

再考慮到此資料集的特徵多為形狀、大小、顏色、紋理等連續值特徵,加上部分類別之間(例如 DERMASON vs SIRA)本身在物理外觀上就有部分重疊,可以推論不論使用哪種模型,只要它能捕捉到主要特徵結構,分類邊界可能就會很接近

因此模型雖然不同,但它們學到的決策邊界其實都在相同的資料分佈結構上,錯誤樣本也會重疊

# 4. 綜合結論

經過搭建並執行了完整的分類器比較流程。所有實驗的詳細數值結果總結如下:

dataset	classifier	best_params	mean_accuracy	mean_precision	mean_recall	mean_f1_score	auc
breast_cancer	KNN	{'knnn_neighbors': 3}	0.9665890389691041	0.9703585040690303	0.9590428228284436	0.9636588598824034	0.998520162782094
breast_cancer	Random Forest	{'rfn_estimators': 100}	0.9560937742586555	0.9557435041160833	0.9526707402034947	0.9528924697936147	1.0
breast_cancer	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9789163173420278	0.9799307432106413	0.9754488819220232	0.9772669033859678	0.9999735743353946
banknote	KNN	{'knnn_neighbors': 3}	0.9985401459854014	0.9983739837398374	0.9986842105263157	0.998523607462787	1.0
banknote	Random Forest	{'rfn_estimators': 50}	0.9941632382216323	0.993840347916362	0.9944175872822525	0.9940963445153678	1.0
banknote	SVM	{'svmC': 1, 'svmkernel': 'rbf'}	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
digits	KNN	{'knnn_neighbors': 5}	0.9788502011761064	0.9794170504000224	0.9788219648219648	0.9787964332704355	0.9998912440201753
digits	Random Forest	{'rfn_estimators': 200}	0.979962859795729	0.9806820738182968	0.9798818734701088	0.9799519376359956	1.0
digits	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9838594862271742	0.9842239109963569	0.983882882882883	0.983836601552334	1.0
dry_bean	KNN	{'knnn_neighbors': 7}	0.923959154917036	0.9382790896970314	0.9344295812705029	0.9361396611031605	0.9976572093025303
dry_bean	Random Forest	{'rf_n_estimators': 200}	0.9255020570679516	0.9379431626428717	0.9345859964132149	0.9361462875861128	1.0
dry_bean	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9315265530006316	0.9439156881279256	0.9411645795147809	0.942449483893051	0.9960355447330907

#### 總體觀察:

● **SVM 是其中表現最好的分類器:**在所有四個任務中,經過超參數優化的 **SVM** 均取得了最佳或並列最佳的性能

這證明了它作為一個強大且靈活的 baseline model 的價值

#### ● 沒有萬能模型:

雖然 SVM 表現最好,但其他模型在特定場景下也極具競爭力

例如,KNN 在簡單問題上高效且準確;Random Forest 則提供了無需過多調參就能獲得的穩定、良好性能

#### ● 超參數優化的重要性:

這裡可能看不太出來,不過再我使用不同的種子碼(42、133)時,會出現能夠達到最佳表現 的的超參數組合出現變化的情況。這凸顯了超參數搜索對於發揮模型全部潛力的關鍵作用

#### ● 部分 ACU 達到 1 的分數

在實驗結果中可以觀察到,部分分類器(例如 KNN 與 Random Forest)在個別資料集上曾於某些訓練/驗證分割中達到 100%的分類準確率,但其平均準確率(mean accuracy)仍略低於 1 這種現象屬於正常且可解釋的統計波動,並非程式錯誤或資料分割異常所造成

首先,本實驗採用 Stratified 5-Fold Cross Validation,確保每個 fold 的訓練與測試資料互斥且類別比例一致,並利用 Scikit-learn 的 cross\_val\_predict 在嚴格的資料隔離下生成預測結果,因此不存在資料洩漏的情況

導致部分模型於單次 fold 達到完美分類的主要原因有三點:

- 1. **資料特性**:如 Banknote Authentication 資料集具有高度線性可分性,在部分隨機切割下, 訓練與測試樣本之間的邊界極為明確,導致分類器能完全正確預測
- 2. **模型隨機性**:像 Random Forest 含隨機抽樣與樹分裂過程,不同隨機狀態下可能出現局部 完美分類。KNN 亦可能在某些資料分佈下,所有測試樣本剛好鄰近同類樣本
- 3. **AUC 指標特性**: AUC 反映的是模型對正負樣本排序的正確性,而非實際分類結果。即使模型在某些閾值下產生少量錯誤,只要分數排序完全正確,也可能得到 AUC=1.0

# 附錄

### 程式碼架構

- main.py: 主執行腳本,負責協調整個實驗流程,包括數據加載、模型訓練、超參數搜索和評估。
- utils.py: 工具模組,提供加載所有數據集的統一接口。
- visualize.py: 負責資料集的資料分佈視覺化(PCA、LDA)。
- classifiers.py: 分類器模組,封裝了所有分類器,並內建了數據標準化 Pipeline。
- evaluation.py: 評估模組,提供繪製混淆矩陣、ROC 曲線和性能比較長條圖的功能。
- requirements.txt: 專案的 Python 依賴包列表。
- data/: 存放本地數據集的資料夾。

- plots/: 存放所有生成圖表的資料夾。
- Readme.md:本說明檔案,記錄專案細節與成果。

## 環境建立與如何運行

1. 安裝依賴: 本專案的所有 Python 依賴都記錄在 requirements.txt 中。請運行以下指令進行安裝

pip install -r requirements.txt

#### 2. 準備數據

- o Breast Cancer Wisconsin 數據集會自動從網路下載
- 。 Banknote Authentication 需手動下載 (放在 data 資料夾): <u>UCI 連結</u>
- o Digits Dataset 數據集會自動從網路下載
- o Dry Bean Dataset 需手動下載 (放在 data 資料夾): UCI 連結
- 3. **執行實驗:** 所有實驗流程都已整合到 main.py 中。直接運行此腳本即可: python main.py

腳本會自動執行所有數據集的超參數搜索、模型評估、生成所有圖表至 plots/ 資料夾、匯出 results summary.csv。

### Main

import numpy as np

import pandas as pd

import warnings

import os

from utils import load dataset

from classifiers import BaseClassifierWrapper, KNeighborsClassifierWrapper, RandomForestClassifierWrapper, SupportVectorMachineWrapper

from evaluation import plot confusion matrix, plot roc curves, plot metric comparison

from sklearn.model selection import GridSearchCV, StratifiedKFold, cross val predict

from sklearn.metrics import accuracy score, roc auc score, confusion matrix

from visualize import visualize pca, visualize lda

```
warnings.filterwarnings("ignore", category=UserWarning)
def main():
   """主函式:使用 5-Fold Cross Validation 執行所有數據集的模型搜尋與評估"""
    os.makedirs('plots', exist ok=True)
    dataset names = ['breast cancer', 'banknote', 'digits', 'dry bean']
    final results = []
    for dataset name in dataset names:
        print(f'' \setminus n\{'='*50\}'')
        print(f"處理數據集: {dataset name}")
        print(f"{'='*50}")
        # === 載入資料 ===
        X, y = load dataset(dataset name)
        visualize_pca(X, y, dataset_name)
        visualize lda(X, y, dataset name)
        if X is None:
             continue
        is\_binary = len(np.unique(y)) == 2
        #=== 參數設定 ====
        param grids = {
```

"KNN": {'knn\_n\_neighbors': [3, 5, 7]},

```
"Random Forest": {'rf n estimators': [50, 100, 200]},
     "SVM": {'svm C': [0.1, 1, 10], 'svm kernel': ['linear', 'rbf']}
}
classifiers = {
    "KNN": KNeighborsClassifierWrapper(),
     "Random Forest": RandomForestClassifierWrapper(random state=42),
    "SVM": SupportVectorMachineWrapper(random state=42)
}
roc results for dataset = []
metrics_for_dataset = {'Accuracy': {}, 'AUC': {}}
# === Cross-validation 分割設定 ===
cv = StratifiedKFold(n splits=5, shuffle=True, random state=42)
for name, clf wrapper in classifiers.items():
    print(f"\n--- 為 {name} 執行 5-Fold Cross Validation on {dataset_name} ---")
    scoring = {
         'accuracy': 'accuracy',
         'precision': 'precision macro',
         'recall': 'recall macro',
         'fl score': 'fl macro'
    }
    # GridSearchCV for parameter tuning
```

```
grid search = GridSearchCV(
    clf_wrapper.model,
    param grids[name],
    cv=cv,
    scoring=scoring,
    refit='accuracy',
    n jobs=-1
)
grid_search.fit(X, y)
best_model = grid_search.best_estimator_
print(f"找到的最佳參數: {grid search.best params }")
# Cross-validation 預測 (用於 Confusion Matrix & ROC)
y pred = cross val predict(best model, X, y, cv=cv)
y_proba, _ = BaseClassifierWrapper._get_scores(best_model, X)
# === 平均 CV 結果 ===
mean_accuracy = grid_search.cv_results_['mean_test_accuracy'][grid_search.best_index_]
mean_precision = grid_search.cv_results_['mean_test_precision'][grid_search.best_index_]
mean_recall = grid_search.cv_results_['mean_test_recall'][grid_search.best_index_]
mean f1 = grid search.cv results ['mean test f1 score'][grid search.best index ]
auc score = None
if y_proba is not None:
    if is binary:
         auc_score = roc_auc_score(y, y_proba[:, 1])
         roc_results_for_dataset.append((y, y_proba[:, 1], name))
```

```
auc_score = roc_auc_score(y, y_proba, multi_class='ovr', average='macro')
            print(f'平均 CV 準確率: {mean accuracy:.4f}, 精確率: {mean precision:.4f}, 召回率:
{mean recall:.4f}, F1: {mean f1:.4f}")
            if auc score is not None:
                 print(f"整體資料 AUC: {auc_score:.4f}")
             final results.append({
                 'dataset': dataset name, 'classifier': name,
                 'best params': str(grid search.best params ),
                 'mean accuracy': mean accuracy,
                 'mean precision': mean precision,
                 'mean recall': mean recall,
                 'mean fl score': mean fl,
                 'auc': auc score
             })
             metrics_for_dataset['Accuracy'][name] = mean_accuracy
             if auc score is not None:
                 metrics for dataset['AUC'][name] = auc score
            #=== 繪製混淆矩陣 ===
            cm = confusion matrix(y, y pred)
             cm title = fCM (5-Fold CV) for {name} on {dataset name} \nBest Params:
{grid search.best params }'
             cm save path = fplots/CM {name} {dataset name}.png'
```

plot\_confusion\_matrix(y, y\_pred, title=cm\_title, save\_path=cm\_save\_path)

else:

```
# === 繪製 ROC 與比較圖 ===
        if is binary:
             plot_roc_curves(roc_results_for_dataset, title=f'ROC Curves on {dataset_name} Dataset (5-
Fold CV)',
                               save_path=f'plots/ROC_{dataset_name}.png')
        plot metric comparison(metrics for dataset['Accuracy'], metric name='Mean Accuracy (5-Fold
CV)',
                                   title=f'Mean Accuracy Comparison on {dataset name}',
save path=f'plots/ACC BAR {dataset name}.png')
        if metrics for_dataset['AUC']:
             plot_metric_comparison(metrics_for_dataset['AUC'], metric_name='AUC Score',
                                       title=f'AUC Score Comparison on {dataset name}',
save path=f'plots/AUC BAR {dataset name}.png')
    #=== 匯出結果 ===
    print(f'' \setminus n \setminus f'='*50\}")
    print("所有實驗已完成 - 匯出結果摘要")
    print(f"{'='*50}")
    results df = pd.DataFrame(final results)
    results_df.to_csv('results_summary.csv', index=False)
    print("結果摘要已儲存至 results summary.csv")
if __name__ == "__main__":
```

main()

### classifiers

```
from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
from sklearn.svm import SVC
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from sklearn.pipeline import Pipeline
class BaseClassifierWrapper:
   """提供一個通用的方法來獲取模型的預測分數"""
   @staticmethod
   def _get_scores(model, X):
       """優先嘗試 decision_function,其次是 predict_proba (回傳每個類別的機率)。"""
       # 先嘗試取得原生的分數,若不行再嘗試獲取每個類別的機率
       decision values = None
       proba values = None
       if hasattr(model, 'decision function'):
            try:
                decision values = model.decision function(X)
            except Exception:
                pass # 忽略錯誤
       if hasattr(model, 'predict_proba'):
            try:
                proba_values = model.predict_proba(X)
            except Exception:
```

return proba\_values, decision\_values

```
class KNeighborsClassifierWrapper(BaseClassifierWrapper):
    """KNN 分類器的封裝。"""
    def init (self, n neighbors=5):
        self.model = Pipeline([
             ('scaler', StandardScaler()),
             ('knn', KNeighborsClassifier(n_neighbors=n_neighbors))
        ])
    def train(self, X_train, y_train):
        self.model.fit(X_train, y_train)
    def test(self, X test):
        y_pred = self.model.predict(X_test)
        proba, dec = self. get scores(self.model, X test)
        return y_pred, proba, dec
class RandomForestClassifierWrapper(BaseClassifierWrapper):
    """Random Forest 分類器的封裝。"""
    def init (self, n estimators=100, random state=42):
        self.model = Pipeline([
             ('scaler', StandardScaler()),
             ('rf', RandomForestClassifier(n estimators=n estimators, random state=random state))
        ])
    def train(self, X_train, y_train):
```

```
self.model.fit(X train, y train)
    def test(self, X test):
        y_pred = self.model.predict(X_test)
        proba, dec = self. get scores(self.model, X test)
        return y pred, proba, dec
class SupportVectorMachineWrapper(BaseClassifierWrapper):
    """SVM 分類器的封裝。"""
    def init (self, C=1.0, kernel='rbf', probability=True, random state=42):
        # 註:probability=True 讓 SVC 能夠使用 predict proba,但會增加訓練時間。
        self.model = Pipeline([
             ('scaler', StandardScaler()),
             ('svm', SVC(C=C, kernel=kernel, probability=probability, random state=random state))
        ])
    def train(self, X train, y train):
        self.model.fit(X_train, y train)
    def test(self, X test):
        y_pred = self.model.predict(X_test)
        proba, dec = self. get scores(self.model, X test)
        return y pred, proba, dec
utils
import os
```

import pandas as pd

```
from sklearn.datasets import load breast cancer, load digits
def load dataset(name: str):
    ,,,,,,
   根據名稱載入指定的數據集,採用本地優先策略。
    Args:
        name (str): 數據集名稱。可選值:
                         'breast_cancer', 'digits', 'banknote', 'dry_bean'
   Returns:
        tuple: (X, y) or (None, None) if loading fails.
                 X: 特徵數據 (np.ndarray)
                 y: 標籤 (np.ndarray)
    ** ** **
   if name == 'breast cancer':
        data = load breast cancer()
        return data.data, data.target
    elif name == 'digits':
        data = load digits()
        return data.data, data.target
    elif name == 'banknote':
        local path = 'data/data banknote authentication.txt'
        if os.path.exists(local path):
```

print(f"從本地路徑加載 '{name}' 數據集: {local\_path}")

```
df = pd.read csv(local path, header=None)
       else:
           url = 'https://archive.ics.uci.edu/ml/machine-learning-
databases/00267/data banknote authentication.txt'
           print(f"本地檔案未找到,嘗試從網路後備連結加載: {url}")
           try:
                df = pd.read csv(url, header=None)
           except Exception as e:
                print(f'無法從網路讀取 banknote 數據,請手動下載至 '{local path}'。錯誤: {e}")
                return None, None
       X = df.iloc[:, :-1].values
       y = df.iloc[:, -1].values
       return X, y
   elif name == 'dry bean':
       # 根據建議,我們預期用戶已將解壓縮後的檔案放在 data/DryBeanDataset/ 目錄下
       local path = 'data/DryBeanDataset/Dry Bean Dataset.xlsx'
       if not os.path.exists(local path):
           print(f"錯誤: 找不到 '{local path}'。")
           print("請確認您已手動從 Kaggle 下載數據集,並將其解壓縮後的 .xlsx 檔案放置在正
確的路徑中。")
           return None, None
       print(f"從本地路徑加載 '{name}' 數據集: {local path}")
       df = pd.read excel(local path)
       X = df.iloc[:, :-1].values
       y = df.iloc[:, -1].values
```

```
return X, y
```

```
else:
```

```
raise ValueError(f''未知的數據集名稱: {name}。請從 'breast_cancer', 'digits', 'banknote', 'dry_bean' 中選擇。")
```

### evaluation

```
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
import numpy as np
import os
from sklearn.metrics import confusion matrix, roc curve, auc
             _____
  混淆矩陣繪圖
def plot_confusion_matrix(y_true, y_pred, title: str, save_path: str):
   計算並繪製混淆矩陣,並將其儲存為圖片檔案。
   支援任意類別數量與格式(含字串標籤)。
   os.makedirs(os.path.dirname(save path), exist ok=True)
   labels = np.unique(np.concatenate((y_true, y_pred)))
   cm = confusion matrix(y true, y pred, labels=labels)
   fig, ax = plt.subplots(figsize=(8, 6))
   sns.heatmap(cm, cmap="Blues", cbar=True, ax=ax,
```

```
# === 手動標註每格 ===
    for i in range(cm.shape[0]):
         for j in range(cm.shape[1]):
             value = cm[i, j]
             color = "white" if value > cm.max() / 2 else "black"
             ax.text(j + 0.5, i + 0.5, f'' \{value:d\}'',
                       ha="center", va="center", color=color, fontsize=12)
    #=== 額外資訊 ===
    acc = np.trace(cm) / np.sum(cm)
    total = np.sum(cm)
    ax.set title(f"{title}\nAccuracy = {acc:.3f}, Total = {total}")
    ax.set_ylabel("Actual Label")
    ax.set xlabel("Predicted Label")
    plt.tight layout()
    plt.savefig(save_path, dpi=300, bbox_inches="tight")
    plt.close()
    print(f"混淆矩陣已儲存至: {save path}")
   ROC 曲線繪圖
def plot roc curves(results, title: str, save path: str):
```

```
** ** **
```

```
在同一張圖上繪製多個分類器的 ROC 曲線,並儲存為檔案。
results 格式為 [(y_true, y_score, name), ...]
os.makedirs(os.path.dirname(save_path), exist_ok=True)
plt.figure(figsize=(10, 8))
for y_true, y_scores, name in results:
    fpr, tpr, _ = roc_curve(y_true, y_scores)
    roc_auc = auc(fpr, tpr)
    plt.plot(fpr, tpr, lw=2, label=f'{name} (AUC = {roc_auc:.4f})')
plt.plot([0, 1], [0, 1], color='gray', lw=1.5, linestyle='--')
plt.xlim([0.0, 1.0])
plt.ylim([0.0, 1.05])
plt.xlabel('False Positive Rate')
plt.ylabel('True Positive Rate')
plt.title(title)
plt.legend(loc="lower right", fontsize=10)
plt.tight_layout()
plt.savefig(save_path, dpi=300, bbox_inches="tight")
plt.close()
print(f' ROC 曲線圖已儲存至: {save_path}")
```

# ------

```
def plot_metric_comparison(results, metric_name: str, title: str, save_path: str):
    ** ** **
    繪製不同分類器在同一指標下的比較圖。
    results = {'SVM': 0.98, 'KNN': 0.95, ...}
    os.makedirs(os.path.dirname(save path), exist ok=True)
    names = list(results.keys())
    scores = list(results.values())
    plt.figure(figsize=(10, 6))
    bars = plt.bar(names, scores, color=['#1f77b4', '#ff7f0e', '#2ca02c'])
    plt.xlabel('Classifier')
    plt.ylabel(metric_name)
    plt.title(title)
    # 動態調整 Y 軸範圍
    min score, max score = min(scores), max(scores)
    if min_score == max_score:
        plt.ylim([min score * 0.95 - 0.05, max score * 1.05 + 0.05])
    else:
        plt.ylim([min_score - (max_score - min_score) * 0.1,
                     max_score + (max_score - min_score) * 0.1])
    for bar in bars:
        yval = bar.get height()
```

```
plt.text(bar.get x() + bar.get width() / 2.0, yval, f'(yval:.4f)',
                    ha='center', va='bottom', fontsize=10)
    plt.tight_layout()
    plt.savefig(save path, dpi=300, bbox inches="tight")
    plt.close()
    print(f" {metric name} 比較圖已儲存至: {save path}")
   Cross-Validation 穩定性圖(新功能)
def plot cv stability bar(results dict, metric name: str, title: str, save path: str):
    ** ** **
    繪製不同分類器的 Cross-Validation 平均分數 ± 標準差。
    results dict = {
         'SVM': (mean, std),
         'KNN': (mean, std),
    }
    os.makedirs(os.path.dirname(save path), exist ok=True)
    names = list(results_dict.keys())
    means = [v[0]] for v in results dict.values()]
    stds = [v[1] \text{ for } v \text{ in results } dict.values()]
    plt.figure(figsize=(10, 6))
```

```
bars = plt.bar(names, means, yerr=stds, capsize=6,
                      color=['#1f77b4', '#ff7f0e', '#2ca02c'], alpha=0.85)
    plt.xlabel("Classifier")
    plt.ylabel(metric_name)
    plt.title(title)
    for i, bar in enumerate(bars):
        plt.text(bar.get x() + bar.get width()/2, bar.get height() + stds[i],
                   f''{means[i]:.4f}±{stds[i]:.4f}'', ha="center", va="bottom", fontsize=9)
    plt.tight layout()
    plt.savefig(save path, dpi=300, bbox inches="tight")
    plt.close()
    print(f" {metric_name} 穩定性比較圖已儲存至: {save_path}")
visualize
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
from sklearn.decomposition import PCA
import matplotlib.pyplot as plt
import os
import numpy as np
from sklearn.discriminant analysis import LinearDiscriminantAnalysis as LDA
BASE DIR = os.path.dirname(os.path.abspath( file ))
PLOTS DIR = os.path.join(BASE DIR, 'plots')
os.makedirs(PLOTS DIR, exist ok=True)
```

```
def visualize pca(X, y, dataset name):
    """將資料降維至 2D 並以 PCA 可視化,圖片儲存在 plots 資料夾中"""
   pca = PCA(n components=2)
   X pca = pca.fit transform(X)
   #=== 新增:將字串標籤轉成整數 ===
   if y.dtype == object or isinstance(y[0], str):
        le = LabelEncoder()
        y_encoded = le.fit_transform(y)
        class names = le.classes
   else:
        y_{encoded} = y
        class names = np.unique(y)
   plt.figure(figsize=(8, 6))
   scatter = plt.scatter(
        X \text{ pca}[:, 0], X \text{ pca}[:, 1],
        c=y encoded, cmap='Spectral', alpha=0.7, s=30
   )
   plt.title(f"PCA Visualization - {dataset name}")
   plt.xlabel("Principal Component 1")
   plt.ylabel("Principal Component 2")
   #新增:顯示圖例(每個顏色對應的類別)
   handles, = scatter.legend elements()
   plt.legend(handles, class names, title="Classes", bbox to anchor=(1.05, 1), loc='upper left')
```

```
# 儲存圖
   BASE DIR = os.path.dirname(os.path.abspath( file ))
   save_dir = os.path.join(BASE_DIR, 'plots')
   os.makedirs(save_dir, exist_ok=True)
   save_path = os.path.join(save_dir, f"PCA_{dataset_name}.png")
   plt.tight_layout()
   plt.savefig(save_path, dpi=300, bbox_inches='tight')
   plt.close()
   print(f"PCA 圖已儲存至: {save_path}")
def visualize_lda(X, y, dataset_name: str):
   使用 LDA (Linear Discriminant Analysis) 進行有監督降維,
   並將結果以散點圖可視化,輸出至 plots 資料夾。
   Parameters
   X: np.ndarray
       特徵矩陣
   y: np.ndarray
       標籤向量(可為數字或字串)
   dataset name: str
       資料集名稱(將用於檔名與標題)
   *****
```

#=== 確保標籤是數字 ===

if y.dtype == object or isinstance(y[0], str):

```
le = LabelEncoder()
     y_encoded = le.fit_transform(y)
     class names = le.classes
else:
     y encoded = y
     class names = np.unique(y)
n classes = len(np.unique(y encoded))
# === LDA 降維 ===
n components = 2 \text{ if n classes} > 2 \text{ else } 1
lda = LDA(n_components=n_components)
X_lda = lda.fit_transform(X, y_encoded)
#=== 畫圖 ===
plt.figure(figsize=(8, 6))
if n components == 2:
     scatter = plt.scatter(
         X_lda[:, 0], X_lda[:, 1],
         c=y_encoded, cmap="Spectral", alpha=0.7, s=30
     )
     plt.xlabel("LDA Component 1")
     plt.ylabel("LDA Component 2")
else:
     scatter = plt.scatter(
         X_{lda}[:, 0], np.zeros_like(X_{lda}),
         c=y_encoded, cmap="Spectral", alpha=0.7, s=30
```

```
)
        plt.xlabel("LDA Component 1")
        plt.yticks([])
   plt.title(f"LDA Visualization - {dataset name}")
   # 圖例
   handles, _ = scatter.legend_elements()
   plt.legend(handles, class_names, title="Classes",
                bbox_to_anchor=(1.05, 1), loc='upper left')
   # === 儲存圖像 ===
   BASE DIR = os.path.dirname(os.path.abspath( file ))
    save dir = os.path.join(BASE DIR, 'plots')
    os.makedirs(save dir, exist ok=True)
    save_path = os.path.join(save_dir, f"LDA_{dataset_name}.png")
   plt.tight_layout()
   plt.savefig(save path, dpi=300, bbox inches='tight')
   plt.close()
   print(f"LDA 圖已儲存至: {save_path}")
Requirements
contourpy==1.3.3
cycler==0.12.1
et xmlfile==2.0.0
```

```
fonttools == 4.60.1
joblib==1.5.2
kiwisolver==1.4.9
matplotlib==3.10.6
numpy==2.3.3
openpyxl==3.1.5
packaging==25.0
pandas==2.3.3
pillow==11.3.0
pyparsing==3.2.5
python-dateutil==2.9.0.post0
pytz==2025.2
scikit-learn==1.7.2
scipy==1.16.2
seaborn==0.13.2
six = 1.17.0
tabulate = 0.9.0
threadpoolctl==3.6.0
tzdata==2025.2
```

## GitHub

GitHub: <a href="https://github.com/megrez33281/classifiers-experiment">https://github.com/megrez33281/classifiers-experiment</a>