內容

1.	專案簡介	2
2.	實驗方法	2
	2.1 數據集	2
	2.2 分類器	3
	2.3 實驗流程	3
3.	實驗結果與分析	4
	3.1 Breast Cancer 數據集 (二元分類)	4
	3.2 Banknote Authentication 數據集 (二元分類)	5
	3.3 Digits 數據集 (多類別分類)	7
	3.4 Dry Bean 數據集 (多類別分類)	8
4.	綜合結論	9
附	錄	10
	程式碼架構	10
	環境建立與如何運行	10
	Main	11
	classifiers	16
	utils	19
	evaluation	21
	visualize	27
	GitHub	31

1. 專案簡介

本研究旨在對三種基礎但具有代表性的機器學習分類器——K-近鄰演算法 (KNN)、隨機森林 (Random Forest) 和支持向量機 (SVM)——進行系統性的性能評估。為了全面地測試這些模型,選用了四個來自 UCI 機器學習庫和 Scikit-learn 的公開數據集,涵蓋了二元分類與多類別分類、不同樣本規模及特徵維度的場景

本報告將詳細闡述實驗的設計、流程、所採用的評估指標,並對實驗結果進行深入的分析與比較,以期得出各分類器在不同任務下的適用性與相對優劣

2. 實驗方法

2.1 數據集

選用了以下四個數據集進行實驗:

1. Breast Cancer Wisconsin (乳癌數據集):

。 類型:二元分類

。 **任務:**根據 30 個從乳房腫塊細針穿刺數位影像中計算出的特徵,判斷其為惡性或良性

特性:特徵維度較高,樣本數較少 (569 筆)

2. Banknote Authentication (鈔票鑑定數據集):

。 類型:二元分類

。 **任務:**根據從鈔票影像小波轉換中提取的 4 個特徵,判斷其為真鈔或偽鈔

。 **特性:**特徵維度低,分類邊界清晰

3. Digits Dataset (手寫數字數據集):

。 **類型:**多類別分類 (10類)

○ **任務**:辨識 8x8 像素的手寫數字圖片(0-9)

。 **特性:**經典的多類別分類問題,特徵為 64 個像素值

4. Dry Bean Dataset (乾豆數據集):

。 類型:多類別分類(7類)

○ 任務:根據 16 種外觀形態特徵,將乾豆分為 7 個不同的品種

。 **特性:** 樣本數最多 (約 13,611 筆),類別較多,是本次實驗中最具挑戰性的數據集

2.2 分類器

1. K-Nearest Neighbors (KNN):

一種基於實例的非參數演算法,一個樣本的類別由其最近的 K 個鄰居的類別投票決定

2. Random Forest (RF):

一種集成學習方法,構建多個決策樹並將它們的預測結果進行集成(投票或平均),以獲得更 準確、更穩定的預測,通常具有很好的抗過擬合能力

3. Support Vector Machine (SVM):

一種強大的監督學習模型,其目標是找到一個能將不同類別的數據點以最大間隔 (margin) 分開的超平面透過 kernel trick, SVM 也能高效地處理非線性問題

2.3 實驗流程

1. 數據預處理

在訓練每個模型前,對數據進行了**標準化(Standardization)** 處理,將所有特徵縮放到均值為 0、標準差為 1

此步驟被封裝在 Scikit-learn 的 Pipeline 中,以確保標準化的參數僅從訓練集學習,避免數據 洩漏

2. 超參數優化

使用 GridSearchCV 搭配 **5-Fold Cross-Validation** 來為每個分類器在每個數據集上尋找最佳的超參數組合,搜索的參數網格如下:

o **KNN**: n neighbors: [3, 5, 7]

o Random Forest: n_estimators: [50, 100, 200]

o **SVM**: C: [0.1, 1, 10], kernel: ['linear', 'rbf']

3. 模型評估

。 主要指標

從 5-Fold Cross-Validation 中獲取每個最佳模型的平均準確率 (Accuracy)、平均精確率 (Precision-Macro)、平均召回率 (Recall-Macro) 和平均 F1-Score (Macro)

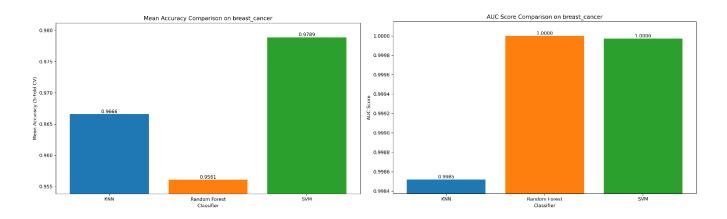
。 輔助指標

在保留測試集 (一開始分割出去的那部分完全沒有參與訓練的 data) 上計算 AUC (Area Under the ROC Curve) 分數,並生成**混淆矩陣 (Confusion Matrix)** 以進行更深

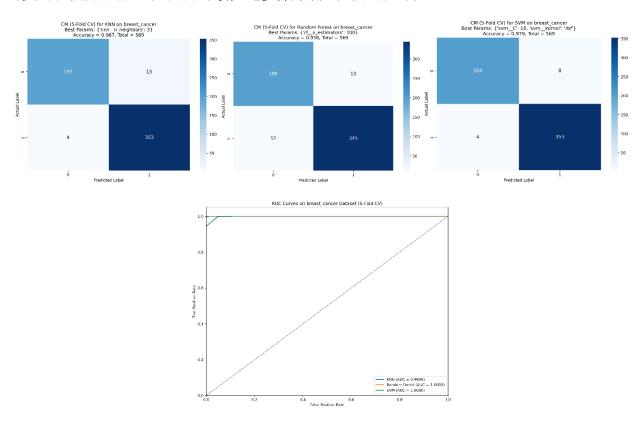
3. 實驗結果與分析

3.1 Breast Cancer 數據集 (二元分類)

在此數據集上, SVM 表現最為出色, 特別是其線性核心 (kernel='linear') 版本取得了最高的平均準確率和 AUC 分數



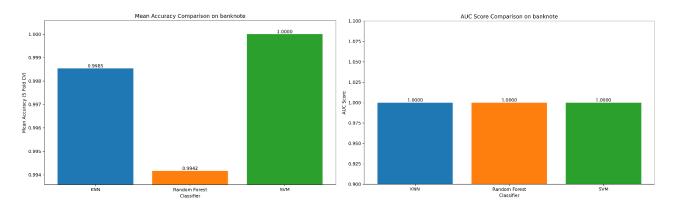
以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



分析:線性 SVM 的勝出強烈暗示此數據集的特徵在經過標準化後,具有高度的線性可分性。KNN 和 Random Forest 也表現不俗,但 SVM 尋找最大間隔超平面的能力使其在此任務上略勝一籌

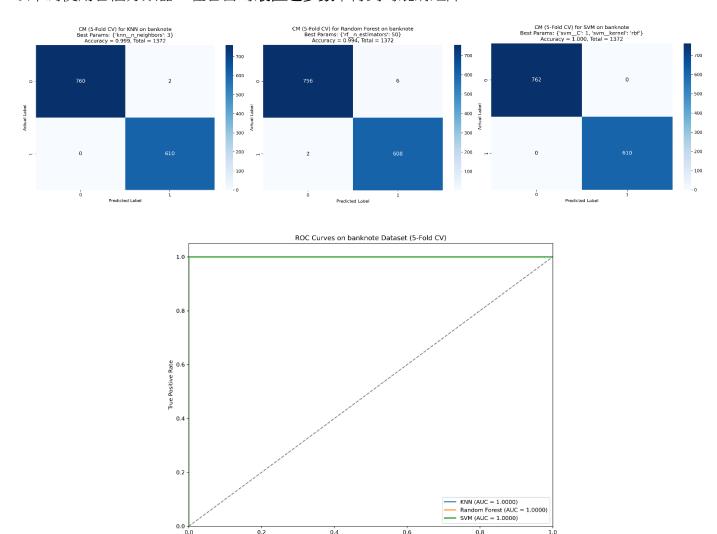
3.2 Banknote Authentication 數據集 (二元分類)

這是一個相對簡單的數據集,在 SVM 下曾在最佳超參數的配置下達到 100%的準確率



由於 AUC 本身評比的是**預測分數排序是否完美**,因此此處其他兩個分類器即使沒達到過 Accuracy=1,仍有 AUC=1 的分數

以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



分析:此數據集的清晰可分性使得所有模型都表現優異。KNN 在此類低維度、結構清晰的問題上非常高效。SVM 同樣找到了完美的分類邊界。

False Positive Rate

補充:不過考慮到出現 accuracy = 1 本身是一個不正常的跡象,因此此處我進行過一番檢查

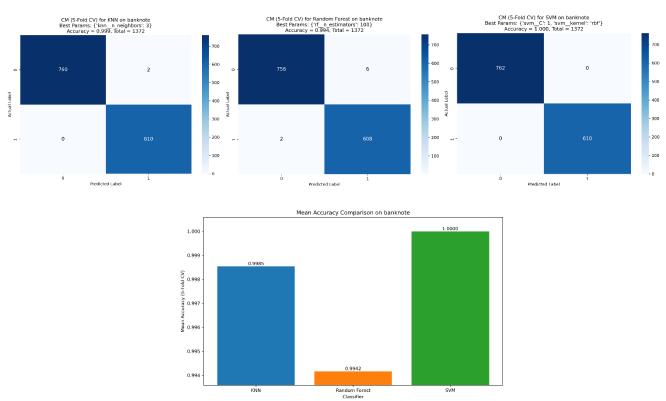
1. test data 混入 train data

這是我首先懷疑的,不過經過檢查 test data 並沒有混入 train data 在程式中我使用的 sklearn.model_selection 的 StratifiedKFold 進行資料分割,所有的 dataset 是用的都是同一套切割邏輯,但只有此數據集出現了 accuracy 為 1 的狀況

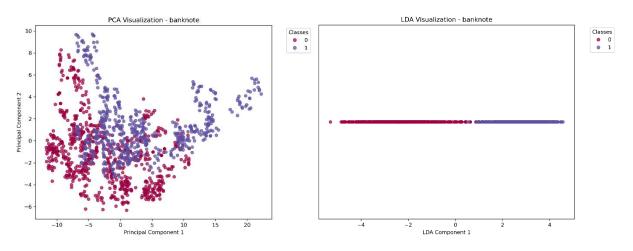
2. 更改初始化的 random seed

另一個可能就是運氣很好真的撞到了(不過考慮到驗證的時候也是以 5-Fold Cross-Validation 進行,其實不太可能)

因此我有嘗試更改種子為:random_state=133,結果仍舊完全一樣



3. 資料可視化

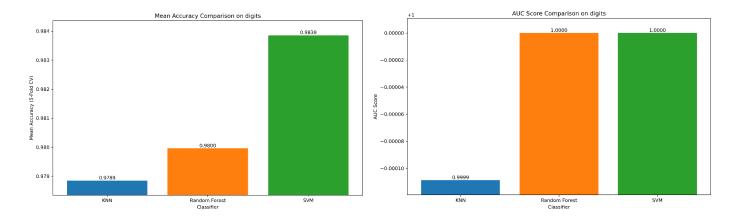


此處分別為資料集進行了 PCA 以及 LDA 的資料可視化。從 LDA 可以清晰地看出,紅色與藍色幾乎完全分開、中間重疊極少(幾乎沒有交錯區域)。也就是說,在這條線上模型可以找到一個分界點,使得兩類的機率分佈幾乎不重疊

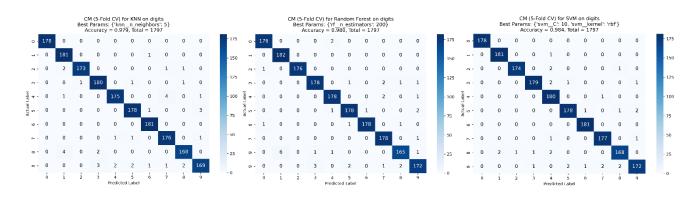
這證明了 Banknote 是一個幾乎**完美線性可分**的資料集,對於 **SVM 這種**學習一個穩定的「超平面」或「平滑邊界」的分類器而言,很容易就能找到能幾乎將資料集完美分割的邊界個人認為,這是 SVM 在此資料集上能多次達到 accuracy=1 的原因

3.3 Digits 數據集 (多類別分類)

在手寫數字辨識這個多類別任務中, SVM 再次取得了最高的平均準確率和 AUC 分數



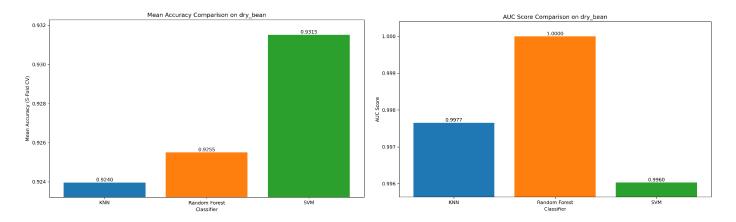
以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



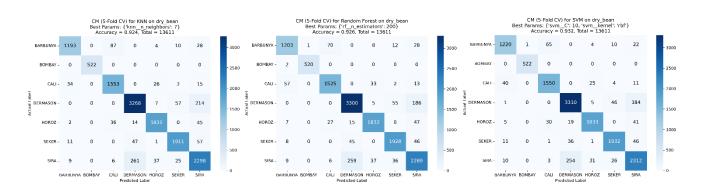
分析:所有三個分類器都表現出了強大的多類別分類能力,準確率均超過 97%。SVM 透過其核函數技巧,在處理 64 維像素特徵時展現了其優越性。值得注意的是,200 棵樹的 Random Forest 表現也極具競爭力,顯示了集成方法的效率

3.4 Dry Bean 數據集 (多類別分類)

所有模型的性能都非常接近, SVM 最終以微弱的優勢在 ACC 指標上勝出



以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



分析:

在這個樣本量大、類別多的複雜問題上,模型之間的差距被縮小。SVM (C=10, kernel='rbf') 表現最好,說明一個經過良好調整的非線性 SVM 在處理複雜、高維且有大量數據的問題時是強大的工具。所有模型的 Accuracy 分數均在 0.92-0.94 之間,表明它們在所有 7 個類別上都有相當均衡的表現

另外,值得關注的是,這三種分類器的原理並不相同,但它們在這份資料集上的**混淆矩陣分佈 卻非常相似**

在混淆矩陣裡,可以看到幾個固定的混淆現象:

• DERMASON \leftrightarrow SIRA

這兩種豆的物理形狀特徵最接近,模型常混淆,不管是距離(KNN)、樹分裂(RF)或超平面(SVM),都難以區分

• BARBUNYA ↔ CALI:

也是形狀或顏色類似的類別,屬於次要混淆對

• BOMBAY:

幾乎完美分類,表示這個類別的特徵分佈非常獨立、清晰

再考慮到此資料集的特徵多為形狀、大小、顏色、紋理等連續值特徵,加上部分類別之間(例如 DERMASON vs SIRA)本身在物理外觀上就有部分重疊,可以推論不論使用哪種模型,只要它能捕捉到主要特徵結構,分類邊界可能就會很接近

因此模型雖然不同,但它們學到的決策邊界其實都在相同的資料分佈結構上,錯誤樣本也會重疊

4. 綜合結論

經過搭建並執行了完整的分類器比較流程。所有實驗的詳細數值結果總結如下:

dataset	classifier	best_params	mean_accuracy	mean_precision	mean_recall	mean_f1_score	auc
breast_cancer	KNN	{'knnn_neighbors': 3}	0.9665890389691041	0.9703585040690303	0.9590428228284436	0.9636588598824034	0.998520162782094
breast_cancer	Random Forest	{'rfn_estimators': 100}	0.9560937742586555	0.9557435041160833	0.9526707402034947	0.9528924697936147	1.0
breast_cancer	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9789163173420278	0.9799307432106413	0.9754488819220232	0.9772669033859678	0.9999735743353946
banknote	KNN	{'knnn_neighbors': 3}	0.9985401459854014	0.9983739837398374	0.9986842105263157	0.998523607462787	1.0
banknote	Random Forest	{'rfn_estimators': 50}	0.9941632382216323	0.993840347916362	0.9944175872822525	0.9940963445153678	1.0
banknote	SVM	{'svmC': 1, 'svmkernel': 'rbf'}	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
digits	KNN	{'knnn_neighbors': 5}	0.9788502011761064	0.9794170504000224	0.9788219648219648	0.9787964332704355	0.9998912440201753
digits	Random Forest	{'rfn_estimators': 200}	0.979962859795729	0.9806820738182968	0.9798818734701088	0.9799519376359956	1.0
digits	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9838594862271742	0.9842239109963569	0.983882882882883	0.983836601552334	1.0
dry_bean	KNN	{'knnn_neighbors': 7}	0.923959154917036	0.9382790896970314	0.9344295812705029	0.9361396611031605	0.9976572093025303
dry_bean	Random Forest	{'rfn_estimators': 200}	0.9255020570679516	0.9379431626428717	0.9345859964132149	0.9361462875861128	1.0
dry_bean	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9315265530006316	0.9439156881279256	0.9411645795147809	0.942449483893051	0.9960355447330907

總體觀察:

• **SVM 是其中表現最好的分類器**:在所有四個任務中,經過超參數優化的 **SVM** 均取得了最佳 或並列最佳的性能

這證明了它作為一個強大且靈活的 baseline model 的價值

• 沒有萬能模型:

雖然 SVM 表現最好,但其他模型在特定場景下也極具競爭力例如,KNN 在簡單問題上高效且準確;Random Forest 則提供了無需過多調參就能獲得的穩

定、良好性能

• 超參數優化的重要性:

這裡可能看不太出來,不過再我使用不同的種子碼(42、133)時,會出現能夠達到最佳表現 的的超參數組合出現變化的情況。這凸顯了超參數搜索對於發揮模型全部潛力的關鍵作用

附錄

程式碼架構

- main.py: 主執行腳本,負責協調整個實驗流程,包括數據加載、模型訓練、超參數搜索和評估。
- utils.py: 工具模組,提供加載所有數據集的統一接口。
- visualize.py: 負責資料集的資料分佈視覺化(PCA、LDA)。
- classifiers.py: 分類器模組,封裝了所有分類器,並內建了數據標準化 Pipeline。
- evaluation.py: 評估模組,提供繪製混淆矩陣、ROC 曲線和性能比較長條圖的功能。
- requirements.txt: 專案的 Python 依賴包列表。
- data/: 存放本地數據集的資料夾。
- plots/: 存放所有生成圖表的資料夾。
- Readme.md: 本說明檔案,記錄專案細節與成果。

環境建立與如何運行

1. **安裝依賴:** 本專案的所有 Python 依賴都記錄在 requirements.txt 中。請運行以下指令進行安裝

pip install -r requirements.txt

2. 準備數據

- o Breast Cancer Wisconsin 數據集會自動從網路下載
- o Banknote Authentication 需手動下載 (放在 data 資料夾): UCI 連結
- 。 Digits Dataset 數據集會自動從網路下載
- o Dry Bean Dataset 需手動下載 (放在 data 資料夾): UCI 連結
- 3. **執行實驗:** 所有實驗流程都已整合到 main.py 中。直接運行此腳本即可: python main.py

腳本會自動執行所有數據集的超參數搜索、模型評估、生成所有圖表至 plots/ 資料夾、匯出 results_summary.csv。

Main

```
import numpy as np
import pandas as pd
import warnings
import os
from utils import load_dataset
from classifiers import BaseClassifierWrapper, KNeighborsClassifierWrapper,
RandomForestClassifierWrapper, SupportVectorMachineWrapper
from evaluation import plot_confusion_matrix, plot_roc_curves, plot_metric_comparison
from sklearn.model selection import GridSearchCV, StratifiedKFold, cross val predict
from sklearn.metrics import accuracy score, roc auc score, confusion matrix
from visualize import visualize pca, visualize Ida
warnings.filterwarnings("ignore", category=UserWarning)
def main():
    """主函式:使用 5-Fold Cross Validation 執行所有數據集的模型搜尋與評估"""
    os.makedirs('plots', exist ok=True)
    dataset_names = ['breast_cancer', 'banknote', 'digits', 'dry_bean']
    final results = []
    for dataset_name in dataset_names:
        print(f'' \setminus n\{'='*50\}'')
        print(f"處理數據集: {dataset_name}")
```

```
print(f"{'='*50}")
#=== 載入資料 ====
X, y = load_dataset(dataset_name)
visualize pca(X, y, dataset name)
visualize lda(X, y, dataset name)
if X is None:
    continue
is binary = len(np.unique(y)) == 2
#=== 參數設定 ====
param grids = {
    "KNN": {'knn n neighbors': [3, 5, 7]},
    "Random Forest": {'rf n estimators': [50, 100, 200]},
    "SVM": {'svm_C': [0.1, 1, 10], 'svm_kernel': ['linear', 'rbf']}
}
classifiers = {
    "KNN": KNeighborsClassifierWrapper(),
    "Random Forest": RandomForestClassifierWrapper(random state=42),
    "SVM": SupportVectorMachineWrapper(random state=42)
}
roc results for dataset = []
metrics_for_dataset = {'Accuracy': {}, 'AUC': {}}
```

```
# === Cross-validation 分割設定 ===
cv = StratifiedKFold(n_splits=5, shuffle=True, random_state=42)
for name, clf_wrapper in classifiers.items():
    print(f"\n--- 為 {name} 執行 5-Fold Cross Validation on {dataset_name} ---")
    scoring = {
         'accuracy': 'accuracy',
         'precision': 'precision_macro',
         'recall': 'recall_macro',
         'fl score': 'fl macro'
    }
    # GridSearchCV for parameter tuning
    grid search = GridSearchCV(
         clf wrapper.model,
         param grids[name],
         cv=cv,
         scoring=scoring,
         refit='accuracy',
         n jobs=-1
    )
    grid_search.fit(X, y)
    best_model = grid_search.best_estimator_
    print(f"找到的最佳參數: {grid search.best params }")
    # Cross-validation 預測 (用於 Confusion Matrix & ROC)
```

```
y_proba, _ = BaseClassifierWrapper._get_scores(best_model, X)
             # === 平均 CV 結果 ===
             mean accuracy = grid search.cv results ['mean test accuracy'][grid search.best index ]
             mean precision = grid search.cv results ['mean test precision'][grid search.best index ]
             mean recall = grid search.cv results ['mean test recall'][grid search.best index ]
             mean f1 = grid search.cv results ['mean test f1 score'][grid search.best index ]
             auc score = None
             if y proba is not None:
                  if is binary:
                      auc score = roc auc score(y, y proba[:, 1])
                      roc results for dataset.append((y, y proba[:, 1], name))
                  else:
                      auc score = roc auc score(y, y proba, multi class='ovr', average='macro')
             print(f'平均 CV 準確率: {mean accuracy:.4f}, 精確率: {mean precision:.4f}, 召回率:
{mean recall:.4f}, F1: {mean f1:.4f}")
             if auc score is not None:
                  print(f"整體資料 AUC: {auc score:.4f}")
             final results.append({
                  'dataset': dataset name, 'classifier': name,
                  'best params': str(grid search.best params),
                  'mean accuracy': mean accuracy,
                  'mean precision': mean precision,
```

y pred = cross val predict(best model, X, y, cv=cv)

```
'mean fl score': mean fl,
                 'auc': auc score
             })
             metrics for dataset['Accuracy'][name] = mean accuracy
             if auc score is not None:
                 metrics for dataset['AUC'][name] = auc score
             #=== 繪製混淆矩陣 ===
             cm = confusion matrix(y, y pred)
             cm title = f'CM (5-Fold CV) for {name} on {dataset name}\nBest Params:
{grid search.best params }'
             cm save path = fplots/CM {name} {dataset name}.png'
             plot confusion matrix(y, y pred, title=cm title, save path=cm save path)
        # === 繪製 ROC 與比較圖 ===
        if is binary:
             plot roc curves(roc results for dataset, title=fROC Curves on {dataset name} Dataset (5-
Fold CV)',
                               save path=f'plots/ROC {dataset name}.png')
        plot metric comparison(metrics for dataset['Accuracy'], metric name='Mean Accuracy (5-Fold
CV)',
                                   title=f'Mean Accuracy Comparison on {dataset name}',
save path=f'plots/ACC BAR {dataset name}.png')
        if metrics for dataset['AUC']:
             plot metric comparison(metrics for dataset['AUC'], metric name='AUC Score',
```

'mean recall': mean recall,

```
save_path=f'plots/AUC_BAR_{dataset_name}.png')
```

```
# === 匯出結果 ===

print(f"\n\n{'='*50}")

print("所有實驗已完成 - 匯出結果摘要")

print(f"{'='*50}")

results_df = pd.DataFrame(final_results)

results_df.to_csv('results_summary.csv', index=False)

print("結果摘要已儲存至 results_summary.csv")

if __name__ == "__main__":

main()
```

classifiers

from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
from sklearn.svm import SVC
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from sklearn.pipeline import Pipeline

class BaseClassifierWrapper:

"""提供一個通用的方法來獲取模型的預測分數"""

@staticmethod

```
def get scores(model, X):
        """優先嘗試 decision function,其次是 predict proba (回傳每個類別的機率)。"""
        # 先嘗試取得原生的分數,若不行再嘗試獲取每個類別的機率
        decision values = None
        proba values = None
        if hasattr(model, 'decision function'):
            try:
                 decision values = model.decision function(X)
            except Exception:
                 pass # 忽略錯誤
        if hasattr(model, 'predict proba'):
            try:
                 proba values = model.predict proba(X)
            except Exception:
                 pass # 忽略錯誤
        return proba values, decision values
class KNeighborsClassifierWrapper(BaseClassifierWrapper):
   """KNN 分類器的封裝。"""
   def __init__(self, n_neighbors=5):
        self.model = Pipeline([
            ('scaler', StandardScaler()),
            ('knn', KNeighborsClassifier(n_neighbors=n_neighbors))
        ])
   def train(self, X train, y train):
        self.model.fit(X train, y train)
```

```
def test(self, X test):
        y pred = self.model.predict(X test)
        proba, dec = self. get scores(self.model, X test)
        return y pred, proba, dec
class RandomForestClassifierWrapper(BaseClassifierWrapper):
    """Random Forest 分類器的封裝。"""
    def init (self, n estimators=100, random state=42):
        self.model = Pipeline([
             ('scaler', StandardScaler()),
             ('rf', RandomForestClassifier(n_estimators=n_estimators, random_state=random_state))
        ])
    def train(self, X train, y train):
        self.model.fit(X train, y train)
    def test(self, X test):
        y_pred = self.model.predict(X_test)
        proba, dec = self. get scores(self.model, X test)
        return y_pred, proba, dec
class SupportVectorMachineWrapper(BaseClassifierWrapper):
    """SVM 分類器的封裝。"""
    def init (self, C=1.0, kernel='rbf', probability=True, random state=42):
        # 註:probability=True 讓 SVC 能夠使用 predict proba,但會增加訓練時間。
        self.model = Pipeline([
             ('scaler', StandardScaler()),
```

```
('svm', SVC(C=C, kernel=kernel, probability=probability, random state=random state))
        ])
    def train(self, X train, y train):
        self.model.fit(X_train, y_train)
   def test(self, X test):
        y pred = self.model.predict(X test)
        proba, dec = self. get scores(self.model, X test)
        return y_pred, proba, dec
utils
import os
import pandas as pd
from sklearn.datasets import load breast cancer, load digits
def load dataset(name: str):
    ,,,,,,
   根據名稱載入指定的數據集,採用本地優先策略。
    Args:
        name (str): 數據集名稱。可選值:
                         'breast cancer', 'digits', 'banknote', 'dry bean'
    Returns:
        tuple: (X, y) or (None, None) if loading fails.
                X: 特徵數據 (np.ndarray)
```

```
y: 標籤 (np.ndarray)
    ,,,,,
   if name == 'breast cancer':
        data = load_breast_cancer()
        return data.data, data.target
    elif name == 'digits':
        data = load digits()
        return data.data, data.target
    elif name == 'banknote':
        local_path = 'data/data_banknote_authentication.txt'
        if os.path.exists(local path):
             print(f"從本地路徑加載 '{name}' 數據集: {local_path}")
             df = pd.read csv(local path, header=None)
        else:
             url = 'https://archive.ics.uci.edu/ml/machine-learning-
databases/00267/data_banknote_authentication.txt'
             print(f'本地檔案未找到,嘗試從網路後備連結加載: {url}")
             try:
                 df = pd.read csv(url, header=None)
             except Exception as e:
                 print(f"無法從網路讀取 banknote 數據,請手動下載至 '{local path}'。錯誤: {e}")
                 return None, None
        X = df.iloc[:, :-1].values
        y = df.iloc[:, -1].values
        return X, y
```

```
elif name == 'dry bean':
       # 根據建議,我們預期用戶已將解壓縮後的檔案放在 data/DryBeanDataset/ 目錄下
       local_path = 'data/DryBeanDataset/Dry_Bean_Dataset.xlsx'
       if not os.path.exists(local path):
           print(f"錯誤: 找不到 '{local_path}'。")
           print("請確認您已手動從 Kaggle 下載數據集,並將其解壓縮後的 .xlsx 檔案放置在正
確的路徑中。")
           return None, None
       print(f"從本地路徑加載 '{name}' 數據集: {local_path}")
       df = pd.read excel(local path)
       X = df.iloc[:, :-1].values
       y = df.iloc[:, -1].values
       return X, y
   else:
       raise ValueError(f'未知的數據集名稱: {name}。請從 'breast_cancer', 'digits', 'banknote',
'dry_bean' 中選擇。")
evaluation
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
import numpy as np
import os
from sklearn.metrics import confusion matrix, roc curve, auc
```

```
def plot confusion matrix(y true, y pred, title: str, save path: str):
   計算並繪製混淆矩陣,並將其儲存為圖片檔案。
   支援任意類別數量與格式(含字串標籤)。
   os.makedirs(os.path.dirname(save path), exist ok=True)
   labels = np.unique(np.concatenate((y_true, y_pred)))
   cm = confusion_matrix(y_true, y_pred, labels=labels)
   fig, ax = plt.subplots(figsize=(8, 6))
   sns.heatmap(cm, cmap="Blues", cbar=True, ax=ax,
                 xticklabels=labels, yticklabels=labels)
   # === 手動標註每格 ===
   for i in range(cm.shape[0]):
        for j in range(cm.shape[1]):
             value = cm[i, j]
             color = "white" if value > cm.max() / 2 else "black"
             ax.text(j + 0.5, i + 0.5, f''{value:d}'',
                      ha="center", va="center", color=color, fontsize=12)
   # === 額外資訊 ===
   acc = np.trace(cm) / np.sum(cm)
   total = np.sum(cm)
```

```
ax.set_ylabel("Actual Label")
    ax.set xlabel("Predicted Label")
    plt.tight_layout()
    plt.savefig(save_path, dpi=300, bbox_inches="tight")
    plt.close()
   print(f"混淆矩陣已儲存至: {save_path}")
  ROC 曲線繪圖
def plot_roc_curves(results, title: str, save_path: str):
    ** ** **
    在同一張圖上繪製多個分類器的 ROC 曲線,並儲存為檔案。
   results 格式為 [(y_true, y_score, name), ...]
    os.makedirs(os.path.dirname(save_path), exist_ok=True)
    plt.figure(figsize=(10, 8))
    for y_true, y_scores, name in results:
        fpr, tpr, _ = roc_curve(y_true, y_scores)
        roc_auc = auc(fpr, tpr)
        plt.plot(fpr, tpr, lw=2, label=f'{name} (AUC = {roc_auc:.4f})')
    plt.plot([0, 1], [0, 1], color='gray', lw=1.5, linestyle='--')
    plt.xlim([0.0, 1.0])
```

 $ax.set_title(f"\{title\}\nAccuracy = \{acc:.3f\}, Total = \{total\}")$

```
plt.ylim([0.0, 1.05])
    plt.xlabel('False Positive Rate')
    plt.ylabel('True Positive Rate')
    plt.title(title)
    plt.legend(loc="lower right", fontsize=10)
    plt.tight layout()
    plt.savefig(save path, dpi=300, bbox inches="tight")
    plt.close()
    print(f' ROC 曲線圖已儲存至: {save_path}")
  單一指標比較長條圖
def plot metric comparison(results, metric name: str, title: str, save path: str):
    ,,,,,
    繪製不同分類器在同一指標下的比較圖。
    results = {'SVM': 0.98, 'KNN': 0.95, ...}
    ** ** **
    os.makedirs(os.path.dirname(save_path), exist_ok=True)
    names = list(results.keys())
    scores = list(results.values())
    plt.figure(figsize=(10, 6))
    bars = plt.bar(names, scores, color=['#1f77b4', '#ff7f0e', '#2ca02c'])
    plt.xlabel('Classifier')
```

```
plt.ylabel(metric name)
    plt.title(title)
   # 動態調整 Y 軸範圍
    min score, max score = min(scores), max(scores)
   if min score == max score:
        plt.ylim([min score * 0.95 - 0.05, max score * 1.05 + 0.05])
    else:
        plt.ylim([min score - (max score - min score) * 0.1,
                    max score + (max score - min score) * 0.1])
    for bar in bars:
        yval = bar.get height()
        plt.text(bar.get x() + bar.get width() / 2.0, yval, f'(yval:.4f)',
                   ha='center', va='bottom', fontsize=10)
   plt.tight layout()
    plt.savefig(save path, dpi=300, bbox inches="tight")
    plt.close()
    print(f" {metric_name} 比較圖已儲存至: {save_path}")
   Cross-Validation 穩定性圖(新功能)
def plot cv stability bar(results dict, metric name: str, title: str, save path: str):
    ** ** **
    繪製不同分類器的 Cross-Validation 平均分數 ± 標準差。
```

```
results_dict = {
     'SVM': (mean, std),
     'KNN': (mean, std),
}
os.makedirs(os.path.dirname(save_path), exist_ok=True)
names = list(results_dict.keys())
means = [v[0]] for v in results_dict.values()]
stds = [v[1] \text{ for } v \text{ in results } dict.values()]
plt.figure(figsize=(10, 6))
bars = plt.bar(names, means, yerr=stds, capsize=6,
                   color=['#1f77b4', '#ff7f0e', '#2ca02c'], alpha=0.85)
plt.xlabel("Classifier")
plt.ylabel(metric name)
plt.title(title)
for i, bar in enumerate(bars):
     plt.text(bar.get x() + bar.get width()/2, bar.get height() + stds[i],
                 f''\{means[i]:.4f\}\pm\{stds[i]:.4f\}'', ha="center", va="bottom", fontsize=9\}
plt.tight_layout()
plt.savefig(save path, dpi=300, bbox inches="tight")
plt.close()
print(f" {metric name} 穩定性比較圖已儲存至: {save path}")
```

visualize

```
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
from sklearn.decomposition import PCA
import matplotlib.pyplot as plt
import os
import numpy as np
from sklearn.discriminant analysis import LinearDiscriminantAnalysis as LDA
BASE_DIR = os.path.dirname(os.path.abspath(__file__))
PLOTS DIR = os.path.join(BASE DIR, 'plots')
os.makedirs(PLOTS_DIR, exist_ok=True)
def visualize pca(X, y, dataset name):
   """將資料降維至 2D 並以 PCA 可視化,圖片儲存在 plots 資料夾中"""
   pca = PCA(n components=2)
   X pca = pca.fit transform(X)
   #=== 新增:將字串標籤轉成整數 ===
   if y.dtype == object or isinstance(y[0], str):
        le = LabelEncoder()
        y encoded = le.fit transform(y)
        class_names = le.classes_
   else:
        y_{encoded} = y
        class names = np.unique(y)
```

```
plt.figure(figsize=(8, 6))
    scatter = plt.scatter(
        X_pca[:, 0], X_pca[:, 1],
        c=y encoded, cmap='Spectral', alpha=0.7, s=30
   )
   plt.title(f"PCA Visualization - {dataset name}")
    plt.xlabel("Principal Component 1")
    plt.ylabel("Principal Component 2")
   #新增:顯示圖例(每個顏色對應的類別)
   handles, _ = scatter.legend_elements()
    plt.legend(handles, class names, title="Classes", bbox to anchor=(1.05, 1), loc='upper left')
   #儲存圖
   BASE DIR = os.path.dirname(os.path.abspath( file ))
    save dir = os.path.join(BASE DIR, 'plots')
    os.makedirs(save_dir, exist_ok=True)
    save path = os.path.join(save dir, f"PCA {dataset name}.png")
    plt.tight_layout()
    plt.savefig(save path, dpi=300, bbox inches='tight')
   plt.close()
    print(f"PCA 圖已儲存至: {save path}")
def visualize lda(X, y, dataset name: str):
    ** ** **
    使用 LDA (Linear Discriminant Analysis) 進行有監督降維,
```

```
Parameters
X : np.ndarray
    特徵矩陣
y: np.ndarray
    標籤向量(可為數字或字串)
dataset_name : str
    資料集名稱 (將用於檔名與標題)
******
#=== 確保標籤是數字 ===
if y.dtype == object or isinstance(y[0], str):
    le = LabelEncoder()
    y_encoded = le.fit_transform(y)
    class_names = le.classes_
else:
    y_{encoded} = y
    class names = np.unique(y)
n_classes = len(np.unique(y_encoded))
#=== LDA 降維 ===
n_{components} = 2 \text{ if } n_{classes} > 2 \text{ else } 1
lda = LDA(n components=n components)
X_lda = lda.fit_transform(X, y_encoded)
```

```
#=== 畫圖 ===
plt.figure(figsize=(8, 6))
if n components == 2:
    scatter = plt.scatter(
         X \text{ lda}[:, 0], X \text{ lda}[:, 1],
         c=y_encoded, cmap="Spectral", alpha=0.7, s=30
    )
    plt.xlabel("LDA Component 1")
    plt.ylabel("LDA Component 2")
else:
    scatter = plt.scatter(
         X_{lda}[:, 0], np.zeros_like(X_{lda}),
         c=y_encoded, cmap="Spectral", alpha=0.7, s=30
    )
    plt.xlabel("LDA Component 1")
    plt.yticks([])
plt.title(f"LDA Visualization - {dataset_name}")
# 圖例
handles, _ = scatter.legend_elements()
plt.legend(handles, class names, title="Classes",
             bbox_to_anchor=(1.05, 1), loc='upper left')
# === 儲存圖像 ===
BASE_DIR = os.path.dirname(os.path.abspath(__file__))
save dir = os.path.join(BASE DIR, 'plots')
```

```
os.makedirs(save_dir, exist_ok=True)

save_path = os.path.join(save_dir, f"LDA_{dataset_name}.png")

plt.tight_layout()

plt.savefig(save_path, dpi=300, bbox_inches='tight')

plt.close()

print(f"LDA 圖已儲存至: {save_path}")
```

GitHub

GitHub: https://github.com/megrez33281/classifiers-experiment