1. 專案簡介

本研究旨在對三種基礎但具有代表性的機器學習分類器——K-近鄰演算法 (KNN)、隨機森林 (Random Forest) 和支持向量機 (SVM)——進行系統性的性能評估。為了全面地測試這些模型,選用了四個來自 UCI 機器學習庫和 Scikit-learn 的公開數據集,涵蓋了二元分類與多類別分類、不同樣本規模及特徵維度的場景

本報告將詳細闡述實驗的設計、流程、所採用的評估指標,並對實驗結果進行深入的分析與比較,以期得出各分類器在不同任務下的適用性與相對優劣

2. 實驗方法

2.1 數據集

選用了以下四個數據集進行實驗:

1. Breast Cancer Wisconsin (乳癌數據集):

。 類型:二元分類

。 任務:根據 30 個從乳房腫塊細針穿刺數位影像中計算出的特徵,判斷其為惡性或良性

。 **特性**:特徵維度較高,樣本數較少 (569 筆)

2. Banknote Authentication (钞票鑑定數據集):

。 類型:二元分類

○ 任務:根據從鈔票影像小波轉換中提取的4個特徵,判斷其為真鈔或偽鈔

。 特性:特徵維度低,分類邊界清晰

3. Digits Dataset (手寫數字數據集):

類型:多類別分類 (10 類)

○ **任務**:辨識 8x8 像素的手寫數字圖片(0-9)

。 **特性**:經典的多類別分類問題,特徵為 64 個像素值

4. Dry Bean Dataset (乾豆數據集):

類型:多類別分類(7類)

○ **任務**:根據 16 種外觀形態特徵,將乾豆分為 7 個不同的品種

。 特性: 樣本數最多 (約 13,611 筆),類別較多,是本次實驗中最具挑戰性的數據集

2.2 分類器

1. K-Nearest Neighbors (KNN):

一種基於實例的非參數演算法,一個樣本的類別由其最近的 K 個鄰居的類別投票決定

2. Random Forest (RF):

一種集成學習方法,構建多個決策樹並將它們的預測結果進行集成(投票或平均),以獲得更 準確、更穩定的預測,通常具有很好的抗過擬合能力

3. Support Vector Machine (SVM):

一種強大的監督學習模型,其目標是找到一個能將不同類別的數據點以最大間隔 (margin) 分開的超平面透過 kernel trick, SVM 也能高效地處理非線性問題

2.3 實驗流程

1. 數據預處理

在訓練每個模型前,對數據進行了**標準化(Standardization)** 處理,將所有特徵縮放到均值為0、標準差為 1

此步驟被封裝在 Scikit-learn 的 Pipeline 中,以確保標準化的參數僅從訓練集學習,避免數據 洩漏

2. 超參數優化

使用 GridSearchCV 搭配 **5-Fold Cross-Validation** 來為每個分類器在每個數據集上尋找最佳的超參數組合,搜索的參數網格如下:

- o **KNN**: n_neighbors: [3, 5, 7]
- o Random Forest: n_estimators: [50, 100, 200]
- o **SVM**: C: [0.1, 1, 10], kernel: ['linear', 'rbf']

3. 模型評估

。 主要指標

從 5-Fold Cross-Validation 中獲取每個最佳模型的平均準確率 (Accuracy)、平均精確率 (Precision-Macro)、平均召回率 (Recall-Macro) 和平均 F1-Score (Macro)

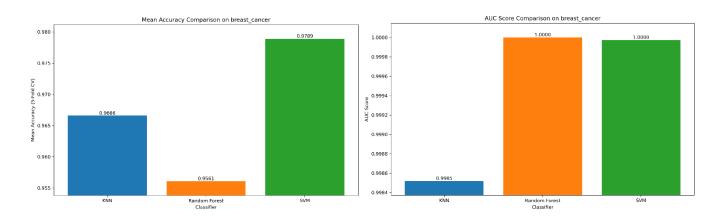
。 輔助指標

在保留測試集 (一開始分割出去的那部分完全沒有參與訓練的 data) 上計算 AUC (Area Under the ROC Curve) 分數,並生成**混淆矩陣 (Confusion Matrix)** 以進行更深入的錯誤分析

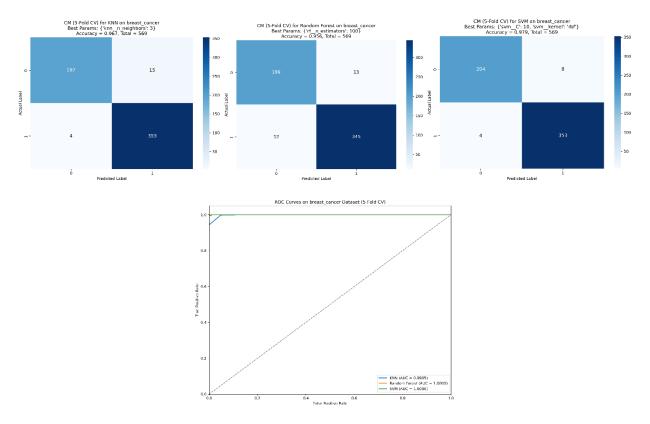
3. 實驗結果與分析

3.1 Breast Cancer 數據集 (二元分類)

在此數據集上, SVM 表現最為出色, 特別是其線性核心 (kernel='linear') 版本取得了最高的平均準確率和 AUC 分數



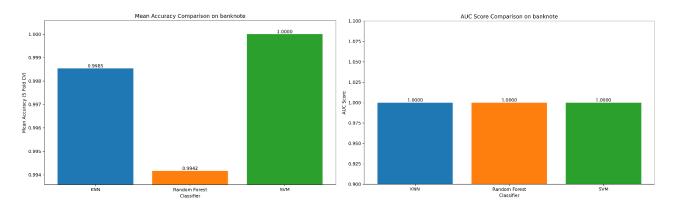
以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



分析:線性 SVM 的勝出強烈暗示此數據集的特徵在經過標準化後,具有高度的線性可分性。KNN和 Random Forest 也表現不俗,但 SVM 尋找最大間隔超平面的能力使其在此任務上略勝一籌

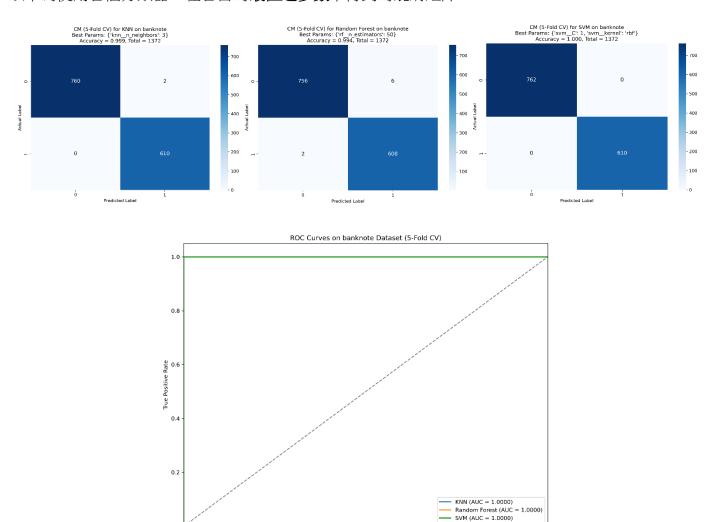
3.2 Banknote Authentication 數據集 (二元分類)

這是一個相對簡單的數據集,在 SVM 下曾在最佳超參數的配置下達到 100%的準確率



由於 AUC 本身評比的是**預測分數排序是否完美**,因此此處其他兩個分類器即使沒達到過 Accuracy=1,仍有 AUC=1 的分數

以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



分析:此數據集的清晰可分性使得所有模型都表現優異。KNN 在此類低維度、結構清晰的問題上非常高效。SVM 同樣找到了完美的分類邊界。

False Positive Rate

0.2

補充:不過考慮到出現 accuracy = 1 本身是一個不正常的跡象,因此此處我進行過一番檢查

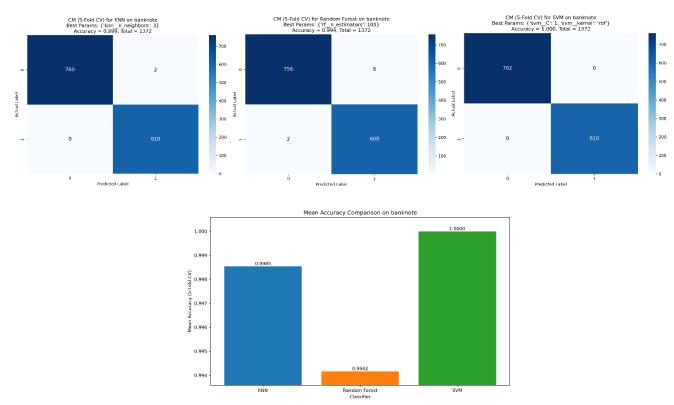
1. test data 混入 train data

這是我首先懷疑的,不過經過檢查 test data 並沒有混入 train data 在程式中我使用的 sklearn.model_selection 的 StratifiedKFold 進行資料分割,所有的 dataset 是用的都是同一套切割邏輯,但只有此數據集出現了 accuracy 為 1 的狀況

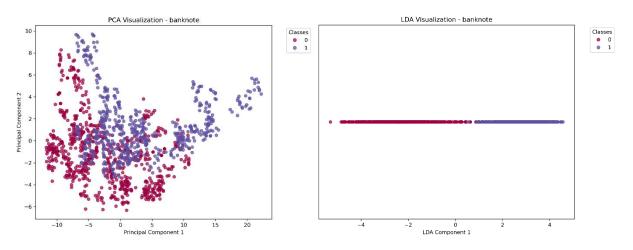
2. 更改初始化的 random seed

另一個可能就是運氣很好真的撞到了(不過考慮到驗證的時候也是以 5-Fold Cross-Validation 進行,其實不太可能)

因此我有嘗試更改種子為:random_state=133,結果仍舊完全一樣



3. 資料可視化

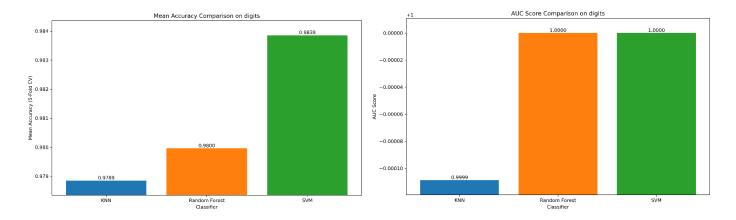


此處分別為資料集進行了 PCA 以及 LDA 的資料可視化。從 LDA 可以清晰地看出,紅色與藍色幾乎完全分開、中間重疊極少(幾乎沒有交錯區域)。也就是說,在這條線上模型可以找到一個分界點,使得兩類的機率分佈幾乎不重疊

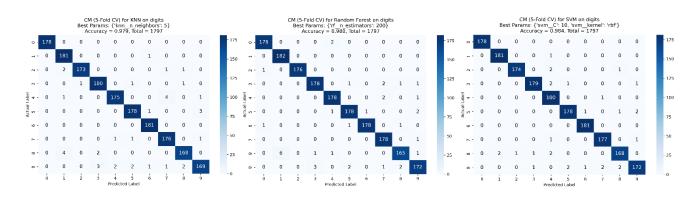
這證明了 Banknote 是一個幾乎**完美線性可分**的資料集,對於 **SVM 這種**學習一個穩定的「超平面」或「平滑邊界」的分類器而言,很容易就能找到能幾乎將資料集完美分割的邊界個人認為,這是 SVM 在此資料集上能多次達到 accuracy=1 的原因

3.3 Digits 數據集 (多類別分類)

在手寫數字辨識這個多類別任務中, SVM 再次取得了最高的平均準確率和 AUC 分數



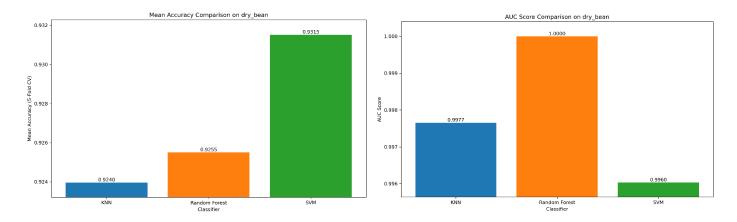
以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



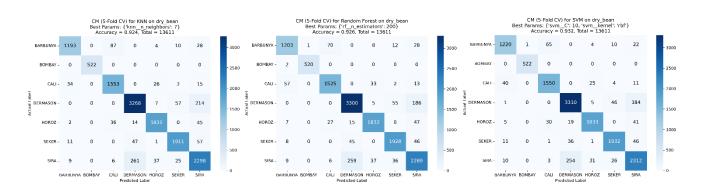
分析:所有三個分類器都表現出了強大的多類別分類能力,準確率均超過 97%。SVM 透過其核函數技巧,在處理 64 維像素特徵時展現了其優越性。值得注意的是,200 棵樹的 Random Forest 表現也極具競爭力,顯示了集成方法的效率

3.4 Dry Bean 數據集 (多類別分類)

所有模型的性能都非常接近,SVM 最終以微弱的優勢在所有指標上勝出



以下為使用各個分類器,在各自的最佳超參數下得到的混淆矩陣:



分析:

在這個樣本量大、類別多的複雜問題上,模型之間的差距被縮小。SVM (C=10, kernel='rbf') 表現最好,說明一個經過良好調整的非線性 SVM 在處理複雜、高維且有大量數據的問題時是強大的工具。所有模型的 Accuracy 分數均在 0.92-0.94 之間,表明它們在所有 7 個類別上都有相當均衡的表現

另外,值得關注的是,這三種分類器的原理並不相同,但它們在這份資料集上的**混淆矩陣分佈 卻非常相似**

在混淆矩陣裡,可以看到幾個固定的混淆現象:

• DERMASON \leftrightarrow SIRA

這兩種豆的物理形狀特徵最接近,模型常混淆,不管是距離(KNN)、樹分裂(RF)或超平面(SVM),都難以區分

• BARBUNYA ↔ CALI:

也是形狀或顏色類似的類別,屬於次要混淆對

• BOMBAY:

幾乎完美分類,表示這個類別的特徵分佈非常獨立、清晰

再考慮到此資料集的特徵多為形狀、大小、顏色、紋理等連續值特徵,加上部分類別之間(例如 DERMASON vs SIRA)本身在物理外觀上就有部分重疊,可以推論不論使用哪種模型,只要它能捕捉到主要特徵結構,分類邊界可能就會很接近

因此模型雖然不同,但它們學到的決策邊界其實都在相同的資料分佈結構上,錯誤樣本也會重疊

4. 綜合結論

經過搭建並執行了完整的分類器比較流程。所有實驗的詳細數值結果總結如下:

dataset	classifier	best_params	mean_accuracy	mean_precision	mean_recall	mean_f1_score	auc
breast_cancer	KNN	{'knnn_neighbors': 3}	0.9665890389691041	0.9703585040690303	0.9590428228284436	0.9636588598824034	0.998520162782094
breast_cancer	Random Forest	{'rfn_estimators': 100}	0.9560937742586555	0.9557435041160833	0.9526707402034947	0.9528924697936147	1.0
breast_cancer	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9789163173420278	0.9799307432106413	0.9754488819220232	0.9772669033859678	0.9999735743353946
banknote	KNN	{'knnn_neighbors': 3}	0.9985401459854014	0.9983739837398374	0.9986842105263157	0.998523607462787	1.0
banknote	Random Forest	{'rfn_estimators': 50}	0.9941632382216323	0.993840347916362	0.9944175872822525	0.9940963445153678	1.0
banknote	SVM	{'svmC': 1, 'svmkernel': 'rbf'}	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
digits	KNN	{'knnn_neighbors': 5}	0.9788502011761064	0.9794170504000224	0.9788219648219648	0.9787964332704355	0.9998912440201753
digits	Random Forest	{'rfn_estimators': 200}	0.979962859795729	0.9806820738182968	0.9798818734701088	0.9799519376359956	1.0
digits	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9838594862271742	0.9842239109963569	0.983882882882883	0.983836601552334	1.0
dry_bean	KNN	{'knnn_neighbors': 7}	0.923959154917036	0.9382790896970314	0.9344295812705029	0.9361396611031605	0.9976572093025303
dry_bean	Random Forest	{'rf_n_estimators': 200}	0.9255020570679516	0.9379431626428717	0.9345859964132149	0.9361462875861128	1.0
dry_bean	SVM	{'svmC': 10, 'svmkernel': 'rbf'}	0.9315265530006316	0.9439156881279256	0.9411645795147809	0.942449483893051	0.9960355447330907

總體觀察:

• **SVM 是其中表現最好的分類器**:在所有四個任務中,經過超參數優化的 **SVM** 均取得了最佳 或並列最佳的性能

這證明了它作為一個強大且靈活的 baseline model 的價值

• 沒有萬能模型:

雖然 SVM 表現最好,但其他模型在特定場景下也極具競爭力例如,KNN 在簡單問題上高效且準確;Random Forest 則提供了無需過多調參就能獲得的穩定、良好性能

• 超參數優化的重要性:

這裡可能看不太出來,不過再我使用不同的種子碼(42、133)時,會出現能夠達到最佳表現的的超參數組合出現變化的情況。這凸顯了超參數搜索對於發揮模型全部潛力的關鍵作用