

Mélina GALLOPIN
Laboratoire MAP5
Université Paris Descartes
45 rue des Saints Pères, 75006 Paris

Tel. : 06 51 06 62 88
melina.gallop@math.u-psud.fr
<http://www.math.u-psud.fr/~gallop>

Née le 14 novembre, 1987.
Nationalité : Française.
Langues : Anglais, Espagnol.

Situation actuelle

Septembre 2015 -	Attachée Temporaire d'Enseignement et de Recherche (ATER) IUT PARIS DESCARTES, Département STID UNIVERSITÉ PARIS DESCARTES, Laboratoire MAP5
------------------	---

Formation

Décembre 2015	Doctorat de l'Université Paris Saclay École Doctorale de Mathématiques Hadamard n° 574 Spécialité : Mathématiques aux interfaces UNIVERSITÉ PARIS-SUD, LABORATOIRE DE MATHÉMATIQUES D'ORSAY Directeur de thèse : Gilles Celeux, Inria-Saclay Co-directrice de thèse : Florence Jaffrézic, INRA, Jouy-en-Josas Titre : Classification et inférence de réseaux pour les données RNA-seq Soutenue le 9 décembre 2015
2010–2012	Master 2 Recherche, Mention Mathématiques et Applications Option Statistiques, mention très bien UNIVERSITÉ PIERRE ET MARIE CURIE, Paris
2010–2012	Diplôme de Statisticien de l'ISUP INSTITUT DE STATISTIQUE DE L'UNIVERSITÉ DE PARIS
2009–2010	Master 1 à l'étranger : The University of Texas at Austin, USA DÉPARTEMENT DE MATHÉMATIQUES, Austin TX
2006–2009	Licence de Mathématiques, mention bien UNIVERSITÉ PIERRE ET MARIE CURIE, Paris

Publications

-
- [1] Gallop M., Celeux G., Jaffrézic F., Rau A. (2015) A Model Selection Criterion For Model-based Clustering of Annotated Gene Expression Data. *Statistical Applications in Genetics and Molecular Biology*, **14**(5), 413–428.
 - [2] Gallop M., Rau A., Jaffrézic F. (2013) A Hierarchical Poisson Log-Normal Model for Network Inference from RNA Sequencing Data. *PLoS ONE*, **8**(10).
 - [3] Rau A., Gallop M., Celeux G., Jaffrézic F. (2013) Data-based Filtering For Replicated High-throughput Transcriptome Sequencing Experiments. *Bioinformatics*, **29**(17).

Pré-publications

-
- [1] Devijver E., Gallop M., (2015) Block-diagonal covariance selection for high-dimensional Gaussian graphical model. <http://arxiv.org/abs/1511.04033>, soumis.

Enseignements

Sept. 2015–Août 2016	Service d'enseignement d'ATER complet IUT DESCARTES, Département STID Première année, semestres 1 et 2 : <ul style="list-style-type: none">- TP de statistiques descriptives, 32h- TP d'ajustement linéaire et séries chronologiques, 54h Deuxième année, semestre 3 : <ul style="list-style-type: none">- TP de programmation statistique avec R, 48h- TP d'analyse des données, 45h
Octobre 2014–Sept. 2015	Mission doctorale d'enseignement (troisième année de thèse) IUT DE SCEAUX, Département GEA2 Première année, semestres 1 et 2 : <ul style="list-style-type: none">- Cours/TD intégré de statistiques, 32h- TD de probabilités, 32h

Autres missions doctorales et stage en entreprise

Octobre 2013–Sept. 2014	Mission doctorale de conseil (deuxième année de thèse) "INTRODUCTION À LA STATISTIQUE AVEC R", Bruno Falissard, Univ. PSud 11 <i>Gestion de projet, création et développement du cours sur la plateforme FUN</i> www.france-universite-numerique-mooc.fr
Octobre 2012–Sept. 2013	Mission doctorale de médiation scientifique (première année de thèse) EXPLORADÔME, Vitry-sur-Seine, www.exploradome.fr <i>Musée interactif des sciences, du multimédia et du développement durable</i>
Avril 2011–Déc. 2011	Stagiaire statisticienne / analyste de données FRANCE TÉLÉCOM, Issy-les-Moulineaux <i>Laboratoire de sociologie et d'économie des réseaux et services</i>
Juin 2010–Août 2010	Analyste de bases de données SPONTIS S.A., Fribourg, Suisse <i>Plateforme web de planification pour les réseaux énergétiques</i>

Présentations orales

- YSP4, 22 janvier 2016, INSTITUT HENRI POINCARÉ, PARIS.
- Séminaire « Statistics for Systems Biology » (SSB), 15 décembre 2015, INRA, JOUY-EN-JOSAS.
- Séminaire Statistique Mathématique et Applications, 30 août - 3 septembre 2015, FRÉJUS.
- 47ème Journées de Statistique, 1-5 juin 2015, LILLE.
- Séminaire des doctorants du LSTA, 8 avril 2015, UNIVERSITÉ PIERRE ET MARIE CURIE, PARIS, FRANCE.
- Journée NETBIO, Réseau méthodologique INRA MIA, 19 septembre 2014, AGROPARISTECH, PARIS, FRANCE.
- 27th International Biometric Conference, 6-11 juillet 2014, FLORENCE, ITALIE.
- 46ème Journées de Statistique, 2-6 juin 2014, RENNES, FRANCE.
- Journée RNA-seq "Statistics for Integrative Biology", 29 octobre 2013, AGROCAMPUS OUEST, RENNES.
- Deuxièmes rencontres R, 27-28 juin 2013, LYON, FRANCE.
- (poster) 5th STATSEQ workshop, 24-26 avril 2013, HELSINKI, FINLAND.
- MicroRNA Workshop, Projet européen EADGENE, 15 mai 2013, BELGIQUE, BRUXELLES.

Compétences informatiques

Programmation/logiciels	C, Fortran, Java, Python, R, SAS, SPSS
Packages R	shock (2015) <i>Slope Heuristic bLOCK-diagonal covariance selection.</i> https://github.com/Gallopin/shock https://cran.r-project.org/web/packages/shock/index.html ICAL (2014) <i>Integrated Completed Annotated Likelihood.</i> https://github.com/Gallopin/ICAL HTSFilter (2013) <i>Filter replicated high-throughput transcriptome sequencing data.</i> http://bioconductor.org/packages/release/bioc/html/HTSFilter.html