

A_coerulea_proteins_Aqcoe2G396000.1.p

G_max_proteins_GmISU01.18G000500.1.p

G_max_proteins_GmISU01.18G000500.4.p

G_max_proteins_GmISU01.18G000500.3.p

G_max_proteins_GmISU01.11G233800.1.p

G_max_proteins_GmISU01.11G233800.2.p

G_max_proteins_GmISU01.11G233800.3.p

V_vinifera_proteins_VIT_205s0029g00210.1

L_sativa_proteins_Lsat_1_v5_gn_6_60801.2

L_sativa_proteins_Lsat_1_v5_gn_6_60801.1

S_lycopersicum_proteins_Solyc05g053690.2.1

S_lycopersicum_proteins_Solyc09g091930.3.1

A_thaliana_proteins_AT2G32780.1

A_thaliana_proteins_AT1G04860.1

B_vulgaris_proteins_Bevul.2G148100.5.p

B_vulgaris_proteins_Bevul.2G148100.2.p

B_vulgaris_proteins_Bevul.2G148100.3.p

B_vulgaris_proteins_Bevul.2G148100.4.p

B_vulgaris_proteins_Bevul.2G148100.7.p

B_vulgaris_proteins_Bevul.2G148100.6.p

B_vulgaris_proteins_Bevul.2G148100.1.p

A_hypochondriacus_proteins_AH020597-RA

P_amilis_proteins_FUN_003462-T2

P_amilis_proteins_FUN_003462-T1

D_spatulata_proteins_Ds_00005703-RA

D_muscipula_proteins_Dm_00001552-RA

A_vesiculosa_proteins_Av_00000737-RA

0.2