

Laboratorio_Sem_3.R

iaguilar

2021-08-21

```
#Laboratorio semana 3
# Melvin Isac De La Rosa Estrada
# matrícula 1634380

# Importar datos a R -----

# parte 1: importar datos

#getwd()
#trees <- read.csv("Laboratorios/DBH_1.csv", header = TRUE)
#head(trees)

#dbh <- c(16.5, 25.3, 22.1, 17.2, 14.1, 8.1, 34.3, 5.4, 5.7, 11.2, 24.1, 14.5, 7.7,
#         15.6, 15.9, 10, 17.5, 20.5, 7.8, 27.3, 9.7, 6.5, 23.4, 8.2, 28.5, 10.4, 11.5,
#         14.3, 17.2, 16.8)

# Acceder datos de internet

#prof_url <- "http://www.profepa.gob.mx/innovaportal/file/7635/1/accionesInspeccionfoanp.csv."
#profepa <- read.csv(prof_url)

#prof_url2 <- paste0("http://www.profepa.gob.mx/innovaportal/", "file/7635/1/accionesInspeccionfoanp.csv"
#profepa2 <- read.csv(prof_url2)
#head(profepa2)

# datos de URL seguras

#library(repmis)
#conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")
#head(conjunto)

#library(readr)
#file <- paste0("https://raw.githubusercontent.com/mgtagle/", "202_Analisis_Estadistico_2020/master/cuad"
# hay un detalle con la paqueteria de readr, al parecer funciona diferente con esta versión de R
#inventario <- read_csv(file)

#head(inventario)

# Operaciones con la base de datos -----
```

```

#mean(trees$dbh)
#sd(trees$dbh)

# selección mediante restricciones

#sum(trees$dbh < 10)

#which(trees$dbh < 10)

#trees.13 <- trees[!(trees$parcela=="2"),]
#trees.13

#selección de submuestra

#trees.1 <- subset(trees, dbh <= 10)
#head(trees.1)

#mean(trees.1$dbh)


# Representación gráfica -----

#mamiferos <- read.csv("https://www.openintro.org/data/csv/mammals.csv")

#hist(mamiferos$total_sleep, xlim = c(0,20), ylim = c(0,14), main = "Total de horas sueño de las 39 esp
#      xlab = "Horas sueño", ylab = "Frecuencia", las = 1, col = "#99ff66")

# barplot

#data("chickwts")
#head(chickwts[c(1:2,42:43, 62:64),])

#feeds <- table(chickwts$feed)
#feeds

#barplot(feeds)

#para ordenar de forma decreciente

#barplot(feeds[order(feeds, decreasing = TRUE)], main = "Frecuencia por tipo de alimentación",
#      xlab = "Número de pollos", las = 1, col = "#99ff66")

```