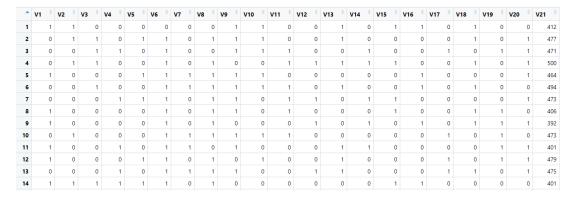
Proyecto Final

En la realización del proyecto se define el vector de los pesos que se tiene para enviar al avión en la cual se realiza una matriz con dichos valores que son las siguientes:

*	weight [‡]	pay [‡]
1	55	70
2	31	32
3	43	36
4	23	65
5	48	49
6	40	62
7	53	25
8	54	47
9	59	78
10	77	65
11	49	23
12	59	45
13	53	43
14	28	44
15	71	71
16	36	67
17	62	48
18	30	36
19	48	76
20	42	2

Para crear el algoritmo genético se utilizó códigos que se vio en clases y dado también por el ingeniero se realiza los cromosomas y la población de la siguiente forma:



Obviamente en este dato ya nos dan el fitness en la casilla 21 para que se pueda trabajar.

Por lo que se realiza el crossover que nos proporciona el ingeniero en conjunto se realiza la parte de la mutación pero tomando en cuenta para que pueda mutar debe de estar debajo de 0.01 y se realiza dicha mutación

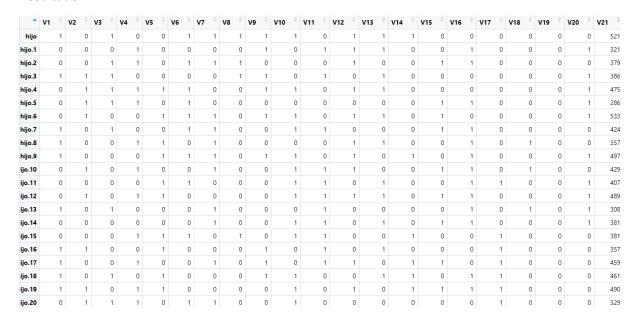
Como se muestra los siguientes códigos.

```
##### crossover half weight
crossover <- function(child){</pre>
  p1<- population[sample(1:500,1),-11]</pre>
  p2 <- population[sample(1:500,1),-11]</pre>
  (rcut <- which(cumsum(p1*weights_pay[,2])>max_weight/2)[1])
  if(!is.na(rcut)){
    (lcut <- rcut-1)
    proto_child <- c(p1[1:lcut],p2[rcut:20])</pre>
  } else {
    (rcut <- which(cumsum(p2*weights_pay[,2])>max_weight/2)[1])
    (lcut <- rcut-1)
    proto_child <- c(p2[1:lcut],p1[rcut:20])</pre>
  remove_weight <- which(cumsum(proto_child*weights_pay[,2])>500)
  proto_child[remove_weight] <- 0</pre>
  child <- proto_child
  return(child)
#Mutate
mutar <- function(child){</pre>
  child <- child[2:(length(child)-1)]</pre>
  index<-sample(1:length(child),2)</pre>
  i <- child[index[1]]</pre>
  child[index[1]] <- child[index[2]]</pre>
  child[index[2]] <- i</pre>
  child <- c(1, child, 1)
  return(child)
```

Ya realizado en esta parte se realiza el código principal para poder generar una nueva población y poder encontrar el fitness optimo del problema como se muestra a continuación:

```
N = 20
new\_pop <- matrix(rep(0,N=1),ncol = N+1)
for (i in 1:500)
  parents <- sample(1:nrow(population),size = 2)</pre>
  padres <- population[parents,1:(N+1)]
  hijo<-crossover(padres)
  if(runif(1)<0.01){
    hijo<-mutar(hijo)
  new_pop <- rbind(new_pop,hijo)</pre>
population \leftarrow new_pop[-1,-1]
population <- cbind(population,population %*% weights_pay[,1])</pre>
generate_cities <- function(cities =5){</pre>
  pos_y <- sample(weights_pay[,2], size = cities , replace=TRUE)</pre>
  out <- data.frame(city = 1:cities, pos_y )</pre>
  return(out)
}
```

Resultado



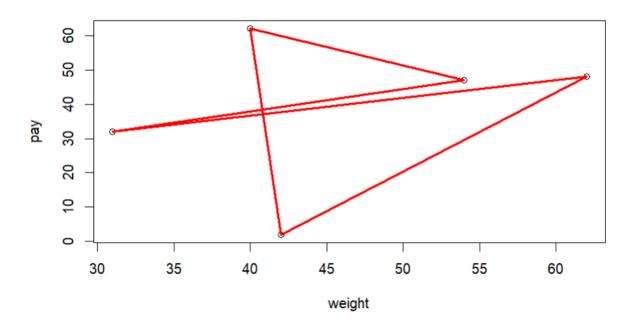
Eso es el resultado final del algoritmo genético, ahora con la realización del simulated annealing se realiza de la siguiente forma utilizando distancias, rutas, generación de ciudades y vecinos que son las siguientes:

```
generate_cities <- function(cities =5){</pre>
  pos_y <- sample(length(weights_pay[,2]), size = cities , replace=TRUE)</pre>
  weight <- c()
  pay<- c()
  for(i in 1:length(pos_y)){
    weight[i]<-weights_pay[pos_y[i],1]</pre>
    pay[i]<- weights_pay[pos_y[i],2]</pre>
  out <- data.frame(city = 1:cities,weight,pay)
  return(out)
}
distance_route <- function(route, distance){</pre>
  sum_distance<-0
  for(i in 1:length(route[-1])){
    out <- distance[ route[i], route[i+1] ]</pre>
    sum_distance <- sum_distance + out
  return(sum_distance)
}
sample_route <- function(initial_node = 1, nodes = 4){</pre>
  nodes <- 1:nodes
  sample_nodes <- nodes[-initial_node]</pre>
  attach_nodes <- sample(sample_nodes)</pre>
  out <- c(initial_node,attach_nodes,initial_node)</pre>
  return(out)
initial_route <- function(n=200,cities_dist){</pre>
  dist<-data.frame()</pre>
  cities <- nrow(cities_dist)</pre>
  for(i in 1:n){
    ruta <- sample_route(1,nrow(cities_dist))</pre>
    dist<-rbind( dist, c(ruta, distance_route(ruta,cities_dist) ) )</pre>
  names(dist)[ncol(dist)]<-"distance"
  x <- t(dist[dist$distance==min(dist$distance), ])[,1]</pre>
  x <- as.integer(x[1:(cities+1)])</pre>
  return(x)
rnd_neighbord <- function(vec){</pre>
  n <- length(vec)-1
  change <- sample(2:n, size = 2, replace = FALSE)
temp <- vec[change[1]]</pre>
  vec[change[1]] <- vec[change[2]]
vec[change[2]] <- temp</pre>
  return(vec)
}
```

En la cual cada uno de las funciones realiza la distancia y la ruta mas corta posible para realizar este metodo utilizando con el codigo principal:

```
anneal <- function(cities=5,N=300, temp=10, alpha = 0.9){
  repeat{
     temp_min = 0.001
     cities_space <- generate_cities(cities)</pre>
     cities_dist <- as.matrix(dist(cities_space[,2:3]))</pre>
     ruta <- initial_route(N,cities_dist)</pre>
    distancia <- distance_route(ruta,cities_dist)
while(temp > temp_min){
       i <- 1
       print(temp)
while(i <= 100){</pre>
          new_route <- rnd_neighbord(ruta)</pre>
         new_distancia <- distance_route(new_route,cities_dist)
acceptance_probability <- exp( (distancia-new_distancia)/temp)
if(acceptance_probability < runif(1,0,1) ){</pre>
            ruta <- new_route
            distancia <- new_distancia
          } else if(new_distancia>distancia) {
            distancia <- new_distancia
            ruta <- new_route
          i
            <- i+1
       temp <- temp*alpha
     if(sum(cities_space[,2])<=500){</pre>
       print(sum(cities_space[,3]))
       plot(cities_space[,2:3])
       x<- ruta
       polygon(cities_space[x,2:3],border="red",lwd=3)
       return(View(data.frame(c(ruta,distancia))))
       break
```

Dando como resultado lo siguiente:



Teniendo un costo de 191

[1] 191

Y teniendo la siguiente ruta con un peso de 193.05kg

^	c.rutadistancia.
1	1.0000
2	2.0000
3	5.0000
4	4.0000
5	3.0000
6	1.0000
7	193.0559