

Introducción al uso de OMOP en R

Agustina Giuliodori Picco agiuliodori@idiapjgol.org Marzo 2025

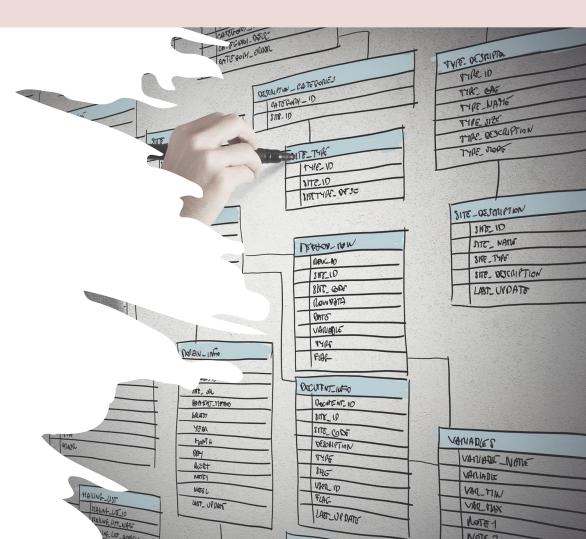
Real-World Epidemiology (RWEpi) Group

Introducción al uso de OMOP en R



Indice

- 1. Bases de datos, SQL y R
- 2. Bases de datos OMOP
- 3. Conexión a la base de datos con R
- 4. Manipulación de datos con R
- 5. Instanciar cohortes en OMOP CDM
- 6. Práctica: OMOP con R







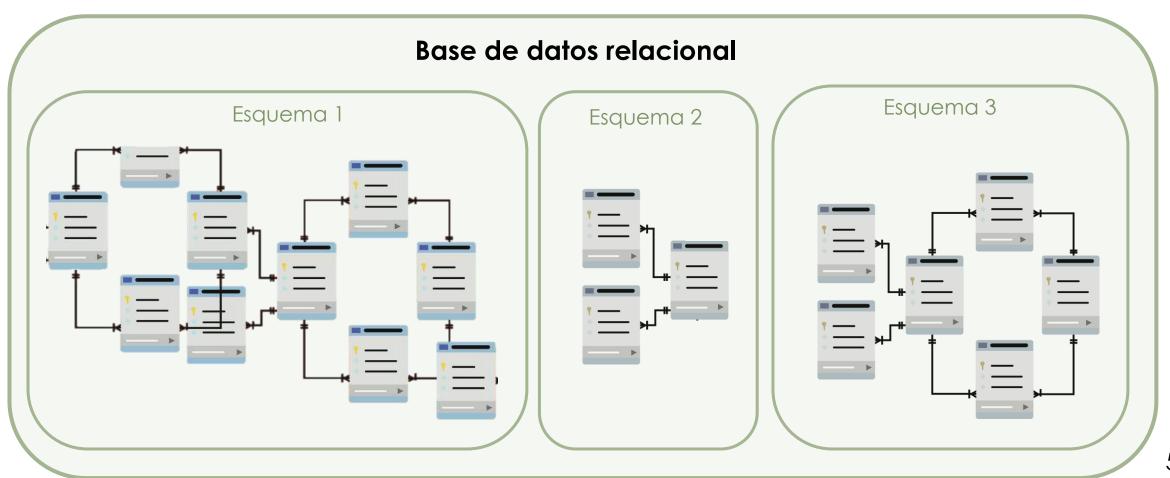


BBDD: Almacenar, gestionar y recuperar datos.

Definiciones básicas en una base de datos:

- 1. Modelo de datos: Cómo se estructura la información -> BBDD relacional
- 2. Sistema de gestión de bases de datos (dbms): Software para administrar los datos.
- 3. Definición de esquemas: Cómo se organiza la base de datos, definiendo tablas, relaciones y restricciones.









SQL: Lenguaje estándar para interactuar con la base de datos

<u>Tipos de comandos en SQL:</u>

- 1. DEFINICIÓN DE TABLAS (create, alter, drop tables)
- 2. MANIPULACIÓN DE DATOS (insert into, update, delete)
- 3. CONSULTA DE DATOS (select)
- 4. CONTROL DE DATOS



SQL



Lenguaje estándar por bases de datos.



SQL está optimizado para manejar y manipular grandes volúmenes de datos.



Problema: no tiene soporte para realizar operaciones estadísticas.

R



Lenguaje de programación ampliamente utilizado en estadística.

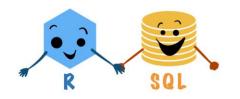


R es fuerte en la manipulación de datos, el análisis estadístico y la visualización.



Problema: podría no ser eficiente por grandes bases de datos.





Combinar SQL y R para aprovechar las ventajas de cada una de las herramientas.

• <u>SQL</u>: creación y gestión de la base de datos, guardada en el servidor

- 1. Connexión al servidor para acceder a la base de datos (BBDD).
- <u>R:</u>
- 2. Manipulación y análisis de los datos (que estan en el servidor).
- 3. Exportar del servidor a nuestro ordenador los resultados.



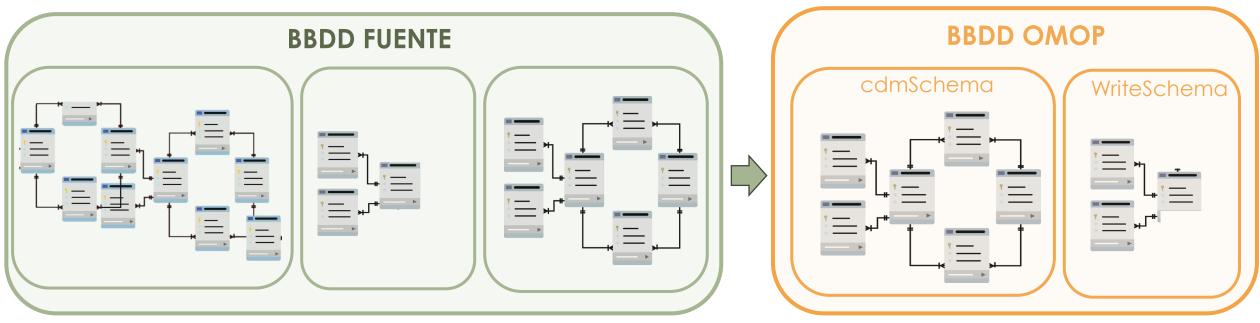




2. Bases de datos OMOP

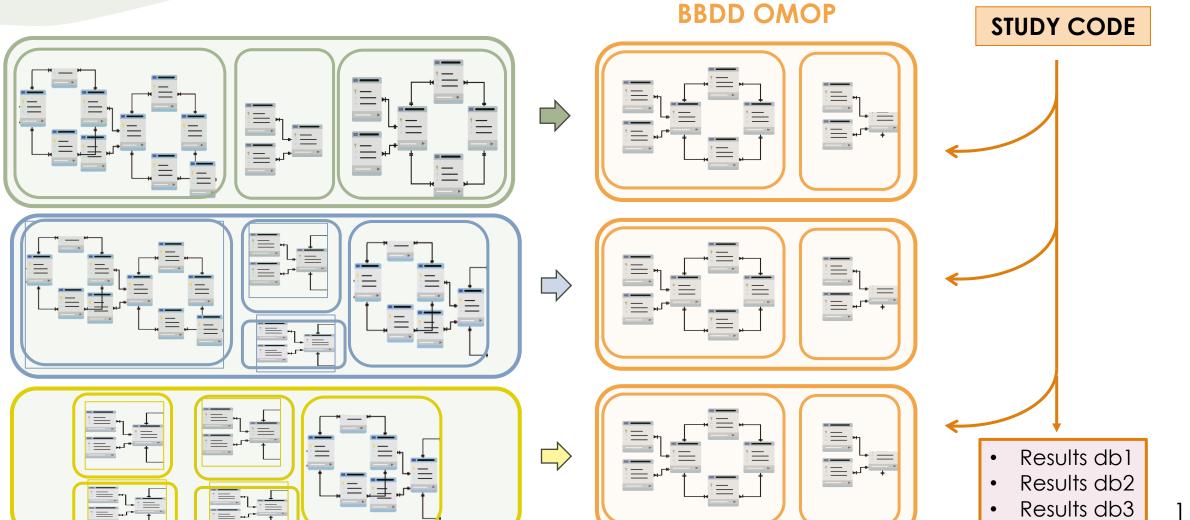
OMOP CDM: (Observational Medical Outcomes Partnership Common Data Model)

Modelo de datos común diseñado para **armonizar datos clínicos y administrativos** de diferentes fuentes de salud, permitiendo su análisis de manera estandarizada y reproducible.



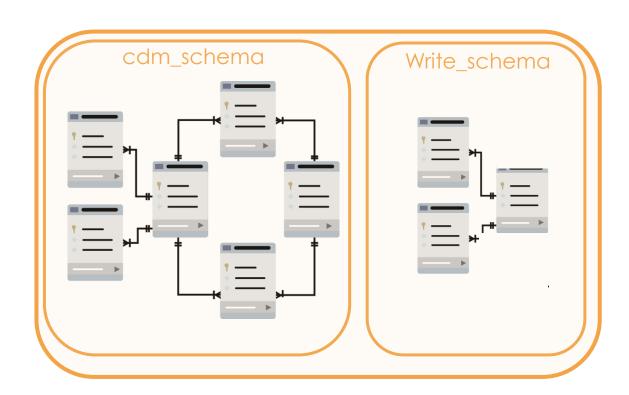
omop curso

2. Bases de datos OMOP



omop OMOP

2. Bases de datos OMOP



En **OMOP CDM** diferenciamos dos schemas:

- <u>cdm schema</u>: Sólo lectura. Contiene todas las tablas con datos clínicos, administrativos, vocabularios, etc.
- write schema: Lectura/escritura. Podemos guardar tablas que hemos creado (por ej. cohortes).



2. Bases de datos OMOP

TABLAS EN OMOP CDM

Datos clínicos:

- PERSON: Pacientes 👨
- OBSERVATION_PERIOD: **Período en observación**
- CONDITION_OCCURRENCE Condiciones médicas (2)
- VISIT_OCCURRENCE: Visitas médicas
- •DRUG_EXPOSURE: Medicación 🔷
- PROCEDURE_OCCURRENCE Procedimientos **1**
- MEASUREMENT: **Mediciones** 🔔
- OBSERVATION: Observaciones
- DEVICE_EXPOSURE: Dispositivos médicos 🝥

Terminologías:

- VOCABULARY
- CONCEPT
- CONCEPT_RELATIONSHIP
- CONCEPT_ ANCESTOR
- •SOURCE_TO_CONCEPT_MAP
- . . .

<u>Sistema de salud</u>

- •LOCATION
- •CARE_SITE
- PROVIDER

METADATA

Costos/Recursos

- COST
- PAYER_PLAN_PERIOD

<u>Tablas derivadas:</u>

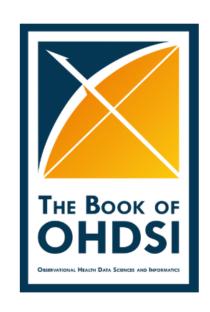
- •DRUG_ERA
- •DOSE_ERA
- CONDITION_ERA

write schema:

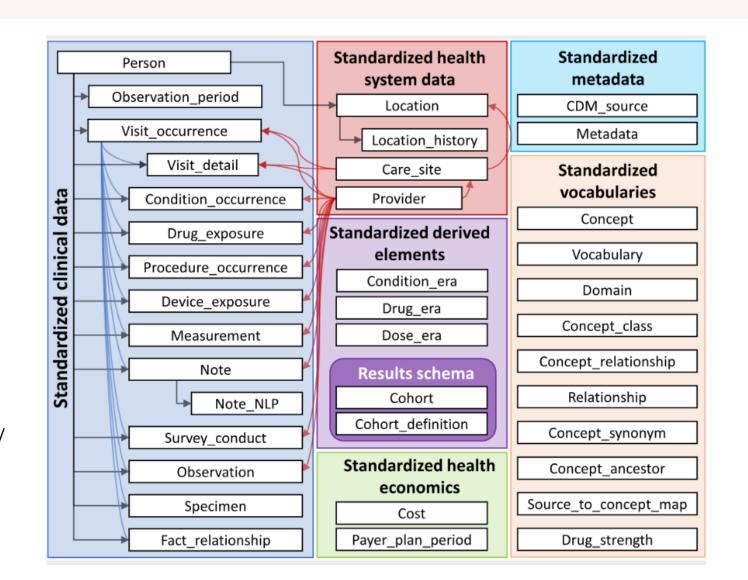
MY_COHORTS



2. Bases de datos OMOP



https://ohdsi.github.io/TheBookOfOhdsi/



2. Bases de datos OMOP

• PERSON: **Pacientes** 📀

> cdm\$person						
# Source: table <main.person> [?? x 18]</main.person>						
atabase: D	ouckDB v0.10.2 [agi	iuliodori@Windo	ows 10 x64:R 4.4	1.0/C:\Users\a	agiuliodori\AppData\	Local\Temp\RtmpGe
.duckdbl						
	gender_concept_id	year_of_birth	month_of_birth	day_of_birth	birth_datetime	race_concept_id
<int></int>	<int></int>	<int></int>	<int></int>	<int></int>	<dttm></dttm>	<int></int>
1	<u>8</u> 532	<u>1</u> 970	4	24	1970-04-24 00:00:00	<u>8</u> 527
2	<u>8</u> 532	<u>1</u> 929	3	18	1929-03-18 00:00:00	<u>8</u> 527
3	<u>8</u> 532	<u>1</u> 970	4	4	1970-04-04 00:00:00	<u>8</u> 527
4	<u>8</u> 507	<u>1</u> 966	2	26	1966-02-26 00:00:00	<u>8</u> 527
5	<u>8</u> 532	<u>1</u> 936	6	10	1936-06-10 00:00:00	<u>8</u> 527
6	<u>8</u> 507	<u>1</u> 996	5	29	1996-05-29 00:00:00	<u>8</u> 516
7	<u>8</u> 507	<u>1</u> 923	11	14	1923-11-14 00:00:00	<u>8</u> 527
8	<u>8</u> 507	<u>2</u> 018	8	20	2018-08-20 00:00:00	<u>8</u> 527
9	<u>8</u> 532	<u>1</u> 933	2	11	1933-02-11 00:00:00	<u>8</u> 527
10	<u>8</u> 507	<u>2</u> 010	3	7	2010-03-07 00:00:00	<u>8</u> 527
more rows						
<pre># i 11 more variables: ethnicity_concept_id <int>, location_id <int>, provider_id <int>, care_site_id <int>,</int></int></int></int></pre>						
# person_source_value <chr>, gender_source_value <chr>, gender_source_concept_id <int>, race_source_value <</int></chr></chr>						
# race_source_concept_id <int>, ethnicity_source_value <chr>, ethnicity_source_concept_id <int></int></chr></int>						
	atabase: D .duckdb] person_id <int> 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 more rows 11 more value val</int>	atabase: DuckDB v0.10.2 [aginal color of the	atabase: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@windo.duckdb] person_id	atabase: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@Windows 10 x64:R 4.4 duckdb] person_id	atabase: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\atalase: duckdbl person_id gender_concept_id year_of_birth month_of_birth day_of_birth	atabase: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\agiuliodori\AppData\rangle duckdb] person_id



2. Bases de datos OMOP

• CONDITION_OCCURRENCE: Condiciones médicas (9)

	> cdm\$condition_occurrence # Source: table <main.condition_occurrence> [?? x 16]</main.condition_occurrence>						
1							
	# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@Windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\agiuliodori\AppData\Local\Temp\RtmpGeovpG\file34986b521						
	duckdh]						
	_				condition_start_datetime	-	
	<int></int>	<int></int>		<date></date>	<dttm></dttm>	<date></date>	
1	1	2	<u>381</u> 316	1986-09-08	1986-09-08 00:00:00	1986-09-08	
2	2	6	<u>321</u> 042	2021-06-23	2021-06-23 00:00:00	2021-06-23	
3	3	7	<u>381</u> 316	2021-04-07	2021-04-07 00:00:00	2021-04-07	
4	4	8	37 311 061	2021-01-08	2021-01-08 00:00:00	2021-02-13	
5	5	8	<u>437</u> 663	2021-01-08	2021-01-08 00:00:00	2021-02-13	
6	6	8	4 <u>089</u> 228	2021-01-08	2021-01-08 00:00:00	2021-02-13	
7	7	8	<u>254</u> 761	2021-01-08	2021-01-08 00:00:00	2021-02-13	
8	8	16	<u>381</u> 316	2020-02-11	2020-02-11 00:00:00	2020-02-11	
9	9	16	<u>313</u> 217	2021-10-05	2021-10-05 00:00:00	2021-10-05	
10	10	18	<u>317</u> 576	1993-08-08	1993-08-08 00:00:00	1993-08-08	
# i	# i more rows						
# j	# i 10 more variables: condition_end_datetime <dttm>, condition_type_concept_id <int>, condition_status_concept_id <int>,</int></int></dttm>						
#	<pre># stop_reason <chr>, provider_id <int>, visit_occurrence_id <int>, visit_detail_id <int>, condition_source_value <chr>,</chr></int></int></int></chr></pre>						
#	# condition_source_concept_id <int>, condition_status_source_value <chr></chr></int>						





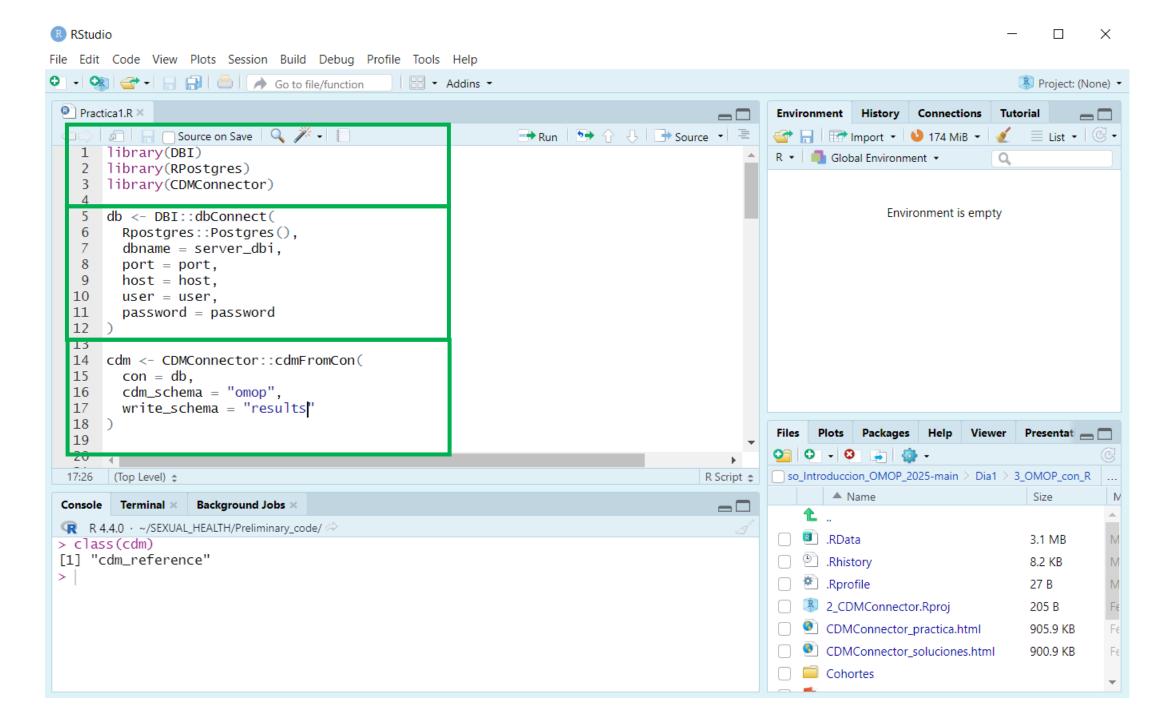


Conexión desde R a BBDD SIDIAP:

1. Cargar librerías

2. Conexión a la base de datos

3. Creación del objeto **cdm**





Conexión desde R a BBDD SIDIAP:

1. Cargar librerías

library(Rpostgres)
library(DBI)
library(CDMConnector)

2. Conexión a la base de datos

3. Creación del objeto **cdm**



Conexión desde R a BBDD SIDIAP:

1. Cargar librerías

2. Conexión a la base de datos -

3. Creación del objeto **cdm**

Objecto de conexión

```
db <- DBI::dbConnect(

Rpostgres::Postgres(),

dbname = server_dbi,
port = port,
host = host,
user = user,
password = password

Credenciales
```



Conexión desde R a BBDD SIDIAP:

1. Cargar librerías

2. Conexión a la base de datos

3. Creación del objeto **cdm** ——

Objeto cdm





Conexión BBDD sintética:

1. Cargar librerías

2. Conexión a la base de datos

3. Creación del objeto **cdm**

```
# Synthetic database connection
db <- DBI::dbConnect(
     duckdb::duckdb(),
     CDMConnector::eunomiaDir("synthea-covid19-10k")
      (Top Level) $
Console Terminal ×
               Background Jobs ×
luccion_OMOP_2025-main > MockDB
> CDMConnector::eunomiaDir("synthea-covid19-10k")
                                                  MD README.md
                                                  synthea-covid19-10k_5.3.zip
```



Conexión BBDD sintética:

1. Cargar librerías

2. Conexión a la base de datos

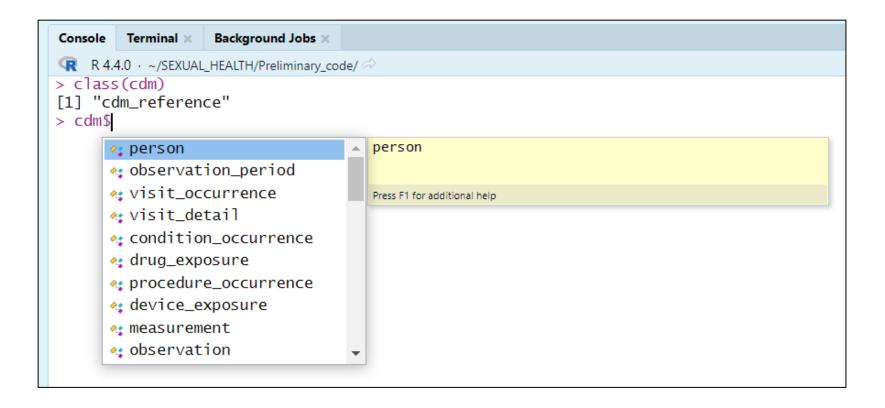
3. Creación del objeto **cdm**

```
cdm <- CDMConnector::cdmFromCon(
  con = db,

cdm_schema = "main",
  write_schema = "main",
  cdm_name = "SYNTHEA"</pre>
```



El **objecto cdm** contiente las tablas en formato OMOP CDM:





El **objecto cdm** contiente las tablas en formato OMOP CDM:

> print(cdm)

- # OMOP CDM reference (duckdb) of Synthea
- omop tables: person, observation_period, visit_occurrence, visit_detail, condition_occurrence, drug_exposure, procedure_occurrence, device_exposure, measurement, observation, death, note, note_nlp, specimen, fact_relationship, location, care_site, provider, payer_plan_period, cost, drug_era, dose_era, condition_era, metadata, cdm_source, concept, vocabulary, domain, concept_class, concept_relationship, relationship, concept_synonym, concept_ancestor, source_to_concept_map, drug_strength, cohort_definition, attribute_definition
- cohort tables: -
- achilles tables: -
- other tables:



Para acceder a las tablas, se procede igual que para acceder a listas en R:

```
Console Terminal ×
                Background Jobs ×
                                                                                                                   > class(cdm)
[1] "cdm_reference"
 cdm$person
 source: table<main.person> [?? x 18]
# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@Windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\agiuliodori\AppData\Local\Temp\RtmpGeovpG\file349
81cc9494d.duckdbl
  person_id gender_concept_id year_of_birth month_of_birth day_of_birth birth_datetime
                                                                                            race_concept_id
       <int>
                        <int>
                                      <int>
                                                     <int>
                                                                  <int> <dttm>
                                                                                                      <int>
                         8532
                                       1970
                                                                     24 1970-04-24 00:00:00
                                                                                                       8527
                         8532
                                                                                                       8527
                                       1929
                                                                     18 1929-03-18 00:00:00
                         8532
                                                                      4 1970-04-04 00:00:00
                                                                                                       8527
                                       1970
                         8507
                                       1966
                                                                     26 1966-02-26 00:00:00
                                                                                                       8527
                         8532
                                       1936
                                                                     10 1936-06-10 00:00:00
                                                                                                       8527
                         8507
                                                                     29 1996-05-29 00:00:00
                                                                                                       8516
                                       1996
                         8507
                                                        11
                                                                                                       8527
                                       1923
                                                                     14 1923-11-14 00:00:00
                         8507
                                       2018
                                                                     20 2018-08-20 00:00:00
                                                                                                       8527
                         8532
                                       1933
                                                                                                       8527
                                                                     11 1933-02-11 00:00:00
10
         10
                         8507
                                       2010
                                                                      7 2010-03-07 00:00:00
                                                                                                      8527
# i 11 more variables: ethnicity_concept_id <int>, location_id <int>, provider_id <int>, care_site_id <int>,
   person_source_value <chr>, gender_source_value <chr>, gender_source_concept_id <int>, race_source_value <chr>.
   race source concept id <int>, ethnicity source value <chr>, ethnicity source concept id <int>
# i Use `print(n = ...)` to see more rows
```







- Para realizar la mayoría de las operaciones hay que usar funciones
- Todas las funciones de R están almacenadas en paquetes (R tiene unos paquetes básicos que se cargan automáticamente)
- Si queremos usar una función específica, podemos instalar el paquete que nos interesa y cargarlo:

install.package("nombre del paquete")
library(nombre del paquete)

Para acceder la ayuda de las funciones:

help(nombreFuncion)

4. Manipulación de datos con R



dplyr es una librería que nos permite transformar, filtrar, agrupar y resumir datos. Funciones principales:

- glimpse(): para "echar un vistazo" a un objeto.
- **filter()**: Filtra filas según condiciones.
- select(): Selecciona columnas específicas.
- mutate(): Crear nuevas columnas o modificar las existentes.
- arrange(): Ordena las filas por una o más columnas.
- group_by(): Agrupar datos por una o más variables.
- summarise(): Resume datos con estadísticas (promedios, sumas, etc.)
- tally(): Cuenta el número de filas de una tabla

2. Bases de datos OMOP



dplyr::glimpse(cdm\$person)

```
> dplyr::glimpse(cdm$person)
Rows: ??
Columns: 18
Database: DuckDB v1.2.0 [agiuliodori@Windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\agiuliodori\AppData\Local\Temp\
Rv8kw\file2e02f7d6f76.duckdbl
$ person_id
                                                       <int> 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, ...
$ gender_concept_id
                                                       <int> 8532, 8532, 8532, 8507, 8532, 8507, 8507, 8507, 8532, 8507, 853...
$ vear_of_birth
                                                       <int> 1970, 1929, 1970, 1966, 1936, 1996, 1923, 2018, 1933, 2010, 198...
$ month_of_birth
                                                       <int> 4, 3, 4, 2, 6, 5, 11, 8, 2, 3, 3, 3, 3, 5, 12, 5, 11, 6, 5, 3, ...
$ day_of_birth
                                                       <int> 24, 18, 4, 26, 10, 29, 14, 20, 11, 7, 11, 25, 19, 4, 2, 2, 24, ...
$ birth_datetime
                                                       <dttm> 1970-04-24, 1929-03-18, 1970-04-04, 1966-02-26, 1936-06-10, 19...
$ race concept id
                                                       <int> 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8516, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 8527, 
$ ethnicity_concept_id
                                                       <int> 38003564, 38003564, 38003564, 38003564, 38003564, 38003564, 380...
$ location_id
                                                       $ provider_id
                                                       $ care_site_id
                                                       <chr> "00019d62-30d1-e285-e01c-68b371598db0", "00047b5c-a44f-00f1-ee1
$ person_source_value
                                                       $ gender_source_value
$ gender_source_concept_id
                                                       $ race_source_value
                                                       <chr> "white", "white", "white", "white", "white", "black", "white", ...
$ race_source_concept_id
                                                       <chr> "nonhispanic", "nonhispanic", "nonhispanic", "nonhispanic", "no...
$ ethnicity_source_value
```

4. Manipulación de datos con R



dplyr::tally(cdm\$person)

dplyr::summarise(cdm\$person, fun(var))





dplyr::filter(cdm\$person, year_of_birth > 2021

Person_id	Sex_id	Year_of_birth	Month_of_birth	Race_concept_id
67	8532	1952	4	8527
98	8507	2022	5	8527
134	8507	1968	2	8527
235	8507	2007	12	8527
365	8532	2023	11	8527
487	8532	1998	5	8527





dplyr::filter(cdm\$person, year_of_birth > 2021

Person_id	Sex_id	Year_of_birth	Month_of_birth	Race_concept_id
98	8507	2022	5	8527
365	8532	2023	11	8527





```
dplyr::select(
    cdm$person,
    c(person_id, sex_id, year_of_birth)
)
```

Person_id	Sex_id	Year_of_birth	Month_of_birth	Race_concept_id
67	8532	1952	4	8527
98	8507	2022	5	8527
134	8507	1968	2	8527
235	8507	2007	12	8527
365	8532	2023	11	8527
487	8532	1998	5	8527





```
dplyr::select(
     cdm$person,
     c(person_id, sex_id, year_of_birth)
)
```

Person_id	Sex_id	Year_of_birth
67	8532	1952
98	8507	2022
134	8507	1968
235	8507	2007
365	8532	2023
487	8532	1998



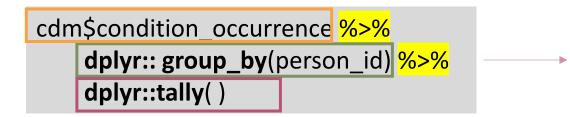


Proporciona el "**operador pipe**" <mark>%>%</mark> que permite encadenar funciones:





Proporciona el "**operador pipe**" <mark>%>%</mark> que permite encadenar funciones:



	perso	n_id	n
	<	int>	<db 7=""></db>
1		6	1
1 2 3		8	4
3		25	1
4 5		40	1
5		42	3
6		47	5
7		53	2
8		58	4
9		71	2
10		74	2
# i	more	rows	





dplyr::compute() ejecuta la consulta, y el resultado de la consulta se guarda en una tabla temporal en la base de datos.

dplyr::collect() ejecuta la consulta y devuelve el resultado a R. Podemos asignar <- el resultado de mi consulta a una variable local.

dplyr::pull() ejecuta la consulta y devuelve una columna específica de la tabla. Podemos asignar <- el resultado de mi consulta a una variable local.

omop of the control o

4. Manipulación de datos con R

R (dplyr)

dplyr::show_query()

SQL

pacientes_select <- pacientes %>%
 select(id, nombre, edad)

pacientes_filtrados <- pacientes %>%
 filter(edad > 40)

pacientes_mod <- pacientes %>%
 mutate(edad_en_meses = edad * 12)

SELECT id, nombre, edad FROM pacientes;

SELECT * FROM pacientes WHERE edad > 40;

SELECT *, edad * 12 AS edad_en_meses
FROM pacientes;

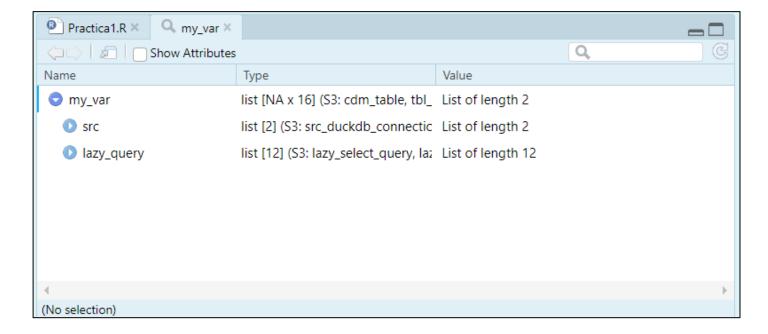
omop OMOP

4. Manipulación de datos con R



Ejemplo 1: Asignar <- una consulta a una variable local sin hacer collect().

my_var <- cdm\$condition_occurrence %>%
dplyr::filter(condition_concept_id == 37311061)







Ejemplo 2: Asignar <- una consulta a una variable local haciendo collect().

B	Practica1.R × Q my_var × my_var_local ×						
\							
^	condition_occurrence_id	person_id [‡]	condition_concept_id	condition_start_date	condition_start_datetime	condition_end_date	\$
1	4	8	37311061	2021-01-08	2021-01-08	2021-02-13	
2	13	36	37311061	2020-10-09	2020-10-09	2020-11-07	
3	23	47	37311061	2020-11-26	2020-11-26	2020-12-25	
4	29	52	37311061	2020-12-08	2020-12-08	2021-01-08	
5	35	58	37311061	2020-07-12	2020-07-12	2020-08-02	
6	46	72	37311061	2020-12-02	2020-12-02	2021-01-06	

omop curso

4. Manipulación de datos con R



Brinda funciones para **UNIR tablas** basadas en una o más columnas comunes entre sí.

- 1) **dplyr::inner_join()** devuelve solo las filas que tienen coincidencias en ambas tablas.
- 2) **dplyr::left_join()** devuelve todas las filas de la primera tabla y solo las coincidencias de la segunda.
- 3) **dplyr::right_join()** devuelve todas las filas de la segunda tabla y solo las coincidencias de la primera.
- 4) dplyr::full_join() devuelve todas las filas de ambas tablas.





1) **dplyr::inner_join()** devuelve solo las filas que tienen coincidencias en ambas tablas.

CONDITION_OCCURRENCE:

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date			
1326589	67	37311061	2020-11-27			
56325853	365	37311061	2021-12-01			
56325665	522	37311061	2022-06-29			
Diagnóstico de covid						

PERSON:

	Sex_id
1952	8532
1973	8507
1968	8507
2007	8507
1994	8532
1998	8532
	1973 1968 2007 1994





1) **dplyr::inner_join()** devuelve solo las filas que tienen coincidencias en ambas tablas.

inner_join(CONDITION_OCCURRENCE, PERSON, by="person_id")

Condition_id		Condition concept id	Condition start date	Year_of_birth	Sex_id
1326589	67	37311061	2020-11-27	1952	8532
56325853	365	37311061	2021-12-01	1994	8532





2) **dplyr::left_join()** devuelve todas las filas de la primera tabla y solo las coincidencias de la segunda.

CONDITION_OCCURRENCE:

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date
1326589	67	37311061	2020-11-27
56325853	365	37311061	2021-12-01
56325665	522	37311061	2022-06-29

PERSON:

Year_of_birth	Sex_id
1952	8532
1973	8507
1968	8507
2007	8507
1994	8532
1998	8532
	1952 1973 1968 2007 1994





2) **dplyr::left_join()** devuelve todas las filas de la primera tabla y solo las coincidencias de la segunda.

left_join(CONDITION_OCCURRENCE, PERSON, by="person_id")

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date	Year_of_birth	Sex_id
1326589	67	37311061	2020-11-27	1952	8532
56325853	365	37311061	2021-12-01	1994	8532
56325665	522	37311061	2022-06-29	NA	NA





3) **dplyr::right_join()** devuelve todas las filas de la segunda tabla y solo las coincidencias de la primera.

CONDITION_OCCURRENCE:

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date
1326589	67	37311061	2020-11-27
56325853	365	37311061	2021-12-01
56325665	522	37311061	2022-06-29

PERSON:

Year_of_birth	Sex_id
1952	8532
1973	8507
1968	8507
2007	8507
1994	8532
1998	8532
	1952 1973 1968 2007 1994





3) **dplyr::right_join()** devuelve todas las filas de la segunda tabla y solo las coincidencias de la primera.

right_join(CONDITION_OCCURRENCE, PERSON, by="person_id")

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date	Year_of_birth	Sex_id
1326589	67	37311061	2020-11-27	1952	8532
NA	98	NA	NA	1973	8507
NA	134	NA	NA	1968	8507
NA	235	NA	NA	2007	8507
56325853	365	37311061	2021-12-01	1994	8532
NA	487	NA	NA	1998	8532





4) dplyr::full_join() devuelve todas las filas de ambas tablas.

CONDITION_OCCURRENCE:

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date
1326589	67	37311061	2020-11-27
56325853	365	37311061	2021-12-01
56325665	522	37311061	2022-06-29

PERSON:

	Sex_id
1952	8532
1973	8507
1968	8507
2007	8507
1994	8532
1998	8532
	1973 1968 2007 1994





4) dplyr::full_join() devuelve todas las filas de ambas tablas.

full_join(CONDITION_OCCURRENCE, PERSON, by="person_id")

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date	Year_of_birth	Sex_id
1326589	67	37311061	2020-11-27	1952	8532
NA	98	NA	NA	1973	8507
56325665	522	37311061	2022-06-29	NA	NA
NA	134	NA	NA	1968	8507
NA	235	NA	NA	2007	8507
56325853	365	37311061	2021-12-01	1994	8532
NA	487	NA	NA	1998	8532



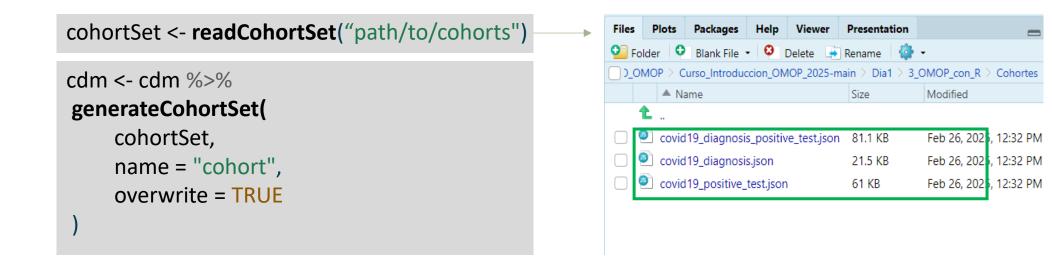




5. Instanciar cohortes



CDMConnector es una libraría que nos permite crear el **cdm** y nos proporciona funciones para crear/manipular cohortes.





5. Instanciar cohortes



CDMConnector es una libraría que nos permite crear el **cdm** y nos proporciona funciones para crear/manipular cohortes.

Console	Terminal ×	Background J	obs ×					
R 4.4.0 · ~/CURSO_OMOP/Curso_Introduccion_OMOP_2025-main/Dia1/3_OMOP_con_R/ ←								
1	<pre>> cdm\$cohort # Source: table<main.cohort> [?? x 4]</main.cohort></pre>							
# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@Windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\approx p\RtmpGeovpG\file34981cc9494d.duckdb]								
coho	cohort_definition_id subject_id cohort_start_date cohort_end_date							
		<int></int>	<db1></db1>	<date></date>	<date></date>			
1		1	620	2021-02-19	2021-03-01			
2		1	<u>1</u> 455	2021-03-10	2021-03-20			
3		1	<u>1</u> 850	2021-02-19	2021-03-01			
4		1	<u>2</u> 254	2020-06-03	2020-06-13			
5		1	<u>2</u> 307	2020-12-16	2020-12-26			
6		1	2648	2021-03-04	2021-03-14			
7		1	3762	2021-01-23	2021-02-02			
8		1	4198	2020-12-15	2020-12-25			
9		1	_	2020-12-01	2020-12-11			
10		1	_	2021-04-06	2021-04-16			
# i mor	e rows							



5. Instanciar cohortes



CDMConnector es una libraría que nos permite crear el **cdm** y nos proporciona funciones para crear/manipular cohortes.

cohort_count(cdm\$cohort)

settings(cdm\$cohort)

cohort_attrition(cdm\$cohort)

>	cohort_attrition(cdm	∮cohort)					
#	A tibble: 6×7						
	cohort_definition_id	number_records	number_subjects	reason_id reason		excluded_records	excluded_subjects
	<int></int>	<int></int>	<int></int>	<int> <chr></chr></int>		<int></int>	<int></int>
1	1	964	964	1 Qualifyin	g initial records	0	0
2	1	964	964	2 6 week wa	sh-out	0	0
3	2	964	964	1 Qualifyin	g initial records	0	0
4	2	964	964	2 6 week wa	sh-out	0	0
5	3	0	0	1 Qualifyin	g initial records	0	0
6	3	0	0	2 6 week wa	sh-out	0	0

6. PRÁCTICA DÍA I OMOP con R



Objetivo principal

Conectarse a la base de datos e instanciar una cohorte con los .JSON de COVID.

Objetivos secundarios

Familiarizarse con el entorno Rstudio - SQL - OMOP.

- Entender cómo se trabaja con datos en SQL desde R.
- Familiarizarse con el formato de las tablas del schema cdm.
- Familiarizarse con la estructura de las cohortes.



Buenas prácticas:

Recordar borrar tablas intermedias de la base de datos:

DBI::dbRemoveTable(db, "my_cohort")

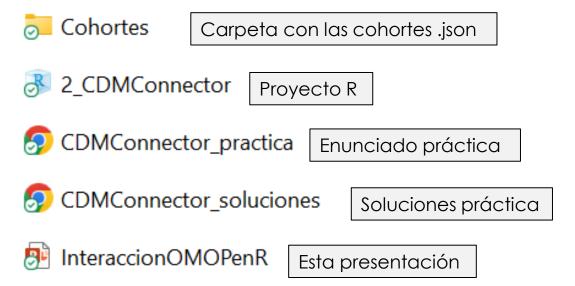
Recordar desconectarnos:

CDMConnector:: cdmDisconnect(cdm)

DBI::dbDisconnect(db)

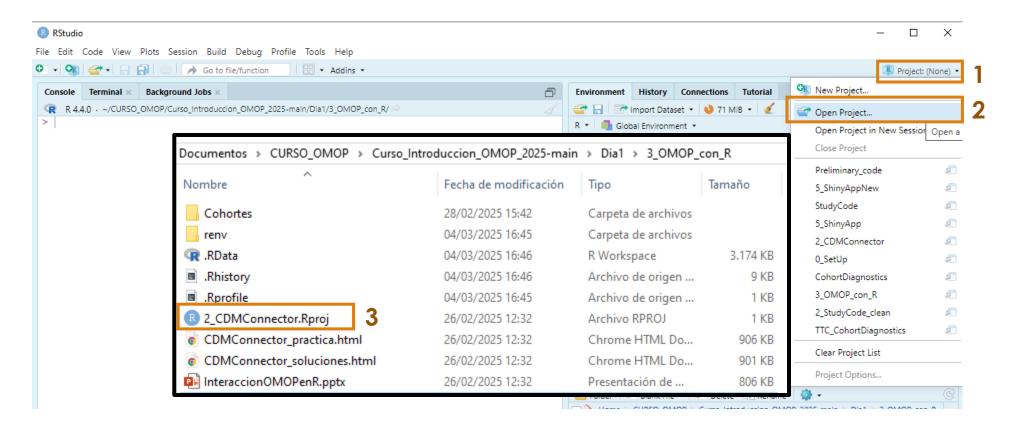


Paso 1. Acceder a la subcarpeta del Dia1 llamada "3_OMOP_con_R".



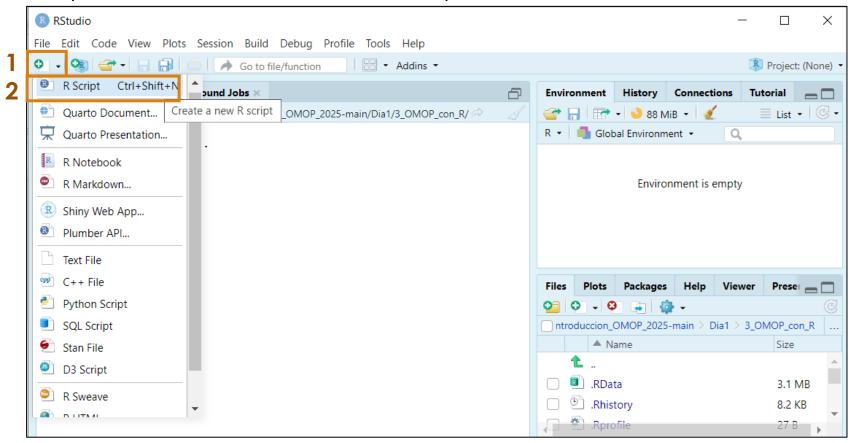


Paso 2. Abrir el proyecto R llamado "2_CDMConnector.Rproj





Paso 3. Abrir un script en el cual desarrollaremos la práctica.





Paso 4. Abrir la práctica (CDMConnector práctica) y realizar los ejercicios.

CDMConnector - práctica

Iniciación práctica en el análisis de datos OMOP

AUTHOR

Real World Epidemiology

AFFILIATION
IDIAP Jordi Gol

Objetivo

El objetivo de esta práctica es conectarse a una base de datos sintética en formato *OMOP, e* instanciar cohortes previamente generadas en ATLAS y guardadas en formato *json*. Además, durante esta actividad, se destacan algunas particularidades de trabajar con bases de datos SQL mediante RStudio, y se presentarán buenas prácticas en este contexto.

¿Cómo funciona?

En este fichero encontraréis una serie de ejercicios que os proponemos, acompañados de teoría y pistas para su resolución. Podéis crear un *script* R en el mismo directorio en el que está este fichero, e ir resolviéndolos en el *script*. En cada ejercicio hay pistas, puesto que el curso es abierto a muchos perfiles y habrá gente que necesitará indicaciones sobre programación en R, otras sobre dónde encontrar las cosas en OMOP, y otras con todo. Además, en este mismo directorio, hay un fichero adicional con las soluciones a los ejercicios, para poder autocorregiros la práctica. Si tenéis cualquier duda preguntad a los docentes de apoyo en las prácticas, e jintentad utilizar las soluciones tan solo para corregir!

Paquetes R

Table of contents

Objetivo

¿Cómo funciona?

Paquetes R

Conexión

Instanciar cohortes

SQL i R

Ejercicios extra

Introducción al uso de OMOP en R



Gracias

Agustina Giuliodori agiuliodori@idiapjgol.org

Real-World Epidemiology (RWEpi) Group