

# *Introducción al uso de OMOP en R*

Agustina Giuliadori Picco  
[agiuliodori@idiapjgol.org](mailto:agiuliodori@idiapjgol.org)  
Marzo 2025

Real-World Epidemiology (RWEpi) Group

1. Bases de datos, SQL y R
2. Bases de datos OMOP
3. Conexión a la base de datos con R
4. Manipulación de datos con R
5. Instanciar cohortes en OMOP CDM
6. Práctica: OMOP con R



# ***1. Bases de datos, SQL y R***

# ***1. Bases de datos, SQL y R***

BBDD: Almacenar, gestionar y recuperar datos.

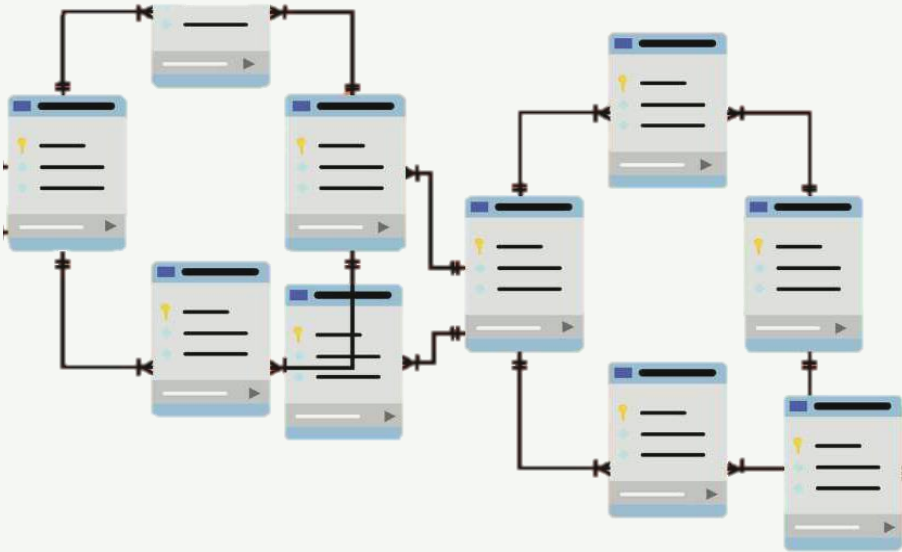
Definiciones básicas en una base de datos:

- 1. Modelo de datos:** Cómo se estructura la información → **BBDD relacional**
- 2. Sistema de gestión de bases de datos (dbms):** Software para administrar los datos.
- 3. Definición de esquemas:** Segregar y organizar la base de datos.
- 4. Definición de tablas:** Definir entidades, relaciones y restricciones.

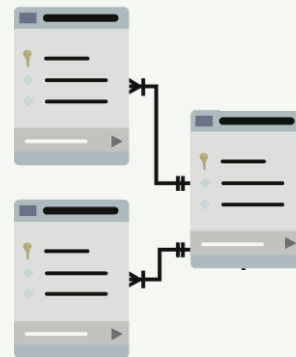
# ***1. Bases de datos, SQL y R***

## **Base de datos relacional**

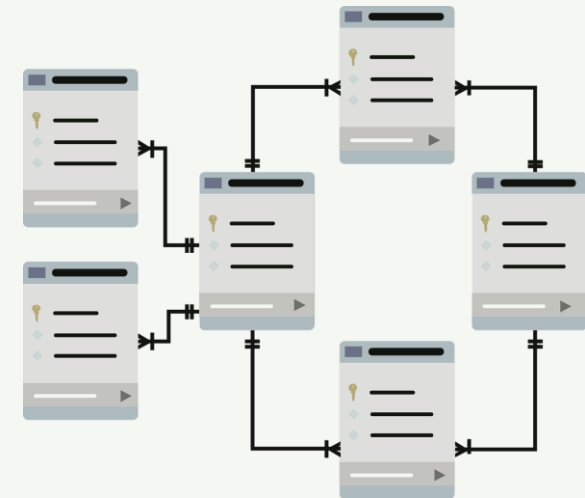
Esquema 1



Esquema 2



Esquema 3



# ***1. Bases de datos, SQL y R***



**SQL**: Lenguaje estándar para interactuar con la base de datos

Tipos de comandos en SQL:

1. DEFINICIÓN DE DATOS (create, alter, drop tables)
2. MANIPULACIÓN DE DATOS (insert into, update, delete)
3. CONSULTA DE DATOS (select)
4. CONTROL DE DATOS

# ***1. Bases de datos, SQL y R***

## **SQL**



Lenguaje estándar por bases de datos.



SQL está optimizado para manejar y manipular grandes bases de datos.



Problema: no tiene soporte para realizar operaciones estadísticas.

## **R**



Lenguaje de programación ampliamente utilizado en estadística.

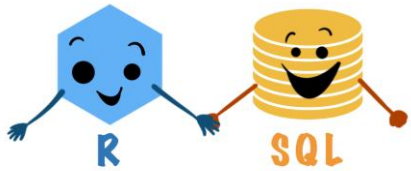


R es fuerte en la manipulación de datos, el análisis estadístico y la visualización.



Problema: podría no ser eficiente por grandes bases de datos.

# ***1. Bases de datos, SQL y R***



Combinar SQL y R para aprovechar las ventajas de cada una de las herramientas.

- **SQL**: creación y gestión de la base de datos, guardada en el **servidor**

- **R**:
  1. Connexión al servidor para acceder a la base de datos (BBDD).
  2. Manipulación de los datos (que estan en el servidor).
  3. Exportar del servidor a nuestro ordenador los datos que queremos analizar.
  4. Análisis de los datos.

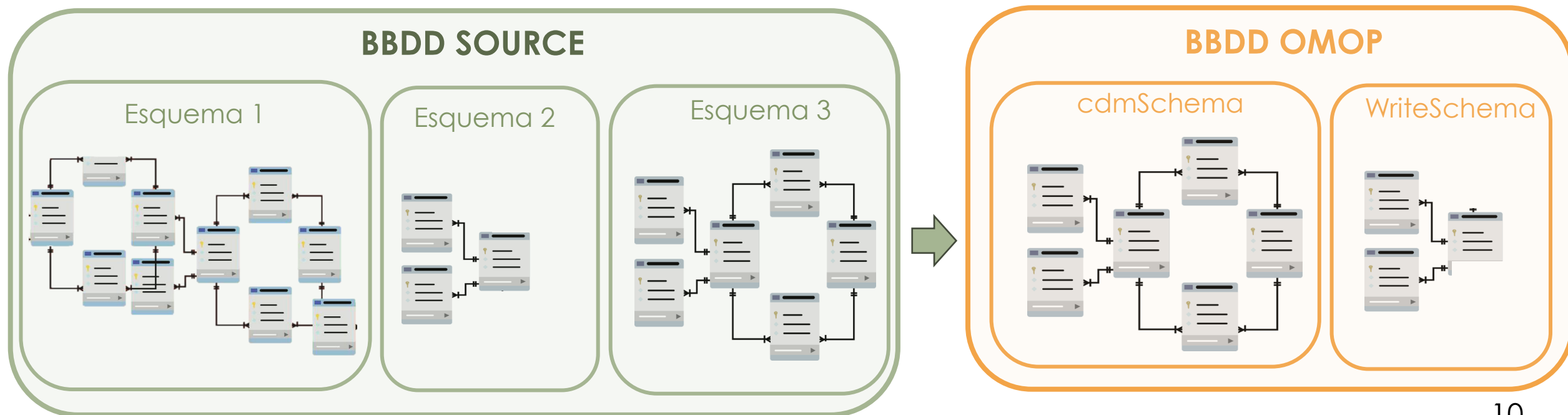


## ***2. Bases de datos OMOP***

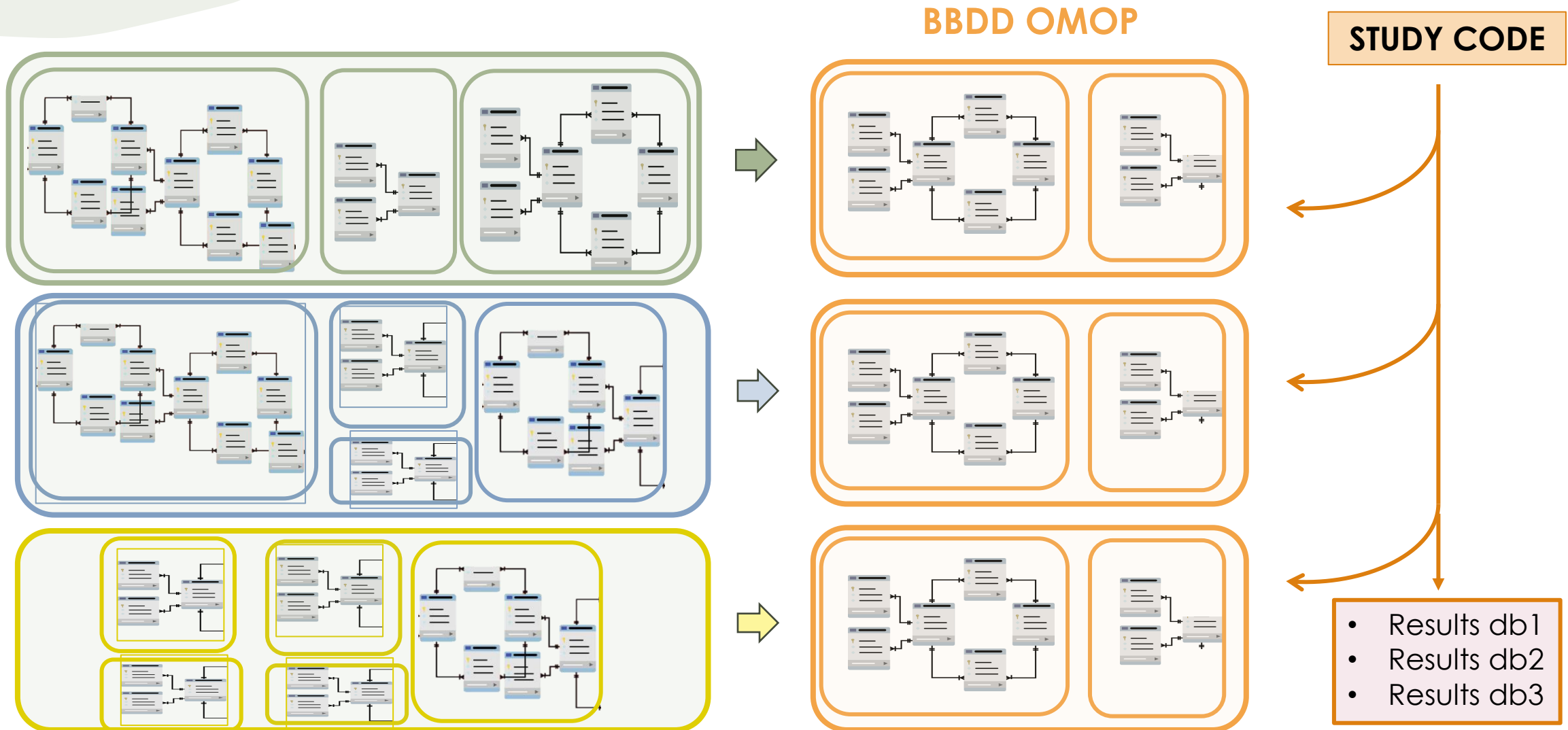
## ***2. Bases de datos OMOP***

### **OMOP CDM: (Observational Medical Outcomes Partnership Common Data Model)**

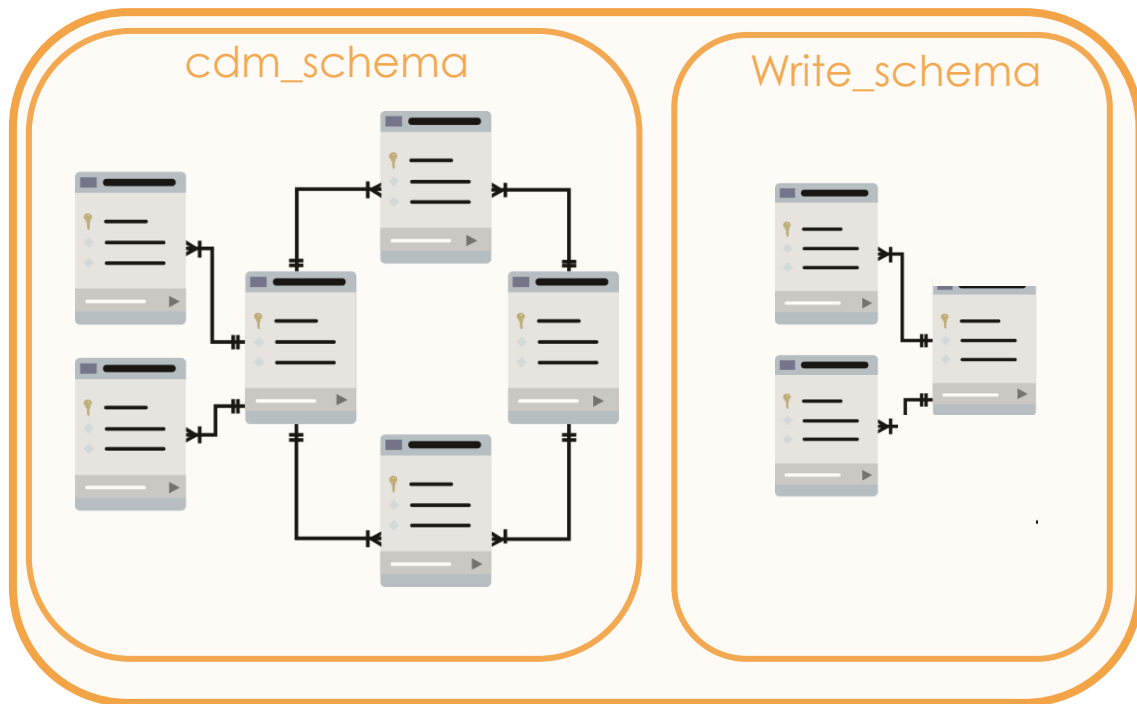
Modelo de datos común diseñado para **armonizar datos clínicos y administrativos** de diferentes fuentes de salud, permitiendo su análisis de manera estandarizada y reproducible.



## ***2. Bases de datos OMOP***



## ***2. Bases de datos OMOP***



En **OMOP CDM** diferenciamos dos **schemas**:

- **cdm schema**: Sólo lectura. Contiene todas las tablas de la base de datos.
- **write schema**: Lectura/escritura. Podemos guardar tablas que hemos creado (por ej. cohortes).

## 2. Bases de datos OMOP

### TABLAS EN OMOP CDM

#### Datos clínicos:

- PERSON: **Pacientes** 🧑
- CONDITION\_OCCURRENCE **Condiciones médicas** 🤒
- VISIT\_OCCURRENCE: **Visitas médicas** 🏠
- DRUG\_EXPOSURE: **Medicación** 💊
- PROCEDURE\_OCCURRENCE **Procedimientos** 🏥
- MEASUREMENT: **Mediciones** 📊
- OBSERVATION: **Observaciones** 👁️
- DEVICE\_EXPOSURE: **Dispositivos médicos** ⚙️

#### Terminologías:

- VOCABULARY
- CONCEPT
- CONCEPT\_RELATIONSHIP
- CONCEPT\_ANCESTOR
- SOURCE\_TO\_CONCEPT\_MAP
- ...

#### Sistema de salud

- LOCATION
- CARE\_SITE
- PROVIDER

- METADATA

#### Costos/Recursos

- COST
- PAYER\_PLAN\_PERIOD

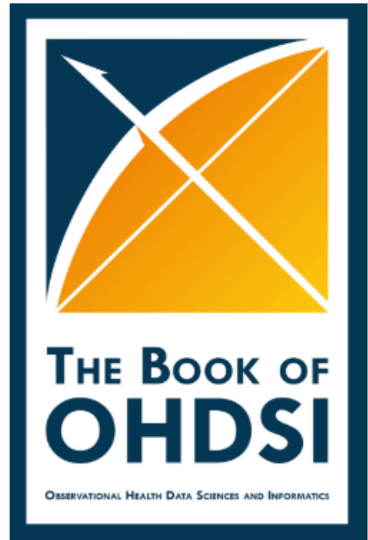
#### Tablas derivadas:

- DRUG\_ERA
- DOSE\_ERA
- CONDITION\_ERA

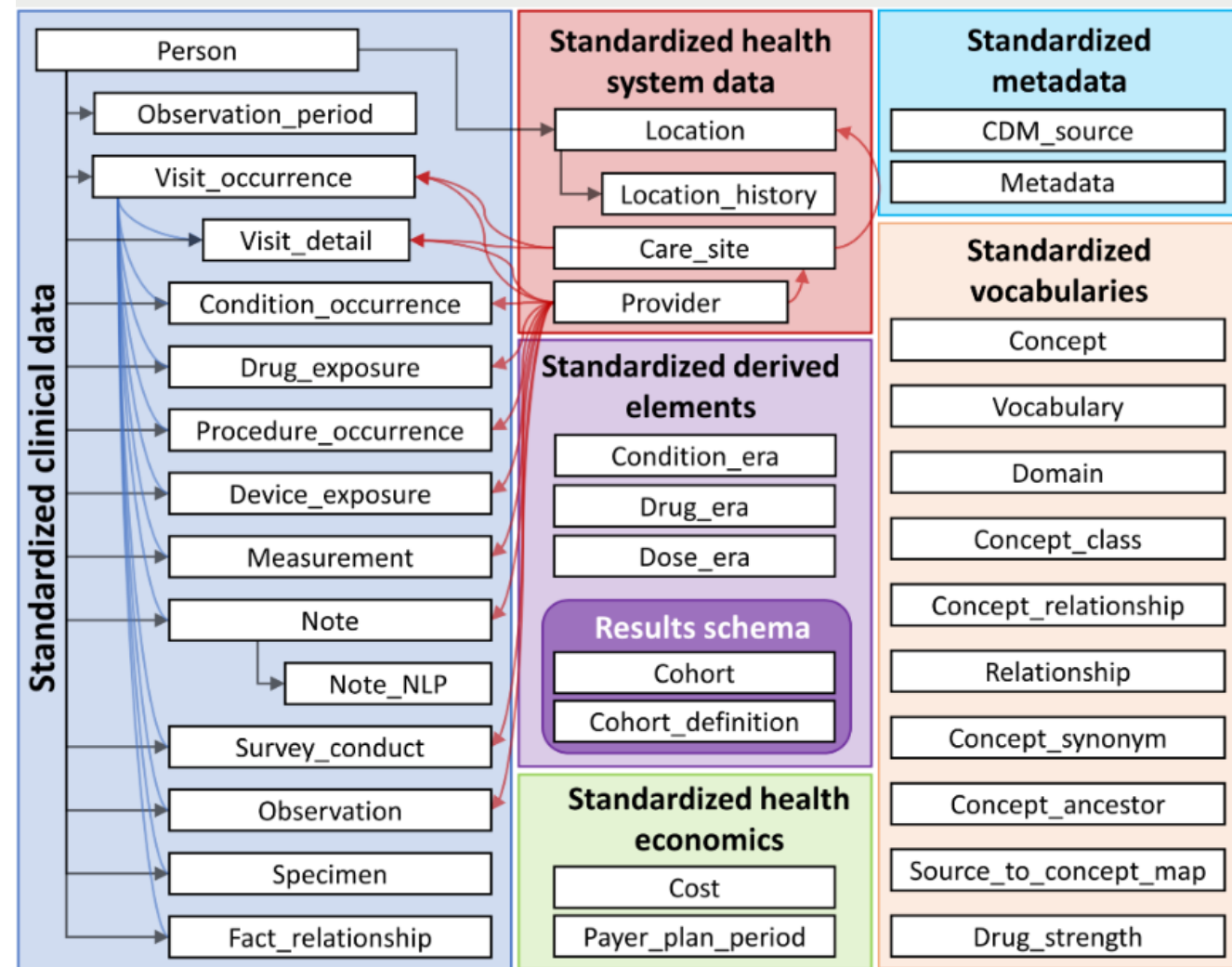
#### Results schema:

- MY\_COHORTS

## 2. Bases de datos OMOP



<https://ohdsi.github.io/TheBookOfOhdsi/>



## 2. Bases de datos OMOP

### • PERSON: Pacientes 🧑

```
> cdm$person
# Source:   table<main.person> [?? x 18]
# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@Windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\agiuliodori\AppData\Local\Temp\RtmpGe942.duckdb]
  person_id gender_concept_id year_of_birth month_of_birth day_of_birth birth_datetime race_concept_id
    <int>         <int>         <int>         <int>         <int> <dtm>         <int>
1         1         8532         1970             4          24 1970-04-24 00:00:00      8527
2         2         8532         1929             3          18 1929-03-18 00:00:00      8527
3         3         8532         1970             4           4 1970-04-04 00:00:00      8527
4         4         8507         1966             2          26 1966-02-26 00:00:00      8527
5         5         8532         1936             6          10 1936-06-10 00:00:00      8527
6         6         8507         1996             5          29 1996-05-29 00:00:00      8516
7         7         8507         1923            11          14 1923-11-14 00:00:00      8527
8         8         8507         2018             8          20 2018-08-20 00:00:00      8527
9         9         8532         1933             2          11 1933-02-11 00:00:00      8527
10        10        8507         2010             3           7 2010-03-07 00:00:00      8527
# i more rows
# i 11 more variables: ethnicity_concept_id <int>, location_id <int>, provider_id <int>, care_site_id <int>,
#   person_source_value <chr>, gender_source_value <chr>, gender_source_concept_id <int>, race_source_value <chr>,
#   race_source_concept_id <int>, ethnicity_source_value <chr>, ethnicity_source_concept_id <int>
```

```
> colnames(cdm$person)
[1] "person_id"           "gender_concept_id"      "year_of_birth"
[4] "month_of_birth"      "day_of_birth"          "birth_datetime"
[7] "race_concept_id"     "ethnicity_concept_id"  "location_id"
[10] "provider_id"         "care_site_id"         "person_source_value"
[13] "gender_source_value" "gender_source_concept_id" "race_source_value"
[16] "race_source_concept_id" "ethnicity_source_value" "ethnicity_source_concept_id"
```

## 2. Bases de datos OMOP

- CONDITION\_OCCURRENCE: Condiciones médicas 🤒

```
> cdm$condition_occurrence
# Source:   table<main.condition_occurrence> [?? x 16]
# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@Windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\agiuliodori\AppData\Local\Temp\RtmpGeovpG\file34986b521942.duckdb]
  condition_occurrence_id person_id condition_concept_id condition_start_date condition_start_datetime condition_end_date
      <int>          <int>          <int> <date>          <dtm>          <date>
1             1             2      381316 1986-09-08      1986-09-08 00:00:00 1986-09-08
2             2             6      321042 2021-06-23      2021-06-23 00:00:00 2021-06-23
3             3             7      381316 2021-04-07      2021-04-07 00:00:00 2021-04-07
4             4             8    37311061 2021-01-08      2021-01-08 00:00:00 2021-02-13
5             5             8     437663 2021-01-08      2021-01-08 00:00:00 2021-02-13
6             6             8    4089228 2021-01-08      2021-01-08 00:00:00 2021-02-13
7             7             8     254761 2021-01-08      2021-01-08 00:00:00 2021-02-13
8             8            16      381316 2020-02-11      2020-02-11 00:00:00 2020-02-11
9             9            16      313217 2021-10-05      2021-10-05 00:00:00 2021-10-05
10            10            18      317576 1993-08-08      1993-08-08 00:00:00 1993-08-08
# i more rows
# i 10 more variables: condition_end_datetime <dtm>, condition_type_concept_id <int>, condition_status_concept_id <int>,
#   stop_reason <chr>, provider_id <int>, visit_occurrence_id <int>, visit_detail_id <int>, condition_source_value <chr>,
#   condition_source_concept_id <int>, condition_status_source_value <chr>
```



### ***3. Conexión a la base de datos***

## ***3. Conexión a la base de datos***

Conexión desde R a BBDD SIDIAP:

1. Cargar librerías
2. Conexión a la base de datos
3. Creación del objeto **cdm**

RStudio

File Edit Code View Plots Session Build Debug Profile Tools Help

Go to file/function Addins

Practica1.R

```
1 library(DBI)
2 library(RPostgres)
3 library(CDMConnector)
4
5 db <- DBI::dbConnect(
6   Rpostgres::Postgres(),
7   dbname = server_dbi,
8   port = port,
9   host = host,
10  user = user,
11  password = password
12 )
13
14 cdm <- CDMConnector::cdmFromCon(
15   con = db,
16   cdm_schema = "omop",
17   write_schema = "results"
18 )
19
20
```

Run Source

Environment History Connections Tutorial

R Global Environment

Environment is empty

Files Plots Packages Help Viewer Presentat

so\_Introduccion\_OMOP\_2025-main > Dia1 > 3\_OMOP\_con\_R

	Name	Size	M
	..		
<input type="checkbox"/>	.RData	3.1 MB	M
<input type="checkbox"/>	.Rhistory	8.2 KB	M
<input type="checkbox"/>	.Rprofile	27 B	M
<input type="checkbox"/>	2_CDMConnector.Rproj	205 B	Fe
<input type="checkbox"/>	CDMConnector_practica.html	905.9 KB	Fe
<input type="checkbox"/>	CDMConnector_soluciones.html	900.9 KB	Fe
<input type="checkbox"/>	Cohortes		

Console Terminal Background Jobs

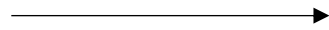
R 4.4.0 ~ /SEXUAL\_HEALTH/Preliminary\_code/

```
> class(cdm)
[1] "cdm_reference"
>
```

### ***3. Conexión a la base de datos***

Conexión desde R a BBDD SIDIAP:

1. Cargar librerías



```
library(Rpostgres)  
library(DBI)  
library(CDMConnector)
```

2. Conexión a la base de datos

3. Creación del objeto **cdm**

### ***3. Conexión a la base de datos***

Conexión desde R a BBDD SIDIAP:

1. Cargar librerías
2. Conexión a la base de datos
3. Creación del objeto **cdm**

Objeto de conexión

```
db <- DBI::dbConnect(  
  Rpostgres::Postgres(),  
  dbname = server_dbi,  
  port = port,  
  host = host,  
  user = user,  
  password = password  
)
```

Información del servidor

Credenciales

## ***3. Conexión a la base de datos***

Conexión desde R a BBDD SIDIAP:

1. Cargar librerías
2. Conexión a la base de datos
3. Creación del objeto **cdm** →

Objeto cdm

```
cdm <- CDMConnector::cdmFromCon(  
  con = db,   
  cdmSchema = "omop",  
  writeSchema = "results"  
)
```



### ***3. Conexión a la base de datos***

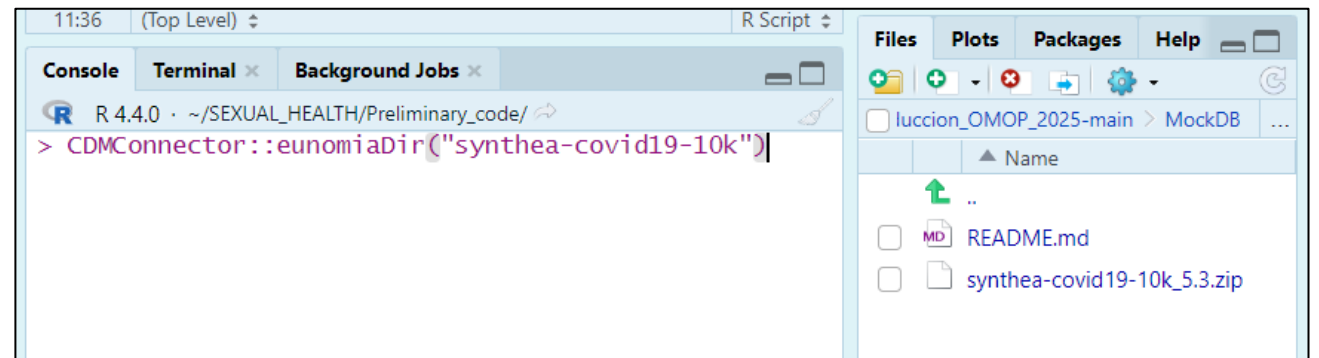
Conexión BBDD **sintética**:

1. Cargar librerías

2. Conexión a la base de datos

3. Creación del objeto **cdm**

```
# Synthetic database connection
db <- DBI::dbConnect(
  duckdb::duckdb(),
  CDMConnector::eunomiaDir("synthea-covid19-10k")
)
```




## ***3. Conexión a la base de datos***

Conexión BBDD **sintética**:

1. Cargar librerías

2. Conexión a la base de datos

3. Creación del objeto **cdm**

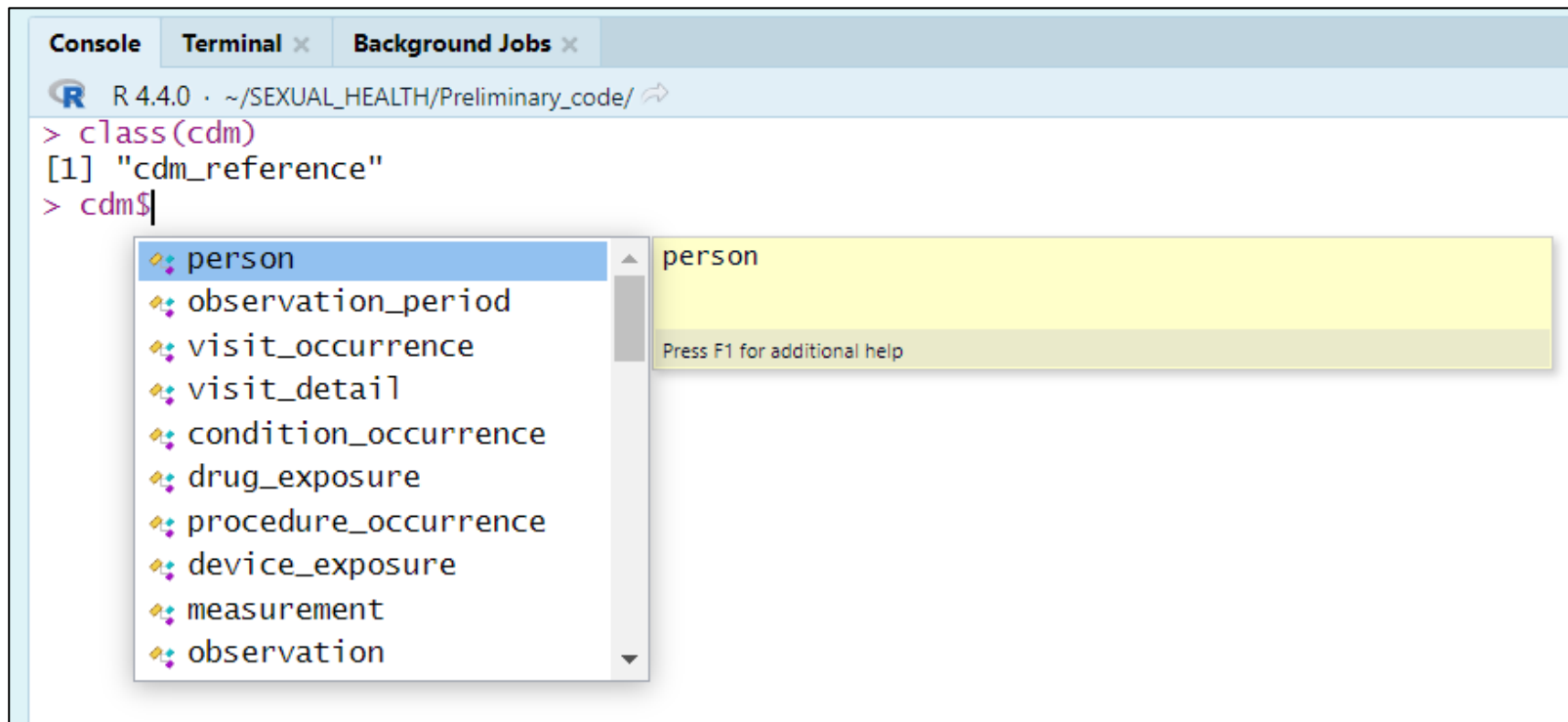


```
cdm <- CDMConnector::cdmFromCon(  
  con = db,  
  cdm_schema = "main",  
  write_schema = "main",  
  cdm_name = "SYNTHEA"  
)
```



## ***3. Conexión a la base de datos***

El **objeto cdm** contiene las tablas en formato OMOP CDM:



The screenshot shows an R console window with the following content:

```
R 4.4.0 · ~/SEXUAL_HEALTH/Preliminary_code/ ↗  
> class(cdm)  
[1] "cdm_reference"  
> cdm$
```

A dropdown menu is open, displaying a list of tables in the OMOP CDM format:

- person
- observation\_period
- visit\_occurrence
- visit\_detail
- condition\_occurrence
- drug\_exposure
- procedure\_occurrence
- device\_exposure
- measurement
- observation

To the right of the dropdown, a yellow box displays the text "person" and "Press F1 for additional help".

## ***3. Conexión a la base de datos***

El **objeto cdm** contiene las tablas en formato OMOP CDM:

```
> print(cdm)

— # OMOP CDM reference (duckdb) of Synthea
• omop tables: person, observation_period, visit_occurrence, visit_detail, condition_occurrence, drug_exposure,
procedure_occurrence, device_exposure, measurement, observation, death, note, note_nlp, specimen, fact_relationship,
location, care_site, provider, payer_plan_period, cost, drug_era, dose_era, condition_era, metadata, cdm_source, concept,
vocabulary, domain, concept_class, concept_relationship, relationship, concept_synonym, concept_ancestor,
source_to_concept_map, drug_strength, cohort_definition, attribute_definition
• cohort tables: -
• achilles tables: -
• other tables: -
```

## 3. Conexión a la base de datos

Para acceder a las tablas, se procede igual que para acceder a listas en R:

```

Console Terminal x Background Jobs x
R 4.4.0 · ~/SEXUAL_HEALTH/Preliminary_code/
> class(cdm)
[1] "cdm_reference"
> cdm$person
# Source:   table<main.person> [?? x 18]
# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@Windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\agiuliodori\AppData\Local\Temp\RtmpGeovpG\file34981cc9494d.duckdb]
  person_id gender_concept_id year_of_birth month_of_birth day_of_birth birth_datetime race_concept_id
    <int>      <int>          <int>         <int>         <int>    <dtm>          <int>
1         1         8532         1970             4          24 1970-04-24 00:00:00      8527
2         2         8532         1929             3          18 1929-03-18 00:00:00      8527
3         3         8532         1970             4           4 1970-04-04 00:00:00      8527
4         4         8507         1966             2          26 1966-02-26 00:00:00      8527
5         5         8532         1936             6          10 1936-06-10 00:00:00      8527
6         6         8507         1996             5          29 1996-05-29 00:00:00      8516
7         7         8507         1923            11          14 1923-11-14 00:00:00      8527
8         8         8507         2018             8          20 2018-08-20 00:00:00      8527
9         9         8532         1933             2          11 1933-02-11 00:00:00      8527
10        10         8507         2010             3           7 2010-03-07 00:00:00      8527
# i more rows
# i 11 more variables: ethnicity_concept_id <int>, location_id <int>, provider_id <int>, care_site_id <int>,
#   person_source_value <chr>, gender_source_value <chr>, gender_source_concept_id <int>, race_source_value <chr>,
#   race_source_concept_id <int>, ethnicity_source_value <chr>, ethnicity_source_concept_id <int>
# i Use `print(n = ...)` to see more rows

```

## ***4. Manipulación de datos con R***

## *4. Manipulación de datos con R*

- Para realizar la mayoría de las operaciones hay que usar funciones
- Todas las funciones de R están almacenadas en paquetes (R tiene unos paquetes básicos que se cargan automáticamente)
- Si queremos usar una función específica, podemos instalar el paquete que nos interesa y cargarlo:

```
install.package("nombre del paquete")  
library(nombre del paquete)
```

- Para acceder la ayuda de las funciones:

```
help(nombreFuncion)
```

## *4. Manipulación de datos con R*



dplyr

**dplyr** es una librería que nos permite transformar, filtrar, agrupar y resumir datos. Funciones principales:

- **glimpse()**: para “echar un vistazo” a un objeto.
- **filter()**: Filtra filas según condiciones.
- **select()**: Selecciona columnas específicas.
- **mutate()**: Crear nuevas columnas o modificar las existentes.
- **arrange()**: Ordena las filas por una o más columnas.
- **group\_by()**: Agrupar datos por una o más variables.
- **summarise()**: Resume datos con estadísticas (promedios, sumas, etc.)
- **tally()**: Cuenta el número de filas de una tabla

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

```
dplyr::tally(cdm$person)
```

```
> dplyr::tally(cdm$person)
# Source:   SQL [1 x 1]
# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@windows
81cc9494d.duckdb]
      n
  <dbl>
1 10754
```

```
dplyr::summarise(cdm$person, fun(var))
```

```
> dplyr::summarise(cdm$person, median(year_of_birth))
# Source:   SQL [1 x 1]
# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@windows 10 x64:R
81cc9494d.duckdb]
  `median(year_of_birth)`
      <dbl>
1          1970
```

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

```
dplyr::filter(cdm$person, year_of_birth > 2021)
```

Person_id	Sex_id	Year_of_birth	Month_of_birth	Race_concept_id
67	8532	1952	4	8527
98	8507	2022	5	8527
134	8507	1968	2	8527
235	8507	2007	12	8527
365	8532	2023	11	8527
487	8532	1998	5	8527



## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

```
dplyr::filter(cdm$person, year_of_birth > 2021)
```

Person_id	Sex_id	Year_of_birth	Month_of_birth	Race_concept_id
98	8507	2022	5	8527
365	8532	2023	11	8527

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

```
dplyr::select(  
  cdm$person,  
  c(person_id, sex_id, year_of_birth)  
)
```

Person_id	Sex_id	Year_of_birth	Month_of_birth	Race_concept_id
67	8532	1952	4	8527
98	8507	2022	5	8527
134	8507	1968	2	8527
235	8507	2007	12	8527
365	8532	2023	11	8527
487	8532	1998	5	8527

## *4. Manipulación de datos con R*



dplyr

```
dplyr::select(  
  cdm$person,  
  c(person_id, sex_id, year_of_birth)  
)
```

Person_id	Sex_id	Year_of_birth
67	8532	1952
98	8507	2022
134	8507	1968
235	8507	2007
365	8532	2023
487	8532	1998

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

Proporciona el “operador pipe” `%>%` que permite encadenar funciones:

```
dplyr::tally(
  dplyr::group_by(
    cdm$condition_occurrence,
    person_id
  )
)
```



	person_id	n
	<int>	<dbl>
1	6	1
2	8	4
3	25	1
4	40	1
5	42	3
6	47	5
7	53	2
8	58	4
9	71	2
10	74	2
# i more rows		

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

Proporciona el “operador pipe” `%>%` que permite encadenar funciones:

```
cdm$condition_occurrence %>%  
  dplyr::group_by(person_id) %>%  
  dplyr::tally( )
```



	person_id <int>	n <dbl>
1	6	1
2	8	4
3	25	1
4	40	1
5	42	3
6	47	5
7	53	2
8	58	4
9	71	2
10	74	2
# i more rows		

## *4. Manipulación de datos con R*



dplyr

**dplyr::compute()** ejecuta la consulta, y el resultado de la consulta se guarda en una tabla temporal en la base de datos.

**dplyr::collect()** ejecuta la consulta y devuelve el resultado a R. Podemos asignar `<-` el resultado de mi consulta a una variable local.

**dplyr::pull()** ejecuta la consulta y devuelve una columna específica de la tabla. Podemos asignar `<-` el resultado de mi consulta a una variable local.

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

Ejemplo 1: Asignar `<-` una consulta a una variable local sin hacer `collect()`.

```
my_var <- cdm$condition_occurrence %>%
  dplyr::filter(condition_concept_id == 37311061)
```

Practica1.R x my\_var x

Show Attributes

Name	Type	Value
my_var	list [NA x 16] (S3: cdm_table, tbl_	List of length 2
src	list [2] (S3: src_duckdb_connectic	List of length 2
lazy_query	list [12] (S3: lazy_select_query, la	List of length 12

(No selection)

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

Ejemplo 2: Asignar `<-` una consulta a una variable local haciendo **collect()**.

```
my_var_local <- cdm$condition_occurrence %>%
  dplyr::filter(condition_concept_id == 37311061) %>%
  dplyr::collect()
```

	condition_occurrence_id	person_id	condition_concept_id	condition_start_date	condition_start_datetime	condition_end_date
1	4	8	37311061	2021-01-08	2021-01-08	2021-02-13
2	13	36	37311061	2020-10-09	2020-10-09	2020-11-07
3	23	47	37311061	2020-11-26	2020-11-26	2020-12-25
4	29	52	37311061	2020-12-08	2020-12-08	2021-01-08
5	35	58	37311061	2020-07-12	2020-07-12	2020-08-02
6	46	72	37311061	2020-12-02	2020-12-02	2021-01-06





dplyr

## *4. Manipulación de datos con R*

Brinda funciones para **UNIR tablas** basadas en una o más columnas comunes entre sí.

1) **dplyr::inner\_join()** devuelve solo las filas que tienen coincidencias en ambas tablas.

2) **dplyr::left\_join()** devuelve todas las filas de la primera tabla y solo las coincidencias de la segunda.

3) **dplyr::right\_join()** devuelve todas las filas de la segunda tabla y solo las coincidencias de la primera.

4) **dplyr::full\_join()** devuelve todas las filas de ambas tablas.

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

1) **dplyr::inner\_join()** devuelve solo las filas que tienen coincidencias en ambas tablas.

CONDITION\_OCCURRENCE:

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date
1326589	67	37311061	2020-11-27
56325853	365	37311061	2021-12-01
56325665	522	37311061	2022-06-29

Diagnóstico de covid

PERSON:

Person_id	Year_of_birth	Sex_id
67	1952	8532
98	1973	8507
134	1968	8507
235	2007	8507
365	1994	8532
487	1998	8532

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

1) **dplyr::inner\_join()** devuelve solo las filas que tienen coincidencias en ambas tablas.

```
inner_join(CONDITION_OCCURRENCE, PERSON, by="person_id")
```

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date	Year_of_birth	Sex_id
1326589	67	37311061	2020-11-27	1952	8532
56325853	365	37311061	2021-12-01	1994	8532

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

2) **dplyr::left\_join()** devuelve todas las filas de la primera tabla y solo las coincidencias de la segunda.

CONDITION\_OCCURRENCE:

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date
1326589	67	37311061	2020-11-27
56325853	365	37311061	2021-12-01
56325665	522	37311061	2022-06-29

PERSON:

Person_id	Year_of_birth	Sex_id
67	1952	8532
98	1973	8507
134	1968	8507
235	2007	8507
365	1994	8532
487	1998	8532

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

2) `dplyr::left_join()` devuelve todas las filas de la primera tabla y solo las coincidencias de la segunda.

```
left_join(CONDITION_OCCURRENCE, PERSON, by="person_id")
```

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date	Year_of_birth	Sex_id
1326589	67	37311061	2020-11-27	1952	8532
56325853	365	37311061	2021-12-01	1994	8532
56325665	522	37311061	2022-06-29	NA	NA

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

3) **dplyr::right\_join()** devuelve todas las filas de la segunda tabla y solo las coincidencias de la primera.

CONDITION\_OCCURRENCE:

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date
1326589	67	37311061	2020-11-27
56325853	365	37311061	2021-12-01
56325665	522	37311061	2022-06-29

PERSON:

Person_id	Year_of_birth	Sex_id
67	1952	8532
98	1973	8507
134	1968	8507
235	2007	8507
365	1994	8532
487	1998	8532

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

3) **dplyr::right\_join()** devuelve todas las filas de la segunda tabla y solo las coincidencias de la primera.

```
right_join(CONDITION_OCCURRENCE, PERSON, by="person_id")
```

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date	Year_of_birth	Sex_id
1326589	67	37311061	2020-11-27	1952	8532
NA	98	NA	NA	1973	8507
NA	134	NA	NA	1968	8507
NA	235	NA	NA	2007	8507
56325853	365	37311061	2021-12-01	1994	8532
NA	487	NA	NA	1998	8532

## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

4) **dplyr::full\_join()** devuelve todas las filas de ambas tablas.

CONDITION\_OCCURRENCE:

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date
1326589	67	37311061	2020-11-27
56325853	365	37311061	2021-12-01
56325665	522	37311061	2022-06-29

PERSON:

Person_id	Year_of_birth	Sex_id
67	1952	8532
98	1973	8507
134	1968	8507
235	2007	8507
365	1994	8532
487	1998	8532



## 4. Manipulación de datos con R



dplyr

4) **dplyr::full\_join()** devuelve todas las filas de ambas tablas.

```
full_join(CONDITION_OCCURRENCE, PERSON, by="person_id")
```

Condition_id	Person_id	Condition concept id	Condition start date	Year_of_birth	Sex_id
1326589	67	37311061	2020-11-27	1952	8532
NA	98	NA	NA	1973	8507
56325665	522	37311061	2022-06-29	NA	NA
NA	134	NA	NA	1968	8507
NA	235	NA	NA	2007	8507
56325853	365	37311061	2021-12-01	1994	8532
NA	487	NA	NA	1998	8532

## 4. Manipulación de datos con R

### R (dplyr)

```
pacientes_select <- pacientes %>%  
  select(id, nombre, edad)
```

```
pacientes_filtrados <- pacientes %>%  
  filter(edad > 40)
```

```
pacientes_mod <- pacientes %>%  
  mutate(edad_en_meses = edad * 12)
```

dplyr::show\_query()

### SQL

```
SELECT id, nombre, edad  
FROM pacientes;
```

```
SELECT * FROM pacientes  
WHERE edad > 40;
```

```
SELECT *, edad * 12 AS edad_en_meses  
FROM pacientes;
```

## ***5. Instanciar cohortes en OMOP***

## *5. Instanciar cohortes*



**CDMConnector** es una librería que nos permite crear el **cdm** y nos proporciona funciones para crear/manipular cohortes.

```
cohortSet <- readCohortSet("path/to/cohorts")
```

```
cdm <- cdm %>%  
  generateCohortSet(  
    cohortSet,  
    name = "cohort",  
    overwrite = TRUE  
  )
```

→ **cdm\$cohort** será una tabla con:

- cohort\_definition\_id
- subject\_id
- cohort\_start\_date
- cohort\_end\_date

## 5. Instanciar cohortes



**CDMConnector** es una librería que nos permite crear el **cdm** y nos proporciona funciones para crear/manipular cohortes.

```

Console  Terminal x  Background Jobs x
R 4.4.0 · ~/CURSO_OMOP/Curso_Introduccion_OMOP_2025-main/Dia1/3_OMOP_con_R/
> cdm$cohort
# Source:   table<main.cohort> [?? x 4]
# Database: DuckDB v0.10.2 [agiuliodori@windows 10 x64:R 4.4.0/C:\Users\
p\RtmpGeovpG\file34981cc9494d.duckdb]
  cohort_definition_id subject_id cohort_start_date cohort_end_date
                <int>         <dbl> <date>          <date>
1                   1           620 2021-02-19      2021-03-01
2                   1          1455 2021-03-10      2021-03-20
3                   1          1850 2021-02-19      2021-03-01
4                   1          2254 2020-06-03      2020-06-13
5                   1          2307 2020-12-16      2020-12-26
6                   1          2648 2021-03-04      2021-03-14
7                   1          3762 2021-01-23      2021-02-02
8                   1          4198 2020-12-15      2020-12-25
9                   1          6418 2020-12-01      2020-12-11
10                  1          7518 2021-04-06      2021-04-16
# i more rows

```

## 5. Instanciar cohortes



**CDMConnector** es una librería que nos permite crear el **cdm** y nos proporciona funciones para crear/manipular cohortes.

`cohort_count(cdm$cohort)`

```
> cohort_count(cdm$cohort)
# A tibble: 3 × 3
  cohort_definition_id number_records number_subjects
      <int>           <int>           <int>
1             1             964             964
2             2             964             964
3             3              0              0
```

`settings(cdm$cohort)`

```
> settings(cdm$cohort)
# A tibble: 3 × 2
  cohort_definition_id cohort_name
      <int>   <chr>
1             1 covid19_diagnosis
2             2 covid19_diagnosis_positive_test
3             3 covid19_positive_test
```

`cohort_attrition(cdm$cohort)`

```
> cohort_attrition(cdm$cohort)
# A tibble: 6 × 7
  cohort_definition_id number_records number_subjects reason_id reason excluded_records excluded_subjects
      <int>           <int>           <int>   <int>   <chr>           <int>           <int>
1             1             964             964     1 Qualifying initial records             0             0
2             1             964             964     2 6 week wash-out             0             0
3             2             964             964     1 Qualifying initial records             0             0
4             2             964             964     2 6 week wash-out             0             0
5             3              0              0     1 Qualifying initial records             0             0
6             3              0              0     2 6 week wash-out             0             0
```



## ***6. PRÁCTICA DÍA 1***

### **OMOP con R**

*Introducción al uso de OMOP en R*

# *Ejercicios prácticos*

## **Objetivo principal**

Conectarse a la base de datos e instanciar una cohorte con los .JSON de COVID.

## **Objetivos secundarios**

Familiarizarse con el entorno Rstudio - SQL - OMOP.

- Entender cómo se trabaja con datos en SQL desde R.
- Familiarizarse con el formato de las tablas del schema cdm.
- Familiarizarse con la estructura de las cohortes.



# *Ejercicios prácticos*

## Buenas prácticas:

Recordar borrar tablas intermedias de la base de datos:

```
DBI::dbRemoveTable(db, "my_cohort")
```

Recordar desconectarnos:


```
CDMConnector:: cdmDisconnect(cdm)
```


```
DBI::dbDisconnect(db)
```


# *Ejercicios prácticos*


**Paso 1.** Acceder a la subcarpeta del Dia1 llamada “3\_OMOP\_con\_R”.

 Cohortes Carpeta con las cohortes .json

 2\_CDMConnector Proyecto R

 CDMConnector\_practica Enunciado práctica

 CDMConnector\_soluciones Soluciones práctica

 InteraccionOMOPenR Esta presentación

## Ejercicios prácticos

**Paso 2.** Abrir el proyecto R llamado “2\_CDMConnector.Rproj

The screenshot shows the RStudio interface with the following steps highlighted:

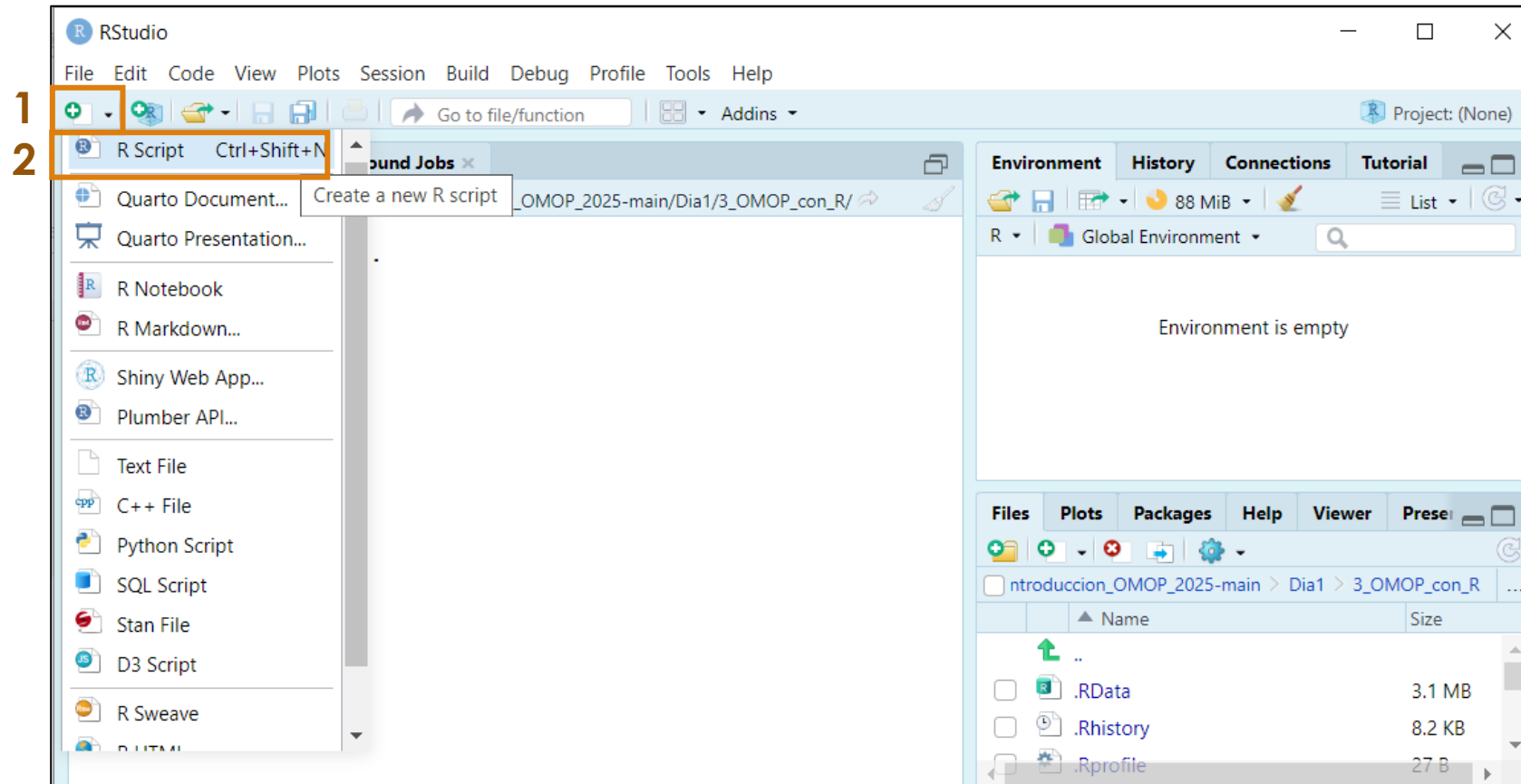
1. Click on the 'Project: (None)' dropdown menu in the top right corner.
2. Click on 'Open Project...' in the dropdown menu.
3. In the file explorer, select the file '2\_CDMConnector.Rproj'.

The file explorer shows the following files and folders:

Nombre	Fecha de modificación	Tipo	Tamaño
Cohortes	28/02/2025 15:42	Carpeta de archivos	
renv	04/03/2025 16:45	Carpeta de archivos	
.RData	04/03/2025 16:46	R Workspace	3.174 KB
.Rhistory	04/03/2025 16:46	Archivo de origen ...	9 KB
.Rprofile	04/03/2025 16:45	Archivo de origen ...	1 KB
2_CDMConnector.Rproj	26/02/2025 12:32	Archivo RPROJ	1 KB
CDMConnector_practica.html	26/02/2025 12:32	Chrome HTML Do...	906 KB
CDMConnector_soluciones.html	26/02/2025 12:32	Chrome HTML Do...	901 KB
InteraccionOMOPenR.pptx	26/02/2025 12:32	Presentación de ...	806 KB

## *Ejercicios prácticos*

**Paso 3.** Abrir un *script* en el cual desarrollaremos la práctica.



## *Ejercicios prácticos*

**Paso 4.** Abrir la práctica (CDMConnector práctica) y realizar los ejercicios.

### CDMConnector - práctica

Iniciación práctica en el análisis de datos OMOP

AUTHOR  
Real World Epidemiology

AFFILIATION  
IDIAP Jordi Gol

#### Objetivo

El objetivo de esta práctica es conectarse a una base de datos sintética en formato *OMOP*, e instanciar cohortes previamente generadas en ATLAS y guardadas en formato *.json*. Además, durante esta actividad, se destacan algunas particularidades de trabajar con bases de datos SQL mediante RStudio, y se presentarán buenas prácticas en este contexto.

#### ¿Cómo funciona?

En este fichero encontraréis una serie de ejercicios que os proponemos, acompañados de teoría y pistas para su resolución. Podéis crear un *script* R en el mismo directorio en el que está este fichero, e ir resolviéndolos en el *script*. En cada ejercicio hay pistas, puesto que el curso es abierto a muchos perfiles y habrá gente que necesitará indicaciones sobre programación en R, otras sobre dónde encontrar las cosas en OMOP, y otras con todo. Además, en este mismo directorio, hay un fichero adicional con las soluciones a los ejercicios, para poder autocorregiros la práctica. Si tenéis cualquier duda preguntad a los docentes de apoyo en las prácticas, e ¡intentad utilizar las soluciones tan solo para corregir!

#### Paquetes R

En primer lugar, añadiremos el paquete CDMConnector. Para instalarlo, deberás ejecutar:

Table of contents

[Objetivo](#)

[¿Cómo funciona?](#)

[Paquetes R](#)

[Conexión](#)

[Instanciar cohortes](#)

[SQL i R](#)

[Ejercicios extra](#)

*Gracias*

Agustina Giuliadori  
[agiuliadori@idiapjgol.org](mailto:agiuliadori@idiapjgol.org)

Real-World Epidemiology (RWEpi) Group