Kortikal Plastisitenin Aday Biyobelirteçleri: Fare korteksinde miRNA-hedef etkileşimleri

O. Batuhan Erkat

Bilkent Üniversitesi, Nörobilim Lisansüstü Programı Aysel Sabuncu Beyin Araştırmaları Merkezi

GİRİŞ VE METOTLAR

miRNA'lar, hücrelerin fonksiyonel çıktısını etkileyen küçük kodlamayan RNA'lardır. Birçok çalışmada monoküler deprivasyon paradigmasıyla yapılan çalışmalarda, talamokortikal yolağın ve görsel korteksin kısa ve uzun vadede bazı değişikliklere uğradığı gösterilir. Kısa vadede ışık girdisi kesilen gözün alıcı bölgelerinde bu göze bağlı devrelerin elimine edildiği, uzun vadede ise girdi alan gözün devrelerinin güçlendiği ve ipsilateral bölgede yeni bağlantılar oluşturduğu bilinmektedir. Bu yeniden yapılanma sürecinde inaktif bölgeler aktif devrelere tahsis edilmektedir (Şekil 1).

Veri Setleri

GEO GSE4537 (Tropea vd, 2006):

- Affymetrix platformu, normalize edilmiş seri matrisleri
- P27'de alınmış 3 normal yetişen (NR), 3 tamamen karanlık ortamda yetişmiş (DR), 6 tek gözü kapalı (MD) koşulunda yetişen fare örneği

GEO GSE31536 (Mellios vd, 2011)

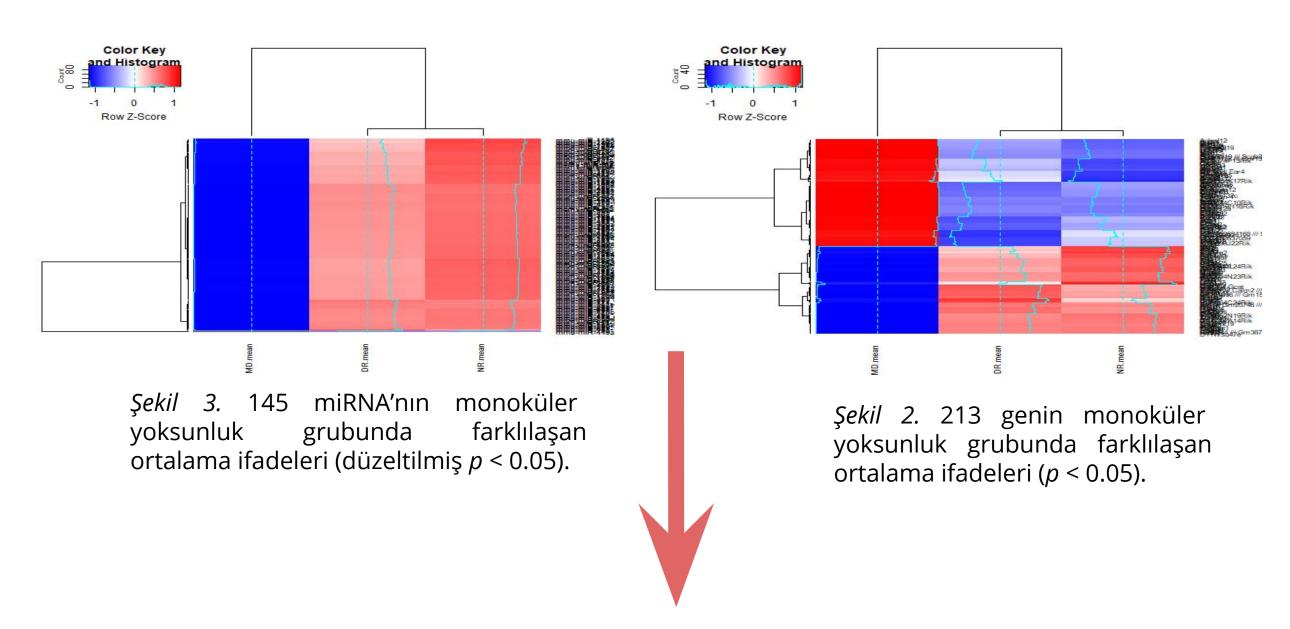
- Agilent platformu, normalize edilmiş seri matrisleri
- P28'de alınmış 3 NR, 3 DR, 3 MD koşulunda yetişen fare örneği

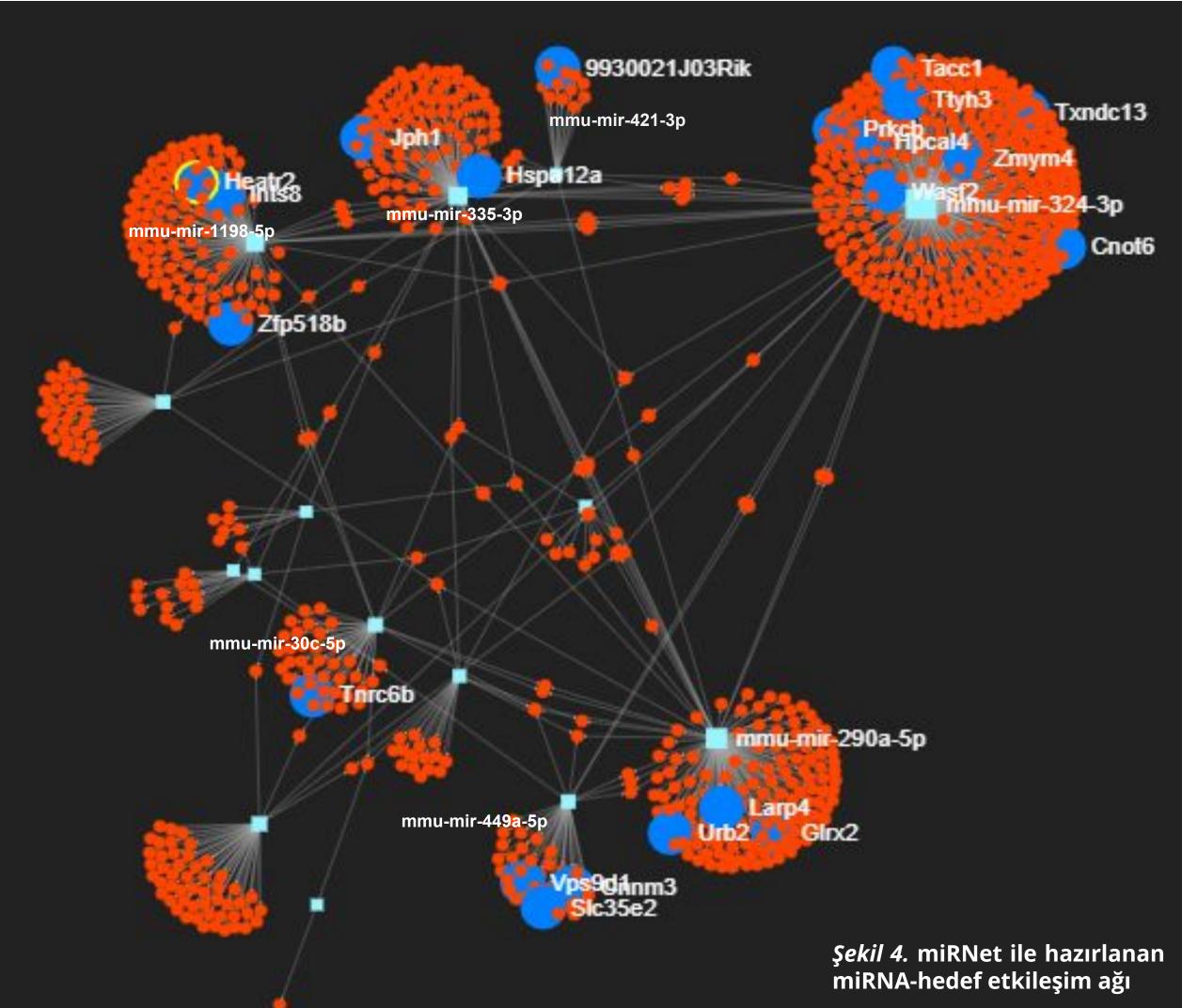
Şekil 1. Monoküler yoksunluk sırasında talamokortikal yolaklarda beklenen değişiklikler (Coleman vd., 2010)

Analizler

- Normalize edilmiş gen ve miRNA değerlerine R'da Bioconductor'ün Limma paketiyle lineer ve eBayes modelleri oturtuldu. Kontrast matrisi: MD-DR, MD-NR ve DR-NR.
- P-değeri filtrelemesiyle grupların ortalama ifade değerleriyle ısı haritaları oluşturuldu (Şekil 2 ve 3).
- 145 miRNA liste halinde mirNet'e girildi. miRNA-hedef etkileşimleri ağı ile mümkün olan tüm etkileşimler incelendi, limma ile bulunan genlerden ağda tekrar edenler seçildi.
- Ağ genlerinin ısı haritası oluşturuldu ve üzerlerinde KEGG, GO Reactome ile fonksiyonel ve notlandırmalar yapıldı.

BULGULAR VE SONUÇLAR





Sonuçlar

- miRNet ağ haritası 20 miRNA ve 1068 hedefin etkileştiğini göstermektedir (Şekil 4). Hedef genlerin 21'i MD grubunda farklılık göstermiştir (Şekil 5).
- Bu 21 gene KEGG Pathway, Reactome ve GO BP ile işlevsel notlandırma yapılmıştır (Tablo 1, 2 ve 3). Bulunan sinyal yolakları ve biyolojik süreçler monoküler yoksunluk paradigması altında beklenen plastisite süreçleri ile bağlantılıdır.
- Pinaud ve Arckens'in (2006) plastisitede gen ifadesi ile ilgili bölümlerinde cAMP, MAPK/ERK ve TrkA yolakları ve bazı çözünür faktörler plastisiteyle ilişkilendirilmiştir. Bu yolaklar ve akson kılavuzluğunda rol alan Wnt ile ilişkili genler bulunmuştur.

Color Key and Histogram Row Z-Score Vps9d1 Glrx2 Slc35e2 Larp4 Zmym4 Wasf2 Tnrc6b Cnnm3 Tox4 Hspa12a Zfp518b Ttyh3 Hpcal4 Cnot6 Heatr2 Urb2 Prkcb Tacc1 9930021J0: Txndc13 Ints8 Şekil 5. miRNet ağında tekrar eden deprivasyon grubunda farklılaşan genlerin ifade ortalamaları Bulunan miRNA'lar

mir-324-3p

İskemi sonrasında iyileşme sırasında azaldığı ve arc üretimini inhibe ettiği gözlemlenmiştir (Felling vd, 2015).

• mir-421-3p

Nöral farklılaşma düzenleyicisi olduğu bulunmuş ve BMP sinyal yolağı ile rekabet ettiği gösterilmiştir (Hadjimichael vd, 2016).

• mir-335-3p

Proliferasyonu etkileyen bir faktör olarak kabul edilmiştir (Meyer vd, 2015).

• mir-290a-5p

Embriyonik kök hücre pluripotensi ve hücre regülasyonu döngüsü ile farklılaşma süreçleriyle ilişkili olduğu gösterildi (Lichner vd, 2011).

mir-449a-5p

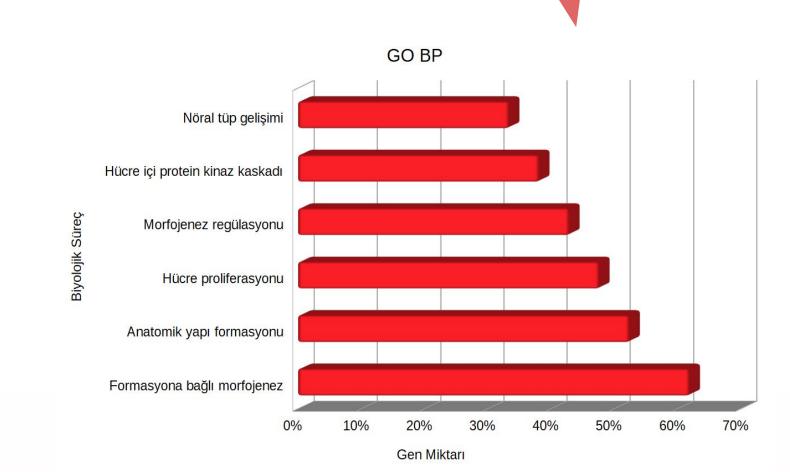
Siliogenez ile ilişkili olduğu gösterildi. Ablasyon uygulandığında hücre döngüsü çıkışını engellediği gösterilmiştir (Otto vd, 2017).

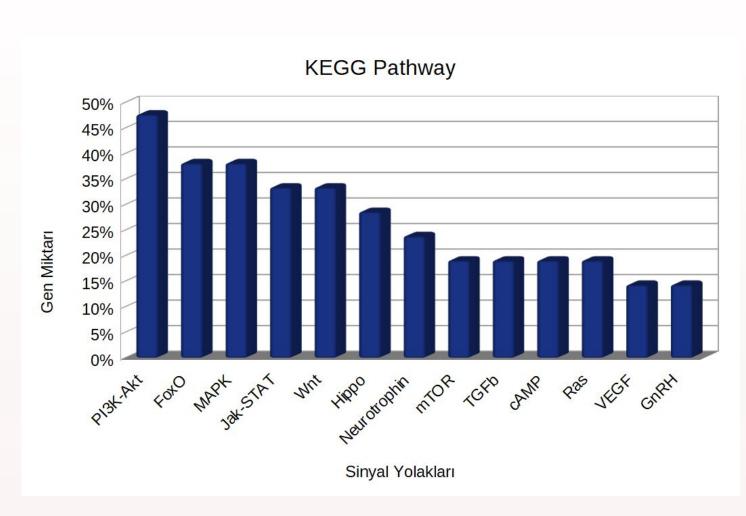
mir-30c-5p

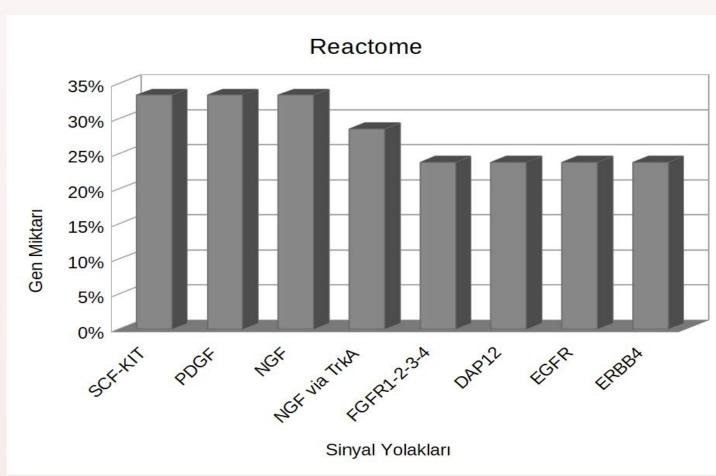
Subventriküler bölgeler erişkin nörojenezi ile ilişkili olduğu gösterilmiştir (Sun vd, 2016).

• mir-1198-5p

Üzerinde deneysel bir araştırma yok ama ifadesinin erken gelişim sırasında arttığı görülmüştür (Zheng vd, 2011).







Tablo 1, 2 ve 3. Monoküler yoksunluk sırasında belirlenen 21 genin işlevsel notlandırmaları



katkıları ve süpervizyonları için çok teşekkür ederim.