

Tablo 1. Derin öğrenme yöntemleri ve kullanım alanları

Derin Öğrenme Yöntemleri	Derin Öğrenme Yöntemlerinin Kullanıldığı Alanlar
Boltzmann makinesi	Sınıflandırma ve en iyileme
Derin inanç ağları	Sınıflandırma, robotik ve bilgisayar görüşü
Derin ileri beslemeli ağlar	Regresyon, sınıflandırma, tahmin, robotik ve bilgisayar görüşü
Evrişimli sinir ağları	Regresyon, sınıflandırma, robotik ve bilgisayar görüşü
Yinelemeli sinir ağları	Regresyon, sınıflandırma, tahmin, robotik ve bilgisayar görüşü

Derin öğrenmenin birçok alanda uygulamaları vardır. Görüntü ve ses senkronizasyonu [25], fotoğraf çözünürlüğünü artırma [26], gerçek zamanlı kişi konum analizi [27], fotoğraf açıklama [28], fotoğraftaki insanların bakışlarında değişiklik yapma [29], gerçek zamanlı davranış analizi [30], fotoğraflardan yeni fotoğraf oluşturma [31], galaksi ve yanardağ resimleri oluşturma [32, 33] görüntü alanındaki derin öğrenme çalışmalarına örnek verilebilmektedir. Bununla birlikte farklı diller arasında çeviride de derin öğrenme kullanılmaktadır [34]. Biyoloji alanında ise balina ve plankton sınıflandırması için de derin öğrenme kullanılmaktadır [35-38]. Yeni görüntüler oluşturma [39], fotoğraf ve videolardan metin okuma [40] gibi alanlarda da derin öğrenme kullanılmaktadır. Bilgisayar oyunları[41], otonom araçlar[42] ve robotik [43,44] de derin öğrenmenin kullanıldığı alanlardır. Nesne tanıma [45], demografik yapının tahmini [46] ve seçim sonuçlarının tahmini [47] alanlarında da derin öğrenme uygulanmaktadır.

2.2.1. Sağlık Alanında Kullanılan Derin Öğrenme Yöntemlerinin Kullanım Alanları

Bu bölümde sağlık alanında kullanılan derin öğrenme yöntemlerinin kullanım alanları açıklanarak, bu alanlarda yapılan çalışmalar incelenmiştir.

2.2.1.1. Biyoinformatik Alanında Kullanılan Derin Öğrenme Yöntemleri

Derin öğrenme yöntemleri, kanser teşhisini, gen seçimi ve sınıflandırması, gen çeşitliliği, ilaç tasarımları, bileşim protein etkileşimi, RNA ile protein ilişkisi ve DNA metilasyonu gibi biyoinformatik uygulamalarında kullanılmaktadır. Tablo 2'de biyoinformatik uygulamalarında kullanılan derin öğrenme yöntemleri ve hangi alanda kullanıldıkları gösterilmiştir.

Tablo 2. Biyoinformatik alanında kullanılan derin öğrenme yöntemleri

Biyoinformatik Uygulamaları	Uygulanan Derin Öğrenme Metotları
Kanser teşhisini Gen seçimi ve sınıflandırması Gen çeşitliliği	Derin oto-kodlayıcılar Derin inanç ağları Derin sinir ağları
İlaç tasarımları Bileşim-protein etkileşimi RNA ile protein ilişkisi DNA metilasyonu	Derin sinir ağları Derin sinir ağları Derin inanç ağları

Sağlık alanında 2013 yılında Fakoor ve ark.nın gen çıkarımı verilerini kullanarak farklı kanser türlerini belirlemek, kanser tanısını ve sınıflandırmasını geliştirmek için derin öğrenme yöntemlerinden DOK yöntemini kullandıkları bilinmektedir. Yaptıkları çalışmada danişmansız özellik öğrenimi yöntemini kullanarak özellik çıkarımı için boyut azaltımı temelli bir yaklaşım belirlemişlerdir [48].

Ibrahim ve ark. [49] elde ettiği deneysel sonuçlar, yaklaşımın hepatoselüler karsinoma (HCC) klasik özellik seçim yöntemlerini % 9, akciğer kanseri % 6 ve meme kanserinde F1 ölçümünde % 10'dan daha iyi bir performans gösterdiğini söylemişlerdir.

Khademi ve ark.nın göğüs kanserinin genetik teşhisini için yaptıkları çalışmada, mikro dizilimli verilerden özellik çıkarmak ve eksik özelliklerini uyarlamak ve gürültüyü gidermek için DIA ile olasılıksal grafiksel modellerden olan Bayes ağlarını birleştirmiştir [50]. Tip uygulamalarında tahmin modelleri oluşturmak için uygun olan meme kanseri prognозu ve tanısı için olasılıksal bir grafik modeli (PGM) önermiştir. Kanserin temelde genetik bir hastalık olduğunu, mikro dizi ve klinik verilerin entegrasyonu, bir öngörü modelinin doğruluğunu artırabileceğini ifade etmiştir. Bununla birlikte, mikro dizi verileri yüksek boyutlu olduğundan, genomik değişkenler de dahil olmak üzere, boyut ve küçük örneklem büyütüğü problemlerinden dolayı yapı ve parametre öğrenmede zayıf sonuçlara neden olabileceği belirtmiştir. Bu problemi, manifold öğrenme ve mikro dizi verisine DIA uygulayarak ele almışlardır. Klinik verilere yapı öğrenme algoritması uygulayarak klinik modelin yapısını otomatik olarak çıkartmışlar ve daha sonra, bu iki modeli softmax düğümlerini kullanarak entegre etmiştir. METABRIC ve NKI gibi gerçek dünya veri tabanlarını kullanan kapsamlı deneyler, tümörleri sınıflandırmak ve rekurrens ve metastaz gibi olayları tahmin etmek için destek vektör makineleri (SVM'ler) ve k-en yakın komşuluk (k-nn) sınıflandırıcılarına kıyasla umut verici sonuçlar verdiği ifade etmiştir.

Quang ve ark. [51] genetik varyantların patojenitesini açıklamak için derin öğrenme yaklaşımı kullandıkları çalışmalarda lojistik regresyon, destekli vektör makinesi ve derin sinir ağlarından oluşan 3 farklı modeli karşılaştırmışlardır. Sonuçta SVM, LR ve DSA modellerinin sınıflandırma doğrulukları sırasıyla % 58, 2, % 59, 8 ve % 66, 1'dir. Buna rağmen DSA'nın doğruluğunun lineer olarak yetersiz olduğunu iddia etmiştir. İddialarına dayanak olarak da eğitim verilerinin yanlış etiketlenmiş numuneler ile