

logo

TTTTTATAAAATTTGTTTGGGGTGTAGGGATAGGGGGTGTGTTGGGGAGGGCAAGGCAGTTAATTAAAGGCAGCTGCCAGGAGGTCTCCCTCCAAACTCTACAAAGCTTTATCAGCTTGGAGG

Proband

TTTTTTATAAAATTTGTTTGGGGTGTAGGGATAGGGGGTGTGTTGGGGAGGGCAAGGCAGTTAATTAAGGCAGCTGCCAGGAGGTCTCCCTCCAAACTCTACAAAGCTTTATCAGCTTGGAGG

RefSeq

.....

120

0

logo

TAC TTC TAATACCA TTTCC TTTCA TTG TTTCC TTTGG TAA TTTAAAAGGAGGCCAATCCCCG TTTGTGGCAGCTCACAGCTATTGTGGTGGGAAAGGGAGGGTGGTTGGTGGATGTCACA

Proband

TAC TTC TAATACCA TTTCC TTTCA TTG TTTCC TTTGG TAA TTTAAAAGGAGGCCAATCCCCG TTTGTGGCAGCTCACAGCTATTGTGGTGGGAAAGGGAGGGTGGTTGGTGGATGTCACA

RefSeq

.....GTGGCAGCTCACAGCTATTGTGGTGGGAAAGGGAGGGTGGTTGGTGGATGTCACA

240

55

logo

GCTTGGGC TTTATCTCCCCAGCAGTGGGGACTCCACAGCCCCCTGGGCTACATAACAGCAAGACAGTCCGGAGCTGTAGCAGACCTGATTGAGCC TTTGCAGCAGCTGAGAGCATGGCCT

Proband

GCTTGGGC TTTATCTCCCCAGCAGTGGGGACTCCACAGCCCCCTGGGCTACATAACAGCAAGACAGTCCGGAGCTGTAGCAGACCTGATTGAGCC TTTGCAGCAGCTGAGAGCATGGCCT

RefSeq

GCTTGGGC TTTATCTCCCCAGCAGTGGGGACTCCACAGCCCCCTGGGCTACATAACAGCAAGACAGTCCGGAGCTGTAGCAGACCTGATTGAGCC TTTGCAGCAGCTGAGAGCATGGCCT

360

175

logo

AGGGTGGGCGGCACCA TTGTCCAGCAGCTGAG TTTCCCAGGGACCTTGGAGATAGCCGCAGCCCTCATTTGCAGGGGAAGGTATGGCC TTTGGAAGGAGAGCTGGCTCAGTTGTGGGAGG

Proband

AGGGTGGGCGGCACCA TTGTCCAGCAGCTGAG TTTCCCAGGGACCTTGGAGATAGCCGCAGCCCTCATTTGCAGGGGAAGGTATGGCC TTTGGAAGGAGAGCTGGCTCAGTTGTGGGAGG

RefSeq

AGGGTGGGCGGCACCA TTGTCCAGCAGCTGAG TTTCCCAGGGACCTTGGAGATAGCCGCAGCCCTCATTTGCAGGGGAAG.....

480

255

logo

AAGATGCTAGGACTGACTGATCCCTGCATAGAAGATAAGCCAGTCG

Proband

AAGATGCTAGGACTGACTGATCCCTGCATAGAAGATAAGCCAGTCG

RefSeq

.....

526

255

☐ non conserved

☒ ≥ 50% conserved