| logo<br>Proband   | CTTCCGTAACATGCTATGGGGGTGAGAGGCCTGGAAGCCTGAAGACAGAGGGGAGCAGTCAGAGTGGGCACGAGAGGCTCAGGCTGTGGCATGGCTGGTGAGATGATGCACCGGTGGGA                          | 120        |
|-------------------|--|------------|
| RefSeq            |  | 0          |
| logo              | CCTGCCCTGGGTAGACCCCTTTGATGTTCCTTTTCAGGCCCAG   G   GCCC   GC   A   GGAG   A   AGGCAG   G   G   CCCC   GCGCCAGGACC   GCCAGAGCC   GCACA   CAA   GAA | 0.40       |
| Proband<br>RefSeq | CCTGCCCTGGGTAGACCCCTTTGATGTTCCTTTTCAGGCCCAGTGTGCCCTGCTGGTATGGAGTATAGGCAGTGTGTGT  | 240<br>83  |
| logo              | ATGTGTCAGGAGGGATGGGTGGATGGCTGCCCTGGTAATGAACTTCCCACTTTATTTA   |            |
| Proband<br>RefSeq | ATGTGTCAGGAGCGATGCGTGGATGGCTGCCCTGGTAATGAACTTCCCACTTTATTTA   | 360<br>123 |
| logo              | GTGTTTGCTCAAACTCCGTTCTCCGTAGGTGTTCGTTCCCCTGCTGTCGTGACATACAT  |            |
| Proband<br>RefSeq | GTGTTTGCTCAAACTCCGTTCTCCGTAGGTGTTCCCCTGCTGTCGTGACATACAT  |            |

 $\overline{X}$  non conserved  $\overline{X}$   $\geq 50\%$  conserved