logo	GTTATTTCCAGGCTTGTAAGCACCAAAGGCCATGCCAGCCCTCGCCCAGCCCTCCCACCTGCACACAAGGTGCCAGCATACCAGGTGCAGGGGAGAGGGTGGGGATCTGCAGCCCCTCTC	
Proband RefSeq	GTTATTTCCAGGCTTGTAAGCACCAAAGGCCATGCCAGCCCTCGCCCAGCCCTCCCACCACCACGCACCACGCAGCATACCAGGTGCAGGGGAGAGGGTGGGGGATCTGCAGCCCTCTC	120 0
logo	CGGAGCAGCACCTCTGCAGCACCAGGTCAGGAGCCTCTCGGGGGAGCGTCTCAAAGTCCTGGATGAGGATAGGGGCATTGGGCCAGCCGATCCTCTCCAGCTCCTGCACGTTGGCATTAG	
Proband RefSeq	CGGAGCAGCACCTCTGCAGCACCAGGTCAGGAGCCTCTCGGGGGAGCGTCTCAAAGTCCTGGATGAGGATAGGGGCCATTGGGCCAGCCGATCCTCCCAGCTCCTGCACGTTGGCATTAG	240 0
logo	GGCCCACTCCAATGGGCACCACCTGGATGTCTCCAGGCAGCCTCTTGATCTCATCAGAGGCAGGATTTCCGGTGACCATGTAGACCAGGTTGGGCGCCTCCCCGGTCACCCTGGCTGA	
Proband RefSeq	GGCCCACTCCAATGGGCACCACCTGGATGTCTCCAGGCAGCCTCTTGATCTCATCAGAGGCAGGATTTCCGGTGACCATGTAGACCAGGTTGGGCGCCTGCTCCCGGTCACCCTGGCTGA	360 0
logo	CCAAGAAGCTGTGGTCAGAGAGGTACCGCAGGGCCAGCCCAGTGTTGGTCCTGTTGCCGCCCTGGTAGCGGATCTCTCGCACCCGCTGCAGGATGTCCCCTTTGGACTGTGCCTCGCTGA	
Proband RefSeq	CCAAGAAGCTGTGGTCAGAGAGGGTACCGCAGGGCCCAGTGTTGGTCCTGTTGCCGCCCTGGTAGCGGATCTCTCGCACCCGCTGCAGGATGTCCCCTTTGGACTGTGCCTCGCTGA	480 0
logo	AGGGGTACTCCACAGTCACCATGTAGGAGTACTGCAGCACCGTGACGTGGATGCTGTCCTGGCCCACATCCATC	
Proband RefSeq	AGGGGTACTCCACAGTCACCATGTAGGAGTACTGCAGCACCGTGACGTGGATGCTGCTGCCCACATCCATC	600 40
logo	CTCACCAATTTTGTCCGATCCTTCCAGGACGAACGCCACATCCAGAACCATGGAGTTCCTCTTGGGCCCCAGGGTCGAAACCCCCAAGAGCCCCGGGCCCACAGTGACTTGTGCCATGTCCCAATTTTTGTCCGATCCTTCCAGGACGCACATCCAGAACCATGGAGTTCCTCTTGGGCCCCAGGGTCGAAACCCCCAAGAGCCCCGGGCCCACAGTGACTTGTGCCATGTCCCATGTTCTCCCAGAACCCCCAAGAGCCCCGGGCCCACAGTGACTTGTGCCATGTCCCATGTCCCATGTCCCAGAACCCCCAAGAGCCCCGGGCCCACAGTGACTTGTGCCATGTCCCCATGTCCCCATGTCCATGTCCATGTCCCATGTCCCATGTCCCATGTCCCATGTCCATGTCCCATGTCCATGTCCCATGTCCATGTCCCATGTCCATGTCCCATGTCCATGTCCCATGTCCATGTCCCATGTCCATGTCCCATGTCCATGTCCATGTCCATGTCCATGTCCCATGTCATGTCCATGTCATGTCCATGTCATGTCCATGTCATGTCCATGTCATGTCATGTCATGTCATGTCATGTCCATGTCA	
Proband RefSeq	CTTCACCAATTTTGTCCGATCCTTCCAGGACGAACGCCACATCCAGAACCATGGAGTTCCTCTTGGGCCCCAGGGTCGAAACCCCCCAAGAGCCCCGGGCCCACAGTGACTTGTGCCATGT CCCTCATTTTGCCAG	720 55
logo	CGGGGGGCAGAGTAGGAGGAGGGGCTTCAGGGGCAAGGTCACAGAGGTAGCTAACGATCTCGTCCCTTTGCTGCTCCAGCTCATCCACACTGCTCAGCACGAAAGGCCTTGTTTCTCAAG	
Proband RefSeq	CGGGGGGCAGAGTAGGAGGAGGGGCTTCAGGGGCAAGGTCACAGAGGTAGCTAACGATCTCGTCCCTTTGCTGCTCCAGCTCATCCACACTGCTCAGCACGAAAGGCCTTGTTTCTCAAG	840 55
logo	GGCCTGCTTTCTCGATGAGGCAGGATCTGCTTGAGGTTGGCATGGGGCCCAATGCCCAACCGGGATCACAATGACCTTCTTCTTCAGGGCCCTGGACGTAGCGGGACAAAGTCCCGG	
Proband RefSeq	GGCCTGCTTTCTCGATGAGGCAGGATCTGCTTGAGGTTGGCATGGGGCCCAATGCCCAACCGGGATCACAATGACCTTCTTCTTCAGGGCCCTGGACGTAGCGGGACAAAGTCCCGG	960 55

logo Proband GGACATAG RefSeq 968 55

 \overline{X} non conserved \overline{X} $\geq 50\%$ conserved