## Exercício 4 - SVM

Rodrigo Machado Fonseca - 2017002253

November 20, 2021

# 1 Introdução

Neste exercício vamos aplicar o classificador SVM na resolução de um problema de classificação. Para isso será utilizado o conjunto de dados espiral do pacote *mlbench*. Deveremos treinar uma SVM para separar as duas classes de amostras, verificar o hiperplano de separação gerado e testar o classificador para um conjunto de teste.

## 2 Support Vector Machine - SVM

Support Vector Machine (SVM) é um algoritmo de aprendizado de máquina supervisionado que pode ser usado para desafios de classificação ou regressão.

No caso de classificação trata-se de um problema multi-objetivo que minimiza o erro e maximiza a margem. Esse algoritmo, resolve apenas problemas lineares, porém, com a incorporação das funções de kernel é possível mapear as amostras em um espaço de dimensões N que este torna-se linearmente separável. O problema resume as seguintes equações:

Dados o parâmetro C e a matriz Z, encontre Multiplicadores de Lagrange  $\alpha_i$  que minimiza a função

$$W(\alpha) = \sum_{i=1}^{N} \alpha_i - 0.5 * \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j K(x_i, x_j, z).$$
 (1)

e que satisfaçam as seguintes restrições:

- $\bullet \ \sum_{i=1}^{N} \alpha_i = 0$
- $0 \le \alpha_i \le C$

A formulação de um SVM com margens flexíveis conforme descrita na equação anterior possui função de custo convexa e restrições lineares, o que garante a existência de um mínimo global. Para que o problema seja solucionado precisamos fornecer, a priori, um determinado K e C. A condição de atingir o mínimo global depende desses parâmetros. Para atingirmos o mínimo global é necessário buscar K's e C's, de forma discreta, com o intuito que um satisfaça essa condição. Ao fazermos a busca não há garantia que atingiremos o mínimo global.

### 3 Metodologia

A priori, carregou-se a base de dados mlbench.spirals, e foram guardados os valores de x e de y. Em sequência, separou-se 70% do conjunto de dados para teste e 30% para treinamento.

```
> rm(list = ls())
> library(mlbench)
> library('RSNNS')
> library('kernlab')
> data <- mlbench.spirals(500, sd = 0.05)</pre>
> x <- cbind(as.matrix(data[["x"]]))</pre>
> y <- sign(as.matrix(as.numeric(data[["classes"]]))-1.5)</pre>
> set.seed(13)
> index <- sample(1:nrow(x), length(1:nrow(x)))</pre>
> x \leftarrow x[index, 1:ncol(x)]
> y \leftarrow y[index,1]
> training_sample_number = round(nrow(x)*0.7)
> x_train <- x[1:training_sample_number,]</pre>
> y_train <- y[1:training_sample_number]</pre>
> x_test <- x[(training_sample_number+1):nrow(x), ]</pre>
> y_test <- y[(training_sample_number+1):nrow(x)]</pre>
```

Em seguida, utilizou-se a função ksvm para construir o classificador SVM. Vale ressaltar que foram escolhidos como parâmetros dessa função o kernel "C-bsvc" e os parâmetro "kpar" e "C" foram escolhidos de forma arbitrária.

#### Introdução ao Reconhecimento de Padrões - UFMG Belo Horizonte - November 20, 2021

```
> training_svm <- function(x_train, y_train, x_test, y_test, r, C_par){</pre>
    best_accuracy <- 0
    best_value <- 0
    accuracy_list <- c()</pre>
    for(i in 1:length(r)){
      svm <- ksvm(x_train,y_train,type='C-bsvc',</pre>
                   kernel='rbfdot',
                   kpar=list(sigma=r[i]),
                   C=C_par[i])
      y_hat <- predict(svm, x_test)</pre>
      accuracy <- 1 - (t(y_test - y_hat) %*% (y_test - y_hat))/length(y_test)
      accuracy_list <- c(accuracy_list, accuracy)</pre>
      if(accuracy > best_accuracy){
        best_accuracy <- accuracy
        svm_salve <- svm
        best_value <- i
      }
+
    return(list(svm_salve, accuracy_list, best_value))
```

Para a realização dos testes, foi utilizada a função *predict* para obter os rótulos das amostras de teste. Em seguida, comparou-se os rótulos obtidos com os rótulos originais da amostra. Essa comparação foi feita por meio do cálculo da acurácia. Os resultados obtidos serão mostrados na seção seguinte.

### 4 Resultados

Os valores "kpar" e "C" utilizados para encontrar um mínimo global correspondem a "r" e "C\_par" no seguinte trecho de código:

```
> r <- c(0.1, 0.1, 0.1, 1.5, 1.5, 1.5, 0.2, 0.2, 0.2)
> C_par <- c(10, 100, 1000, 10, 1000, 10, 1000, 1000)
> results <- training_svm(x_train, y_train, x_test, y_test, r, C_par)
> svm <- results[[1]]
> accuray_list <- results[[2]]</pre>
```

Para o treinamento obtivemos os seguintes valores de acurácia:

#### Introdução ao Reconhecimento de Padrões - UFMG Belo Horizonte - November 20, 2021

accuray\_list 0.4400000 1 2 0.6800000 3 0.9200000 4 1.0000000 5 1.0000000 6 1.0000000 7 0.6533333 8 0.9466667 9 0.9733333

É possível ver o gráfico das amostras com o vetor suporte (Figura 1), o gráfico com a separação das classes (Figura 2) e a superfície de separação (Figura 3).

### 5 Discussão

Ao analisarmos a acurácia obtida, podemos ver que ao aumentar o valor de C, para um mesmo "kpar", a acurácia aumenta. Já o parâmetro "kpar" igual a 1.5 mostrou o melhor de todos, pois conseguiu valor máximo independente do valor de C.

Por meio da figura 1, foi possível observar os vetores de suporte selecionados, com o intuito de visualizar melhor o comportamento do algoritmo de SVM. É possível notar que a maioria dos vetores de suporte estão nos pontos de "curva" do hiperplano separador.

Neste exercício não foi possível determinar uma maneira para começarmos o a busca pelo parâmetros "kpar" e "C". Logo, caso não obtivessemos um resultado satisfatório seria necessário aumentar o espaço de busca até melhorarmos o resultado. Fazer isso de forma cega pode ser muito custoso computacionalmente em alguns casos. Portanto, seria interessante de forma precisa limitarmos o espaço de busca.

Além disso, foi possível observar que para um mesmo par "kpar" e "C" o algoritmo converge para respostas diferentes. Isso ocorre pelo fato de escolher o conjunto treino e teste de forma aleatória. Uma forma de minimizar isso seria escolher de forma balanceada as amostras, de modo que cada classe obtivesse o mesmo número de amostras.

Neste experimento foi possível analisar o comportamento do algoritmo SVM, além de que conseguimos construir e validar um classificador SVM.

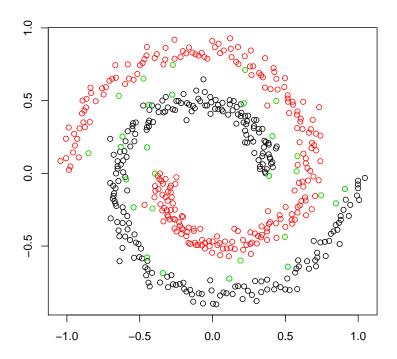


Figure 1: Amostras do cojunto de dados com vetores de suporte em verde.

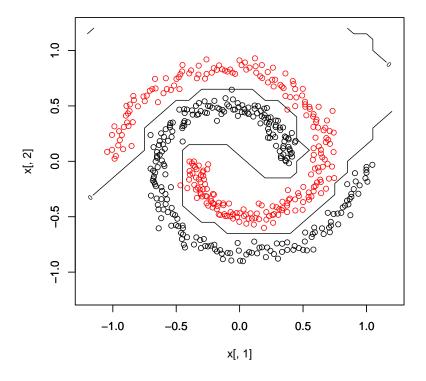


Figure 2: Hiperplano de separação das classes

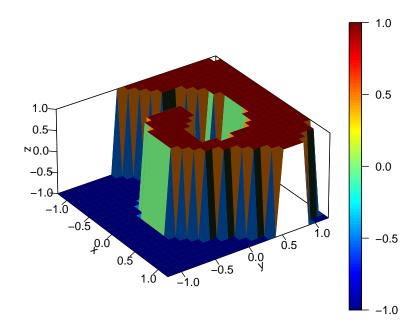


Figure 3: Superfície de separação das classes