

匹配代码库使用手册

使用手册维护：

田瑶琳、雒勛博

开发时间：

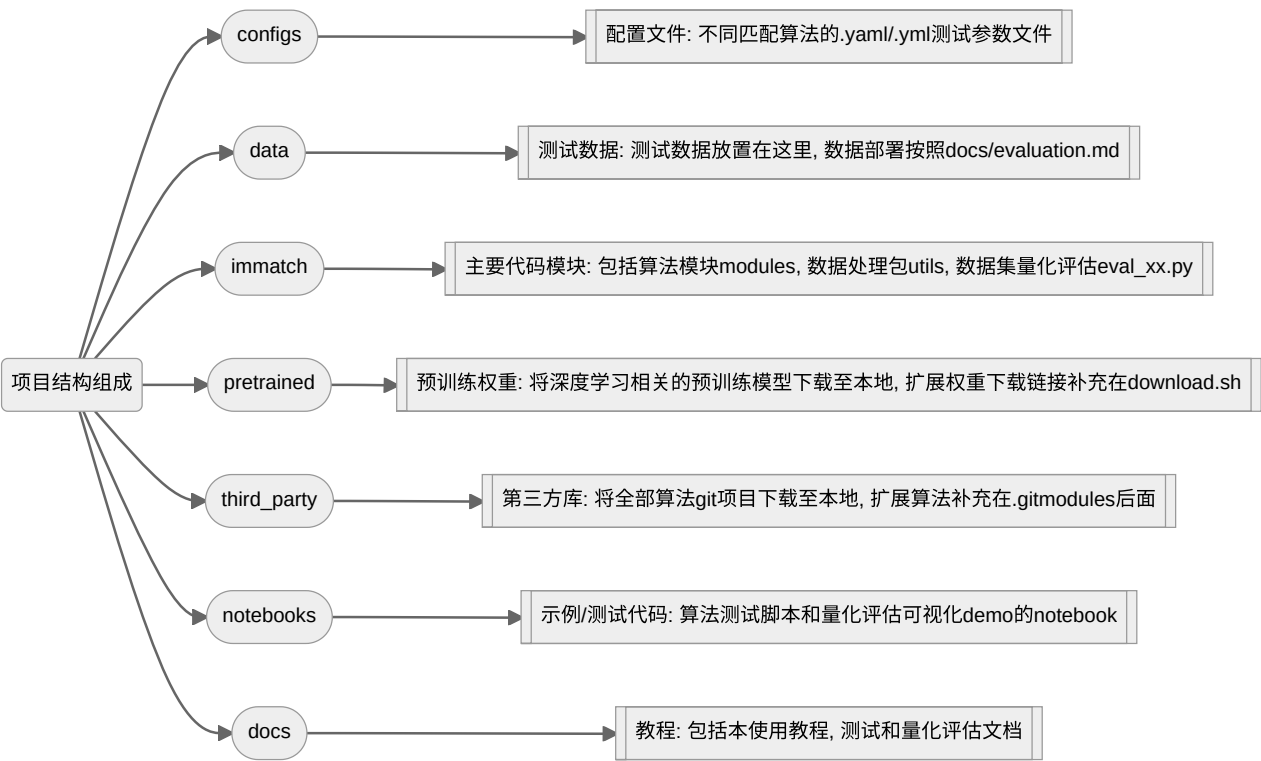
2023年3月~4月

使用说明：

匹配代码库基于[image-matching-toolbox](#) 进行开发和二次扩展，用于911内部学习使用和算法部署

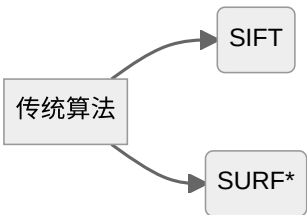
1. 算法库组成

1.1 项目组成

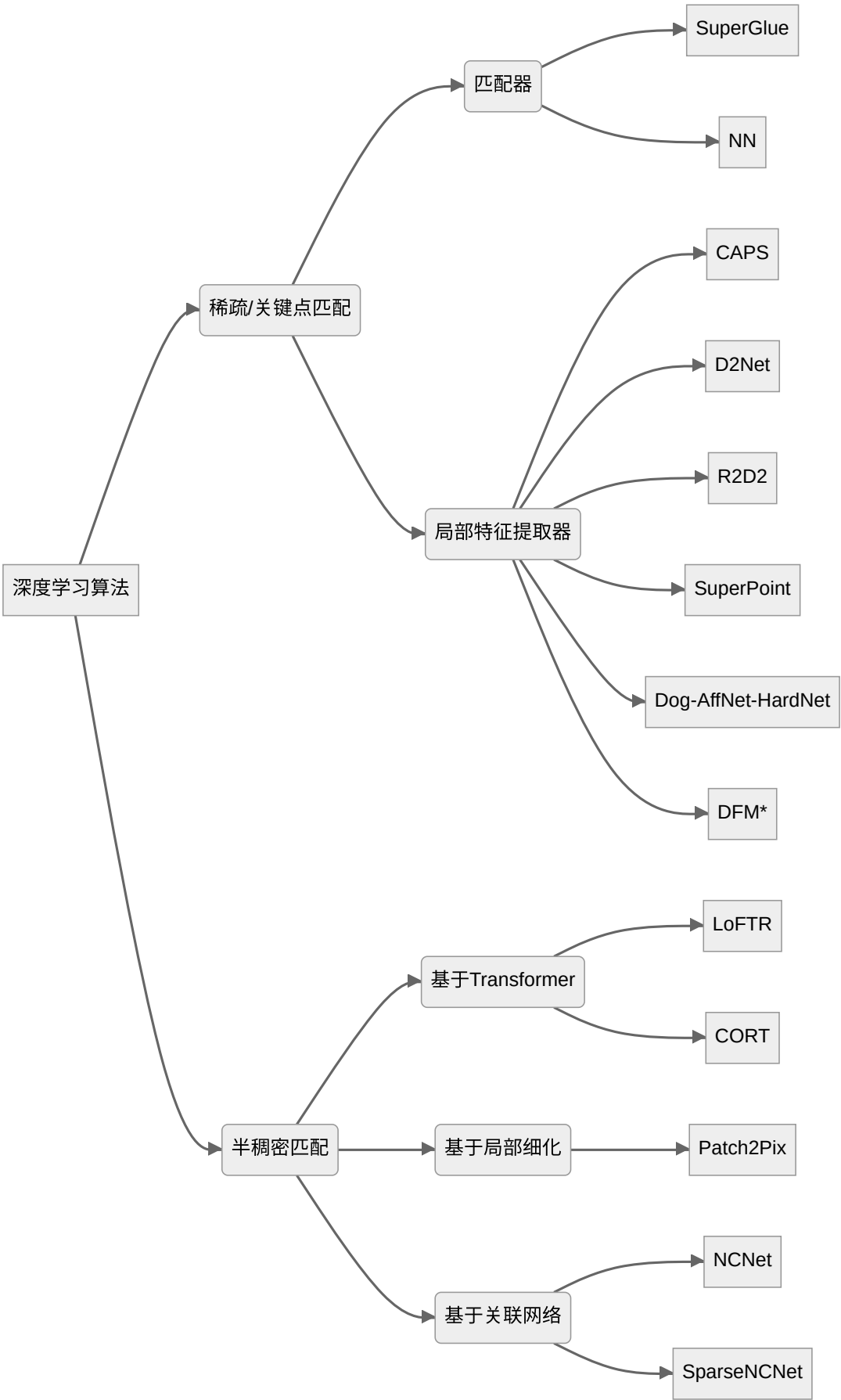


1.2 算法组成

☒ 传统算法：



☑ 深度学习算法：



其中，带有*标的为二次开发添加的方法（截止到完成时期，有时间需要继续更新）

2. 环境配置和部署

2.1 部署平台

1. Ubuntu = 20.04
2. Python \geq 3.7
3. Pytorch \geq 1.7.0
4. CUDA及其toolkit根据显卡驱动进行选择

2.2 部署步骤

2.2.1 下载项目和算法子模块

```
## 从gitee直接加载(TODO：完善代码并提交到gitee)
git clone https://gitee.com/XXX/image-matching-toolbox.git
cd image-matching-toolbox/
git submodule update --init
```

2.2.2 预训练模型加载

```
# 除了DFM的预训练模型是直接从torchvision加载的，其他的都是下载的pth权重文件
cd pretrained/
bash download.sh
```

2.2.3 虚拟环境配置和安装

I. 创建虚拟环境

```
# RTX_4090
conda env create -f environment.yml
# other hardware
conda env create -n immatch python=3.7
conda activate immatch
```

II. 安装代码库及其依赖

```
# 下载immatch toolbox(作为python package)
# 注意：下载同时支持surf和sift的opencv版本及其对应opencv-contrib的版本
cd image-matching-toolbox/
python setup.py develop
```

III. 代码库的卸载 (optional)

```
# 卸载immatch toolbox(作为python package)
pip uninstall immatch
```

IV. 安装pycolmap (optional)

```
# 如果需要用到定位的量化评估
pip install git+https://github.com/mihaidusmanu/pycolmap
# 或者直接
pip install pycolmap
```

V. 更新immatch (optional)

```
# option1: 直接修改setup.py并重新更新匹配代码库
cd image-matching-toolbox/
python setup.py develop
# option2: 修改environment.yml
conda activate immatch
conda env update --file environment.yml --prune
```

3. 项目测试和可视化

3.1 数据准备

理论上项目可以支持evaluation里面提及的全部公开数据集，但仅完成Hpatches数据集类型的测试脚本撰写以及测试。因此数据格式严格按照Hpatches进行整理，其中真值的获取可以根据data/matlab_gt文件夹下的代码实现手动标注

3.1.1 目录结构

- 匹配图像与待匹配图像放在一个文件夹下，数据集结构如下：

```
├─v_1
│   ├── 1.JPG
│   ├── 2.JPG
│   ├── attrs.txt
│   └── H_1_2.txt
├─v_2
│   ├── 1.JPG
│   ├── 2.JPG
│   ├── attrs.txt
│   └── H_1_2.txt
├─...
├─└─v_9
│   ├── 1.JPG
│   ├── 2.JPG
│   ├── attrs.txt
│   └── H_1_2.txt
├─...
├─└─v_9
│   ├── 1.JPG
│   ├── 2.JPG
│   ├── attrs.txt
│   └── H_1_2.txt
├─...
├─└─v_9
│   ├── 1.JPG
│   ├── 2.JPG
│   ├── attrs.txt
│   └── H_1_2.txt
├─...
```

其中，

- v_1, v_2, \dots, v_9 为每组测试数据的名字，每组包含两张图片
- *attrs.txt*用来描述这组图像是用于什么任务的，如 'time' (viewpoint) 和 'light' (illumination)，不强制有，只有验证光照角度和强度时才要区分。
- $H_{ij}.txt$ 是使用matlab标定产生的从图像 i 到图像 j 的单应矩阵真值

3.1.2 Matlab手工标定

- 打开同目录下的*labelingTools4Matching.m*，将

- 运行脚本，一组图像会陆续弹出若干个窗口，只需要在Control Point Selection Tool窗口内标点即可，一对图像最好标10对以上的匹配点（最少4对）
- 标定完成后，会在每组图像目录下生成如**3.1.1**所示的H_x_x.txt真值文件

3.2 输入输出格式

3.2.1 输入格式规范

- 输入一组测试图像
 - 使用方法：修改并运行 text_single.sh, 指定调用test_1-pair.py并指定配置参数
 - 数据格式：存储图像所在的路径的csv文件、对应的原始图像 (目前可以是ppm、jpg、png)、调度接口json文件 (待开发)
- 输入多组测试图像
 - 使用方法：修改并运行 text_multi.sh, 指定调用test_multi-pair.py并指定配置参数
 - 数据格式：存储图像所在的路径的csv文件及其对应的原始图像 (目前可以是ppm、jpg、png) 所在的压缩包、调度接口json文件 (待开发)

3.2.2 输出格式规范

- 给定真值
 - 输出内容：得到匹配点对总数、对应关系和测试用时，如需可以将点对匹配图像存储至本地
- 未给定真值
 - 输出内容：在没有给定真值的情况下可以输出匹配点对关系和数目 (以numpy格式存储在项目的output)，统计运行时间，便于后续可视化；也可以考虑直接输出并本地化numpy文件，离线解析数据

3.3 量化评估 (以Hpatches为例)

3.3.1 量化评估指标

- 指标1：平均精度MMA

MMA: 计算模型输出的匹配点的MMA (mean matching accuracy)，具体而言计算的是匹配点对在单应变换后，欧式距离（度量）低于某个阈值的百分比

- 指标2：单应矩阵估计HE

Homography Estimation: 其实就是把计算匹配点的 MMA 变成了计算4个角点的 MMA，然后计算像素误差

3.3.2 量化评估方法和示例

- 方式1：以log日志记录量化结果

```
# 输入示例：关键的参数参考eval_hpatches.py
python -m immatch.eval_hpatches --config 'superpoint' 'ncnet' \
    --task 'both' --save_npy --root_dir .
```

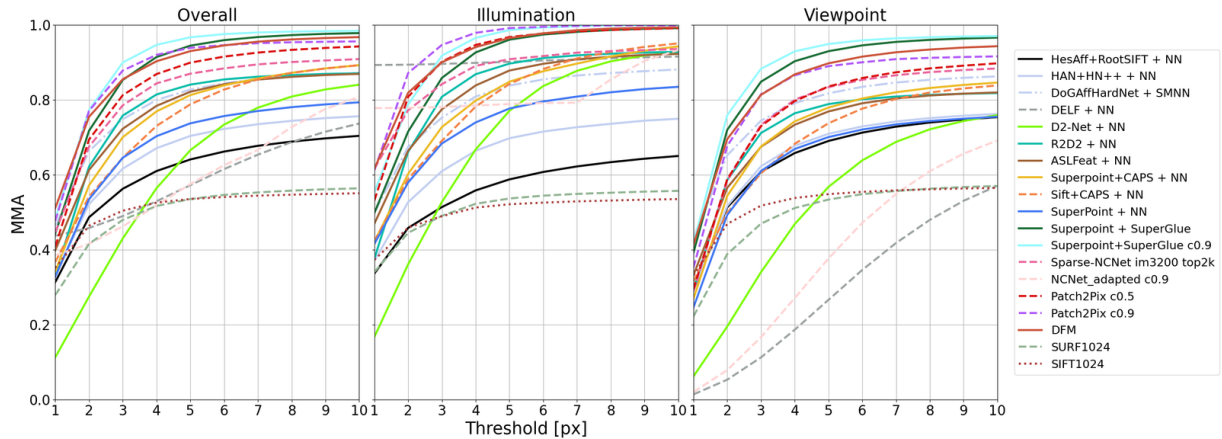
```
# 输出示例：输出的MMA结果结构如下
>>>>以SuperPoint的结果为例，输出日志如下：
>>>>Eval hpatches: task=matching+homography method=SuperPoint_r4 scale_H=False
rthres=2 thres=[1, 3, 5, 10]
>>Finished, pairs=540 match_failed=0 matches=1082.2 match_time=0.03s
==== Image Matching ====
Save results to ./outputs/hpatches/cache/SuperPoint_r4.npy
#Features: mean=2003 min=212 max=7815
#(Old)Matches: a=1082, i=819, v=1327
#Matches: a=1082, i=819, v=1327
MMA@[ 1  3  5 10] px:
```

```

a=[0.33 0.65 0.74 0.79] # average MMA in both tasks
i=[0.42 0.68 0.78 0.83] # illumination testing results
v=[0.25 0.61 0.7 0.75] # viewpoint testing results
==== Homography Estimation ====
Hest solver=degensac est_failed=0 ransac_thres=2 inlier_rate=0.65
Hest Correct:
a=[0.51 0.83 0.89 0.94]
i=[0.65 0.95 0.99 1. ]
v=[0.38 0.72 0.8 0.89]
Hest AUC:
a=[0.27 0.56 0.69 0.81]
i=[0.36 0.69 0.81 0.9 ]
v=[0.18 0.44 0.58 0.72]

```

- 方式2：绘制MMA对比曲线（侧重于科研使用）



3.4 可视化效果

- 单张测试：

```
python visualize_single-pair.py --meth 'superglue'
```

TODO：完善测试脚本text_single.sh和visualize_single-pair.py的功能

- 多张测试：

TODO：完善测试脚本text_multi.sh和visualize_multi-pair.py并测试

4. 项目扩展和未开发模块

4.1 如何扩展新算法？

- 第一步：完善并修改项目的setup环境依赖 (如果新算法的引入会造成包冲突，则需要用docker隔离环境)
- 第二步：在.gitmodules中增加第三方算法项目，并在download.sh中增加预训练模型下载路径
- 第三步：在config文件夹下添加新算法的yaml，并在ismatch中增加对应子模块调用代码 (模块化接口)
- 第四步：测试算法并完善代码库

4.2 如何跨平台部署本代码库？

- 思路：项目环境预计采用docker部署和迁移、主要利用ROS或protobuf+redis的方式进行通信调度，接口类型由调度系统决定，待接口确定再最终需要撰写相关内容进入使用文档 (即，测试输入输出流)
- 接口代码开发：在目前的基础上还可以补充以下内容

- csv存储的图像路径列表的读取和解析
- 压缩包的解析和格式检查
- 修改可视化代码并增加调用接口
- 将测试得到的numpy格式的数据进行离线解析