



Guía 1 - Análisis de datos científicos en R

Ejercicio 1:

1. (Rstudio) Empezar un nuevo proyecto y abrir un nuevo *notebook*.
2. Ver en que *working directory* (comando `getwd`) están y establecer otro diferente.
3. Qué versión de R tiene instalada en su máquina? (**version**).
4. Instalar (`install.packages`) y cargar el paquete *dplyr* a la sesión (`library`).
5. Instalar en su máquina el paquete *broom* (`install.packages`).
6. **POSGRADO** – Investigar como instalar paquetes usando `devtools` y `bioconductor`.

Ejercicio 2:

1. Entre los datos *built-in* (aquellos que vienen incorporados en el lenguaje R) elegir un set de datos que tenga datos continuos y cargarlo a la sesión (**data**).
2. Imprimir en pantalla la primeras 10 líneas de los datos (**head**).
3. Explorar las principales características de las variables de los datos, tanto el tipo de datos (comando `str`) como los valores de los datos (media, máximo, mínimo, etc., usando el comando (`summary`)).
4. Para las relaciones más importantes, hacer scatterplots de dos de las variables (`plot`) y un histograma (`hist`) de una de ellas.
5. Guardar la imagen en formato pdf. En qué otros formatos útiles se pueden salvar las imágenes?
6. **POSGRADO** - Agregar la siguiente información a los gráficos: título del gráfico, nombre de las variables en los ejes y descripción de los datos (con una referencia o *legend*).