



Guía 1 - Análisis de datos científicos en R

Ejercicio 1.1:

1. Cargar a la sesión de R los datos *iris* (**data**).
2. Imprimir en pantalla la primeras 10 líneas de los datos (**head**).
3. Explorar las principales características de las variables de los datos, tanto su estructura (**str**), como la estadística básica de los datos (media, máximo, mínimo, etc., **summary**).
4. Elegir dos variables y hacer una figura (**plot**). Con una de ellas, hacer un histograma (**hist**).
5. Guardar la imagen en formato pdf. ¿En qué otros formatos útiles se pueden salvar las imágenes?
6. **POSGRADO** - Agregar la siguiente información a los gráficos: título de la figura, nombre de las variables en los ejes y descripción de los datos (con una referencia o *legend*).

Ejercicio 1.2:

1. En Rstudio, empezar un nuevo proyecto y abrir un nuevo *notebook*.
2. Ver en que *working directory* (**getwd**) está localizada la sesión y establecer otro directorio diferente (**setwd**).
3. ¿Qué versión de R tiene instalada en su máquina? (**version**).
4. Instalar (**install.packages**) y cargar el paquete *dplyr* a la sesión (**library**).
5. Instalar en su máquina el paquete *broom* (**install.packages**).
6. **POSGRADO** – Investigar como instalar paquetes usando **devtools** y **bioconductor**.