

R LECTURES

22/04/2019

REPASO DE LA CLASE ANTERIOR

MATEMÁTICA

FUNCIONES MATEMÁTICAS BÁSICAS

- `exp()`: función exponencial, base e
- `log()`: logaritmo natural
- `log10()`: logaritmo base 10
- `sqrt()`: raíz cuadrada
- `abs()`: valor absoluto
- `sin()`, `cos()`, etc.: funciones trigonométricas
- `min()`, `max()`: valor mínimo y máximo de un vector
- `which.min()` and `which.max()`: índice del valor mínimo y máximo
- `pmin()` and `pmax()`: mínimos y máximos para varios vectores, por elemento
- `sum()` and `prod()`: suma y producto de elementos de vectores
- `cumsum()` and `cumprod()`: suma acumulada y producto acumulado de elementos de vectores
- `round()`, `floor()`, and `ceiling()`: redondeo al entero más próximo, al menor o al mayor,
- `factorial()`: función factorial
- `%%`: operador módulo y `/%%`: operador división por enteros

```
x <- c(12,5,13)
cumsum(x)
# [1] 12 17 30
cumprod(x)
# [1] 12 60 780
```

CÁLCULO

R tiene capacidades tanto para hacer cálculos numéricos como analíticos:

```
# derivada analítica
D(expression(exp(x^2)), "x")
exp(x^2) * (2 * x)
# integral numérica
integrate(function(x) x^2, 0, 1)
0.3333333 with absolute error < 3.7e-15
```

Existen paquetes para ecuaciones diferenciales (`ode.solve`), y para extender la capacidad simbólica usando el sistema Yacas (`ryacas`). Ver CRAN.

ÁLGEBRA LINEAL

```
# Multiplicación de matrices: Directamente con el operador %*%:  
- a %*% b  
# Sistema de ecuaciones lineales (o invertir una matriz) con ~solve()~  
- solve(a,b) ## resuelve el sistema de ecuaciones  
- solve(a) ## sin el segundo argumento, invierte la matriz  
# Autovectores y autovalores  
- eigen(a)  
# Otras operaciones posibles:  
- t(): # transpuesta de una matriz  
- qr(): # descomposición QR  
- chol(): # descomposición Cholesky  
- det(): # Determinante  
- eigen(): # Autovalores/autovectores  
- diag(): # extrae la diagonal de una matriz cuadrada  
- svd(A): # descomposición en valores singulares  
- ...
```

ESTADÍSTICA

ESTADÍSTICA DESCRIPTIVA

Conceptos para entender la estructura de un grupo (digamos, $N > 30$) de datos.

Una manera de hacer estadística descriptiva en columnas de listas (o data.frames) es con `sapply`:

```
sapply(mydata, mean, na.rm=TRUE)
```

donde podemos usar `mean`, `sd`, `var`, `min`, `max`, `median`, `range`, o `quantile`, entre otras).

O `summary()`, que es equivalente y funciona con data.frames.

Tenemos también `group_by()` + `summarise()` con las mismas funciones básicas.

DISTRIBUCIONES

En general R usa la siguiente convención:

- `dDIST(x, ...)` es la función distribución de probabilidad (PDF). Devuelve la prob. de observar un valor `x`
- `pDIST(x, ...)` es la función cumulativa de probabilidad (CDF). Devuelve la prob. de observar un valor menor a `x` (mayor si usamos `lower.tail=F`)
- `rDIST(n, ...)` es un generador de números aleatorios que devuelve `n` valores sacados de una distr. `DIST`.
- `qDIST(p, ...)` es la función cuartil que devuelve el `x` que corresponde al percentil `p` de `DIST`. Si `lower.tail=F`, devuelve 1 menos `p`.

Distribution	Density/pmf	cdf	Quantiles	Random Numbers
Normal	<code>dnorm()</code>	<code>pnorm()</code>	<code>qnorm()</code>	<code>rnorm()</code>
Chi square	<code>dchisq()</code>	<code>pchisq()</code>	<code>qchisq()</code>	<code>rchisq()</code>
Binomial	<code>dbinom()</code>	<code>pbinom()</code>	<code>qbinom()</code>	<code>rbinom()</code>

Para ver las distribuciones disponibles, ver el [task view de distribuciones](#)

- Distribución Normal

Construyo una figura de la función normal usando un vector entre -5 y 5 con 100 puntos.

```
library(ggplot2)
set.seed(8888) ## elijo la semilla para poder "controlar" la aleatoridad
x <- seq(from=-5, to=5, length.out=100) # el intervalo [-5 5]
f <- dnorm(x) # normal con media 0 y sd 1
ggplot(data.frame(col1=x, col2=f), aes(x=col1, y=col2)) + geom_line()
```

- Otras distribuciones

Construyo un vector de 10^5 puntos que contenga valores estocásticos extraídos de una dist. Binomial de $n=5$ (número de intentos) y $p=0.5$ (probabilidad de éxito).

```
x <- rbinom(100000,5,0.5)
mean(x)
# [1] 2.5004

mean(x[x<=4])
# [1] 2.418766
```

MODELADO ESTADÍSTICO

Modelado se refiere a proponer determinadas relaciones entre variables, típicamente cuál es la relación entre una variable dependiente o *variable respuesta* y otras variables independientes o *variables explicativas*.

En R la función `lm()` se usa para regresión lineal (*linear models*) y `glm()` para *generalized linear models*.

- Regresión lineal - `lm()`

Construimos un "modelo" (una relación) entre variables dependientes e independientes optimizando parámetros para poder predecir. 1 - Propongo una determinada relación de variables (a través de una 'formula' tipo $y \sim x$). 2 - Calculo coeficientes del modelo (los consulto con `coef()`). 3 - Compruebo que tan bien se ajusta el modelo a nuevas observaciones (con `predict()`).

```
y[i] ~ f(x[i,]) = b[1] x[i,1] + ... b[n] x[i,n]
## b[i] son los coeficientes o betas
```

- Regresión lineal generalizada - `glm()`

Los modelos lineales asumen que el valor predicho es continuo y que los errores van a ser "normales". Los modelos lineales generalizados relajan estas suposiciones.

```
## expresión general  
glm(formula, family=familytype(link=linkfunction), data=)
```

Ejemplito: Regresión logística, para variables categóricas.

```
# F es un factor binario  
# x1, x2 y x3 son predictores continuos  
fit <- glm(F~x1+x2+x3,data=mydata,family=binomial())  
summary(fit) # resultados  
exp(coef(fit)) # coeficientes  
predict(fit, type="response") # predicciones  
residuals(fit, type="deviance") # residuos
```



JUPYTER NOTEBOOKS

- Un *Jupyter Notebook* (antes llamadas *IPython Notebooks*) es un ambiente computacional basado en la web (a través de servers), interactivo, para crear documentos tipo *notebook*.
- Basados en el estilo 'Mathematica', primero aparecieron para Python, ahora hay para muchos lenguajes, entre ellos R.
- Se puede hacer gran parte de lo que hacemos en Rstudio, pero en un navegador.
- Algunos links útiles:
 - [Try Jupyter](#)
 - [What is the Jupyter Notebook?](#)

R Y BASES DE DATOS

R puede acceder a distintos tipos de bases de datos (DBMSs - Database Management Systems): Microsoft SQL Server, Microsoft Access, MySQL, Oracle, PostgreSQL, DB2 de IBM, Sybase, Teradata, and SQLite.

Se puede 'hablar' con estas bases de datos con interfaces (protocolos) como ODBC con el paquete RODBC. Existen otras alternativas, por ejemplo, JODBC, RMySQL, ROracle, RPostgreSQL y RSQLite.

- Ejemplo con RODBC. Asegurarse de instalar el paquete y los drivers ODBC correspondientes.

```
library(RODBC)
## abro una conexión a la base de datos ODBC
myconn <-odbcConnect("mydsn", uid="Rob", pwd="aardvark")
## bajo datos
crimedat <- sqlFetch(myconn, Crime)
## hago una 'query': selecciono todo de la tabla Punishment
pundat <- sqlQuery(myconn, "select * from Punishment")
## cierro conexión
close(myconn)
```

STRINGS

El paquete `stringr` del `tidyverse` se usa para manipulación de *strings* o caracteres.

```
library(stringr)
s1 <- "Esto es un string"
s2 <- 'podemos usar "comillas" dentro de un string, con comillas simples'
s3 <- 'podemos usar una comilla simple \' anteponiendo una barra, se dice "escapar" la
s3 # así mostramos el string
writeLines(s3) # así lo podemos imprimir sin que salgan las barras
writeLines("\tUn tab y un enter\n") # existen algunos otros comandos especiales
c("uno", "dos", "tres") # esto es un vector de caracteres o strings
```

FUNCIONES BÁSICAS DE STRINGR

```
str_length(c("a", "Curso de R 2019", NA))
[1] 1 15 NA
str_c("x", "y")
[1] "xy"
## podemos elegir el /string/ separador
str_c("x", "y", sep = "---")
[1] "x---y"
## si no queremos NA's
str_replace_na( c("abc", NA))
[1] "abc" "NA"
## str_c() es vectorizada
str_c("^", c("a", "b", "c"), "$")
[1] "^a$" "^b$" "^c$"
## si queremos juntar todos los elementos en uno solo
str_c(c("a", "b", "c"), collapse=" ")
[1] "a b c"
## subsetting
x <- c("Rojo", "Azul", "Amarillo")
str_sub(x, 1, 3)
[1] "Roj" "Azu" "Ama"
```


SUBSETTING STRINGS
