论文大纲

绪论

研究背景与意义

- 骨关节炎患者群体庞大
- 需求融合基因型与表现型的可解释模型
- 图神经网络广泛应用

现状研究综述

骨关节炎

- 骨关节炎表型分析
- 骨关节炎GWAS分析

图神经网络

- 图神经网络被广泛用于处理图数据
- 图神经网络可以用于处理SNP网络

图结构特征估计

• 对于无特征数据需要通过不同方法完成图特征估计

本文工作

- 获取UKBank中关于骨关节炎的表型与基因型数据
- 设计统计学习算法根据基因型数据建图
- 构建神经网络用于骨关节炎患病风险的预测
- 通过模型分析可能与骨关节炎相关的通路与其分型

数据与预处理

- UKB介绍
- 本文研究性状
- 基因型数据筛选
- 样本筛选
- 特征筛选

预测模型构建

图神经网络设计

- 选择谱图神经网络
- 谱图神经网络中以Cheby卷积层为核心,构建网络

图的生成

- 选择全连接法与相关系数法生成图的邻接矩阵
- 以上方法不能很好反应图结构特征,需要进一步改进

结合表型

- 选择报道中与骨关节炎相关的性状进行分析
- 通过中间融合法结合基因型数据与表型数据

图结构估计

问题描述

• 目标:通过观测值估计图节点之间关联

• 流程:

o 图构建: knn法与距离法

图结构建模:神经网络法;损失函数法;直接法

期望最大化算法

基于网络输出X',通过knn法构建观测值O,计算邻接矩阵相对于观测值的后验概率分布

变分期望最大化算法

解决期望最大化算法中的问题

分析与讨论

传统风险评估模型与普通机器学习性能比较

特征筛选方法对性能的影响

邻接矩阵方案对模型效果的影响

图结构估计器性能表现

- 在Mnist数据集上的表现
- 本项目数据集上的表现

估计器产生图结构分析

融合表型模型综合风险预测结果

总结