

Zkoumání RNA je důležité pro lepší pochopení evoluce nebo některých onemocnění. V této práci představujeme knihovnu napsanou v jazyce Typescript, která nabízí metody pro vizuální analýzu více sekundárních struktur RNA, nejlépe ale metody fungují při práci s dvěmi nebo třemi strukturami. Pro reprezentaci používáme radial diagram, který je vygenerovaný na základě vzorové struktury. Metody použité v knihovně pro analýzu využívají způsobu generování radial diagramu a to tak, že diagramy vygenerované ze stejné vzorové struktury na sebe mapuje právě pomocí vzorové struktury, díky tomu lze sledovat rozdíly a podobnosti struktur.