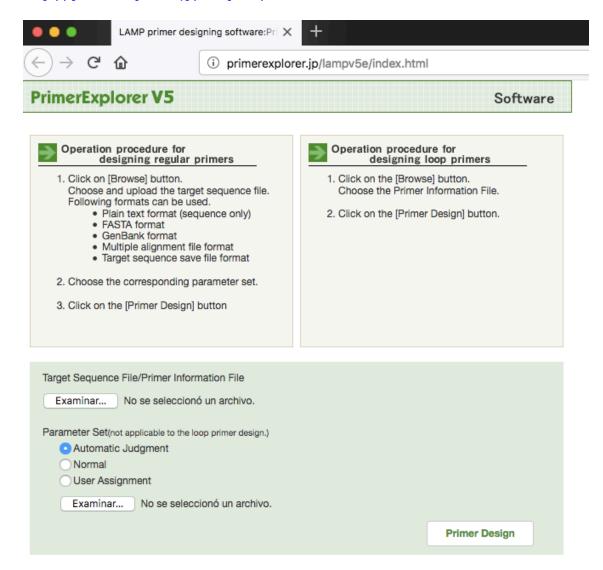
Guía de diseño de primers LAMP con PrimerExplorer

1.- Entrar al siguiente link y les saldrá una pantalla como esta:

http://primerexplorer.jp/lampv5e/index.html

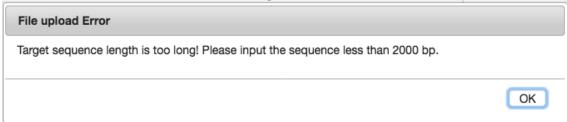


En este caso será la V5 porque se va actualizando. Recomiendo seguir la guía paso a paso para reforzar lo aprendido con respecto al diseño de primers LAMP.

2.- En el recuadro verde colocar "examinar" y elegir el archivo FASTA de interés, en nuestro caso colocaremos el archivo M7.fasta que se encuentra en los materiales de la clase. Recuerda que luego lo puedes reemplazar por tu secuencia de interés, la cual debe ser corta, pero siempre manteniendo el formato de la secuencia Fasta, con un signo > (mayor que) seguido del nombre del gen y especie y las bases en la segunda línea deben contener un máximo de 80 caracteres.



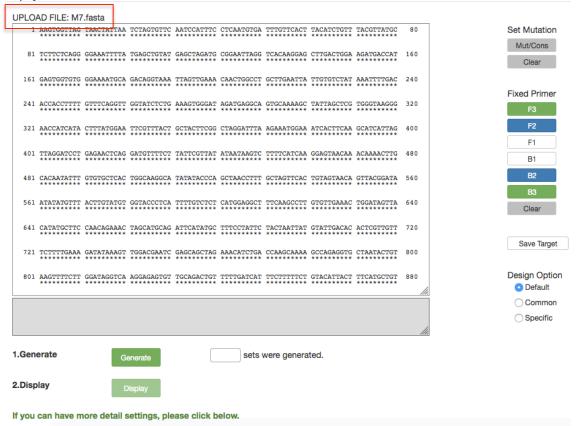
Considerar que el largo de pares de bases debe ser menor a 2000 bp porque si no saldrá error, en caso su archivo contenga más, es necesario recortar.



Seleccionar "automático", ya que no aplica otra selección para primers LAMP, por último has click en Primer Design.

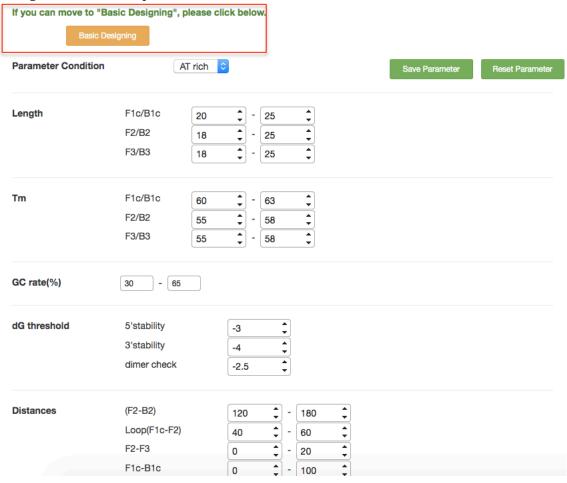


3.- Aparecerá la siguiente ventana que nos muestra nuestra secuencia blanco, como pueden ver tiene el nombre de la secuencia fasta que subimos (recuadro rojo).





4.- Fijarse que en la figura de arriba ↑, en letras verdes y en la parte de abajo dice "If you can have more detail settings, please click below". Hacer click y aparecerá la siguiente ventana por defecto:



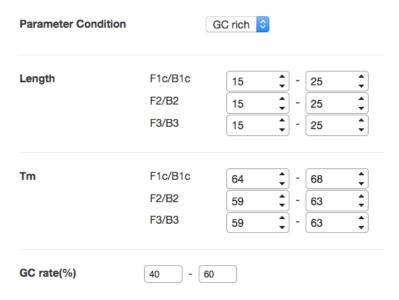
Si deseas puedes volver al diseño básico de primers LAMP para ello debes hacer click en Basic Designing (recuadro rojo).

5.- En las clases hemos aprendido el diseño de primers, por ello, aplicaremos los conceptos de la clase 5. Podemos seleccionar el rango de la secuencia FASTA subida donde queremos que este el TARGET DNA, pero recuerda que eso limita las opciones, solo se debe usar si es necesario, si no lo es, seleccionar "ignore range"





6.- Como parámetro de la condición colocaremos GC rich en lugar de AT rich que es lo que está por defecto. Ver la diapositiva 2 de la clase 5 (parte 3) que tiene unas tablas resúmenes, coloquemos esos parámetros, por ejemplo, primers con un largo de 15 a 25 ntd, las diferentes temperaturas de melting y el contenido de GC que debe estar entre 40 a 60%, tal como se muestra en la siguiente figura.

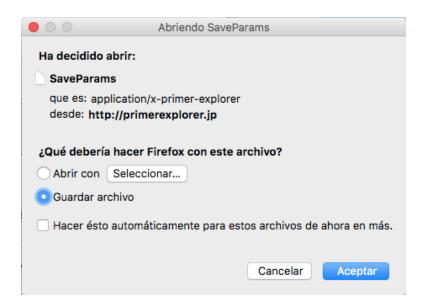


Así seguiremos con los demás parámetros dG threshold (el cual se recomienda un valor menor de -4), las distancias entre los diferentes primers, lo demás lo podemos dejar por defecto.



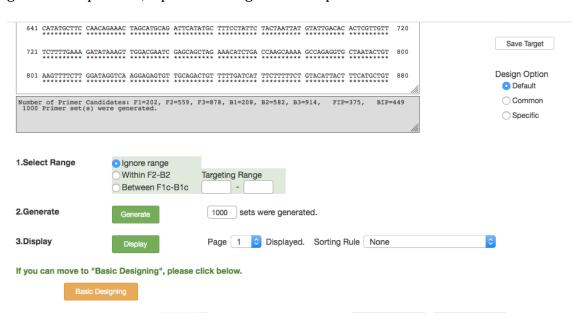
Puedes guardar los parámetros del diseño de tus primers LAMP, yo los guardé en un archivo parámetros_de_primers.txt que se encuentra dentro de los materiales. Para ello, dar "save parameter" que está en recuadro verde en la parte de arriba y aparecerá la siguiente ventana:



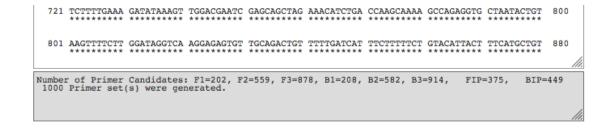


Click en aceptar.

7.- Dar click en Generate (recuadro verde). Puedes guardar los parámetros y generar los primers, o puedes solo generar los primers.

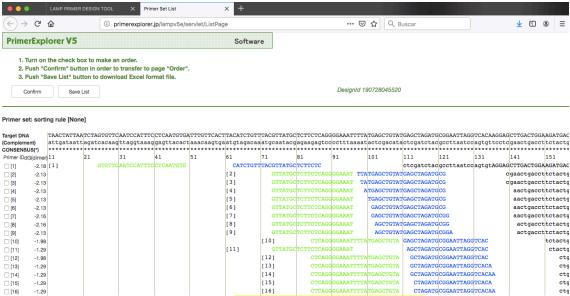


Aparecerá en la parte de debajo de la secuencia, un recuadro gris con los mil primers generados. Puede demorar un poco.



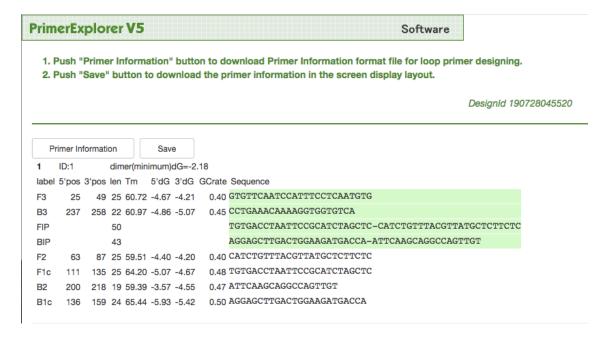


8.- Para poder ver los primers generados, debes darle click al recuadro verde que dice "Display" y aparecerá la siguiente pantalla. La cual puedes guardar como Excel dándole click a "save list".

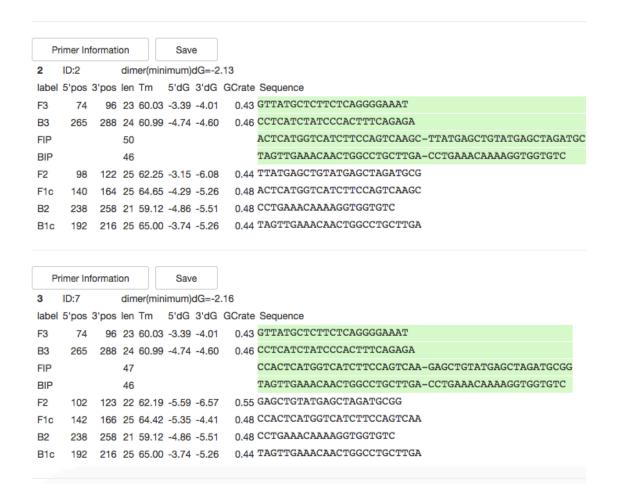


Mira la pantalla, tendrás letras en mayúsculas y en verde (F3), mayúsculas y azul (F2), negro y en minúscula (F1c), negro y mayúscula (B1c), minúscula y azul (B2), minúscula y verde (B3).

9.- Para visualizarlo mejor, seleccionamos algunos primers (opciones 1, 2 y 7), dándole click en el checkbox y luego click en Confirm.







Estos son los sets de primers que se pueden elegir y están en dirección 5'-3' Se debe elegir los que tengan un dG menor, uno equivalente a -4 o menos. De no ser así, elegir otro set de primers y de ellos el mejor.

