#### Laboratorio. Árboles y random forest para regresión y clasificación

Nombres: Ponce Proaño Miguel Alejandro

Asignatura: Aprendizaje Automático

Actividad: Nro. 1 - mia05\_t6\_act

#### Librerías utilizadas

```
In [1]: import pandas as pd
        import numpy as np
        import matplotlib.pyplot as plt
        from sklearn.tree import plot_tree
        from sklearn import preprocessing
        from sklearn.model_selection import train_test_split
        from sklearn.metrics import mean_squared_error
        from sklearn.metrics import mean_absolute_error
        from sklearn.metrics import r2_score
        from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor,DecisionTreeClassifier
        from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor,RandomForestClassifier
        from sklearn.model_selection import learning_curve
        from sklearn.model_selection import ShuffleSplit
        from sklearn.model_selection import cross_val_score
        from sklearn.metrics import classification report
        from sklearn.metrics import confusion matrix
        from sklearn.model selection import KFold
```

- Se crean las constantes que serán utilizadas para el desarrollo del ejercicio. Por ejemplo, el valor de la semilla aleatoria y otras variables.
- Para mostar toda la lista de frecuencias max\_mostrar\_frecuencias = 0

```
In [2]: semilla_aleatoria = 1234
    cons_no_asignado="NoAsignado"
    factor_datos_faltantes = 0.8
    max_mostrar_frecuencias = 6
```

#### 1.- Leer los datos del archivo housing\_train.csv

```
In [3]: df_base=pd.read_csv("housing_train.csv")
    display(df_base.head(5))
```

	ld	MSSubClass	MSZoning	LotFrontage	LotArea	Street	Alley	LotShape	LandContour	Utilities	 F
0	1	60	RL	65.0	8450	Pave	NaN	Reg	Lvl	AllPub	 _
1	2	20	RL	80.0	9600	Pave	NaN	Reg	LvI	AllPub	
2	3	60	RL	68.0	11250	Pave	NaN	IR1	LvI	AllPub	
3	4	70	RL	60.0	9550	Pave	NaN	IR1	LvI	AllPub	
4	5	60	RL	84.0	14260	Pave	NaN	IR1	Lvl	AllPub	

5 rows × 81 columns

## 2.- Tratamiento de missing. Si existen valores faltantes, decidir si eliminar los registros, llenarlos con valores como la media, la mediana o la moda y justifique su respuesta.

Antes de realizar cualquier evaluación sobre los datos es importante siempre realizar un tratamiento previo a fin de abordar que hacer con la información faltante. Se citan algunos ejemplos:

- Si la cantidad de datos faltantes es muy grande se recomienda borrar estas variables.
- Si existe una cantidad pequeña de filas con datos faltantes en sus variables se puede optar por borrarlas.
- Para variables categóricas se puede agregar un estado adicional que describa este factor.
- Se puede llenar los datos faltantes con la media, mediana o moda de esa variable tanto para variables numéricas o categóricas.
- Para variables categóricas, se puede optar por una asignación aleatoria de categorías escogido aquellas que se encuentren presentes en esa variable, tratado de buscar que se encuentren uniformemente distribuidas.

#### Tratamiento missing variables numéricas.

• Se selecciona las variables de tipo numérico mediante un filtrado tipos de datos en el csv.

```
In [4]: datos_numericos = ['int16', 'int32', 'int64', 'float16', 'float32', 'float64']
df_var_numericas = df_base.select_dtypes(include=datos_numericos).copy()
```

#### Se obtiene las columnas que tienen datos faltantes.

#### Se actualiza por la media de los datos.

 Debido a que la cantidad de datos es muy pequeña se optó por llenar los datos faltantes con la media para buscar su distribución uniforme.

#### Tratamiento missing variables no numéricas.

• Se selecciona las variables de tipo no numérico mediante un filtrado tipos de datos en el csv.

```
In [7]: df_var_no_numericas = df_base[df_base.columns.difference(df_var_numericas.column
s)].copy()
```

#### Se estima el factor de datos faltantes.

```
In [8]: max_factor_moda = len(df_var_no_numericas)*factor_datos_faltantes
    display('Máximo fator de datos faltantes : {0}'.format(max_factor_moda))

'Máximo fator de datos faltantes : 1168.0'
```

#### Se obtiene las columnas que tienen datos faltantes.

```
In [9]: total no numericas = df var no numericas.isna().sum()
       serie col nombres = total no numericas[total no numericas > 0]
       display(serie col nombres)
       Alley
                     1369
       BsmtCond
                     37
       BsmtExposure
                       38
       BsmtFinType1
BsmtFinType2
                       37
                       38
       BsmtQual
                       37
       Electrical
                       1
       Fence
                    1179
       FireplaceQu 690
GarageCond 81
                      81
       GarageCond
                       81
       GarageFinish
       GarageQual
                       81
                       81
       GarageType
                       8
       MasVnrType
                     1406
       MiscFeature
       PoolQC
                     1453
       dtype: int64
```

#### Eliminar columnas que superan factor máximo datos faltantes.

• Debido a que existe una gran cantidad de datos faltantes se borra estas variables ya que no aportan ningún valor al modelo.

```
In [10]: msk max fac moda = total no numericas>max factor moda
        df cols max factor = total no numericas[msk max fac moda]
        df_var_no_numericas=df_var_no_numericas.drop(columns=df_cols_max_factor.keys(),
        total no numericas = df var no numericas.isna().sum()
        serie col nombres = total no numericas[total no numericas > 0]
        display(serie_col_nombres)
        BsmtCond
                       37
                       38
        BsmtExposure
                       37
        BsmtFinType1
        BsmtFinType2
                       38
                       37
        BsmtQual
                       1
        Electrical
                      690
        FireplaceQu
                       81
        GarageCond
                       81
        GarageFinish
                       81
        GarageQual
                       81
        GarageType
        MasVnrType
        dtype: int64
```

#### Reemplazar datos categóricos por la moda.

 Debido a que las categorías tienen pocos datos faltantes y no se puede realizar el cálculo de la media se llena los datos faltantes con la moda.

```
In [11]: df_cols_min_factor=total_no_numericas[~msk_max_fac_moda]
    for columna in df_cols_min_factor.keys():
        val_mediana = df_var_no_numericas[columna].value_counts().idxmax()
        df_var_no_numericas[columna].replace(np.nan, val_mediana, inplace=True)
        display('Verificacion actualizacion datos {0}'.format(df_var_no_numericas.isnull ().sum().max()))
```

#### Para cada categoría se agrega un código que la identifica(variable ficticia).

 Las variables ficticias sirven para representar información cualitativa mediante el uso de estas variables. Estas sirven tantos para modelos de regresión (ficticias aditivas y multiplicativas) y también sirven para medir niveles por categorías.

```
In [12]: encoder = preprocessing.LabelEncoder()
    df_encoder=df_var_no_numericas.apply(encoder.fit_transform)
    df_encoder=df_encoder.add_suffix("_c")
    df_categorias_encoder=pd.concat([df_var_no_numericas,df_encoder],axis=1)
```

## 3. De las variables numéricas hallar el valor mínimo, el máximo, la mediana y la media.

• Para seleccionar los tipos de datos numéricos se escoge los tipos que los derriben en una lista, luego se utiliza el método describe(), en donde el percentil 50% equivale a la mediana de los datos.

```
In [13]: display(df_var_numericas.describe())
```

	ld	MSSubClass	LotFrontage	LotArea	OverallQual	OverallCond	YearBuilt	Yea
count	1460.000000	1460.000000	1460.000000	1460.000000	1460.000000	1460.000000	1460.000000	
mean	730.500000	56.897260	70.049958	10516.828082	6.099315	5.575342	1971.267808	
std	421.610009	42.300571	22.024023	9981.264932	1.382997	1.112799	30.202904	
min	1.000000	20.000000	21.000000	1300.000000	1.000000	1.000000	1872.000000	
25%	365.750000	20.000000	60.000000	7553.500000	5.000000	5.000000	1954.000000	
50%	730.500000	50.000000	70.049958	9478.500000	6.000000	5.000000	1973.000000	
75%	1095.250000	70.000000	79.000000	11601.500000	7.000000	6.000000	2000.000000	1
max	1460.000000	190.000000	313.000000	215245.000000	10.000000	9.000000	2010.000000	1

8 rows × 38 columns

### 4. De las variables categóricas, listar las diferentes categorías y hallar la frecuencia de cada una de ellas.

<sup>&#</sup>x27;Verificacion actualizacion datos 0'

• Para el cálculo de frecuencia se las agrupa para cada variable por cada tipo.

```
In [14]: k=0
         for columna in df var no numericas.columns:
            df frec cols=df categorias encoder[[columna,columna+" c"]]
            df frecuencia cat=df frec cols.groupby([columna],as index=False).size()
            if k<max mostrar frecuencias:</pre>
                print(df frecuencia cat)
             if max mostrar frecuencias<=0:</pre>
               print(df frecuencia cat)
            k=k+1
        BldgType
        1Fam
                  1220
        2fmCon
                   31
                   52
        Duplex
                    43
        Twnhs
        TwnhsE
                  114
        dtype: int64
        BsmtCond
               4.5
        Fa
               65
        Gd
                2
        Po
        TA 1348
        dtype: int64
        BsmtExposure
              221
        Αv
        Gd
              134
            114
        Mn
        No
             991
        dtype: int64
        BsmtFinType1
              220
        ALO
              148
        BLQ
              418
        GLQ
               74
        LwQ
              133
        Rec
               467
        dtype: int64
        BsmtFinType2
                19
        BLQ
                33
        GLQ
                14
                46
        LwQ
        Rec
                54
        Unf 1294
        dtype: int64
        BsmtQual
        Ex 121
        Fa
              3.5
        Gd
              618
        TA 686
        dtype: int64
```

## 5. Hallar todas las correlaciones existentes entre las variables numéricas del conjunto de datos.

 Se utiliza la función de correlación de las variables, en donde un mejor modelo debe considerar aquellas variables más correladas con la variable a estimar y aquellas variables más decorrelladas entre sí. Aclarar que esto dependerá del método de aprendizaje que utilicemos.

In [15]: display(df\_var\_numericas.corr())

	ld	MSSubClass	LotFrontage	LotArea	OverallQual	OverallCond	YearBuilt	YearF
ld	1.000000	0.011156	-0.009601	-0.033226	-0.028365	0.012609	-0.012713	
MSSubClass	0.011156	1.000000	-0.357056	-0.139781	0.032628	-0.059316	0.027850	
LotFrontage	-0.009601	-0.357056	1.000000	0.306795	0.234196	-0.052820	0.117598	
LotArea	-0.033226	-0.139781	0.306795	1.000000	0.105806	-0.005636	0.014228	
OverallQual	-0.028365	0.032628	0.234196	0.105806	1.000000	-0.091932	0.572323	
OverallCond	0.012609	-0.059316	-0.052820	-0.005636	-0.091932	1.000000	-0.375983	
YearBuilt	-0.012713	0.027850	0.117598	0.014228	0.572323	-0.375983	1.000000	
YearRemodAdd	-0.021998	0.040581	0.082746	0.013788	0.550684	0.073741	0.592855	
MasVnrArea	-0.050199	0.022895	0.179283	0.103960	0.410238	-0.127788	0.314745	
BsmtFinSF1	-0.005024	-0.069836	0.215828	0.214103	0.239666	-0.046231	0.249503	
BsmtFinSF2	-0.005968	-0.065649	0.043340	0.111170	-0.059119	0.040229	-0.049107	
BsmtUnfSF	-0.007940	-0.140759	0.122156	-0.002618	0.308159	-0.136841	0.149040	
TotalBsmtSF	-0.015415	-0.238518	0.363358	0.260833	0.537808	-0.171098	0.391452	
1stFlrSF	0.010496	-0.251758	0.414266	0.299475	0.476224	-0.144203	0.281986	
2ndFlrSF	0.005590	0.307886	0.072483	0.050986	0.295493	0.028942	0.010308	
LowQualFinSF	-0.044230	0.046474	0.036849	0.004779	-0.030429	0.025494	-0.183784	
GrLivArea	0.008273	0.074853	0.368392	0.263116	0.593007	-0.079686	0.199010	
BsmtFullBath	0.002289	0.003491	0.091481	0.158155	0.111098	-0.054942	0.187599	
BsmtHalfBath	-0.020155	-0.002333	-0.006419	0.048046	-0.040150	0.117821	-0.038162	
FullBath	0.005587	0.131608	0.180424	0.126031	0.550600	-0.194149	0.468271	
HalfBath	0.006784	0.177354	0.048258	0.014259	0.273458	-0.060769	0.242656	
BedroomAbvGr	0.037719	-0.023438	0.237023	0.119690	0.101676	0.012980	-0.070651	
KitchenAbvGr	0.002951	0.281721	-0.005805	-0.017784	-0.183882	-0.087001	-0.174800	
TotRmsAbvGrd	0.027239	0.040380	0.320146	0.190015	0.427452	-0.057583	0.095589	
Fireplaces	-0.019772	-0.045569	0.235755	0.271364	0.396765	-0.023820	0.147716	
GarageYrBlt	0.000070	0.080187	0.064324	-0.024812	0.518018	-0.306169	0.780555	
GarageCars	0.016570	-0.040110	0.269729	0.154871	0.600671	-0.185758	0.537850	
GarageArea	0.017634	-0.098672	0.323663	0.180403	0.562022	-0.151521	0.478954	
WoodDeckSF	-0.029643	-0.012579	0.077106	0.171698	0.238923	-0.003334	0.224880	
OpenPorchSF	-0.000477	-0.006100	0.137454	0.084774	0.308819	-0.032589	0.188686	
EnclosedPorch	0.002889	-0.012037	0.009790	-0.018340	-0.113937	0.070356	-0.387268	
3SsnPorch	-0.046635	-0.043825	0.062335	0.020423	0.030371	0.025504	0.031355	
ScreenPorch	0.001330	-0.026030	0.037684	0.043160	0.064886	0.054811	-0.050364	
PoolArea	0.057044	0.008283	0.180868	0.077672	0.065166	-0.001985	0.004950	
MiscVal	-0.006242	-0.007683	0.001168	0.038068	-0.031406	0.068777	-0.034383	
MoSold	0.021172	-0.013585	0.010158	0.001205	0.070815	-0.003511	0.012398	
YrSold	0.000712	-0.021407	0.006768	-0.014261	-0.027347	0.043950	-0.013618	
SalePrice	-0.021917	-0.084284	0.334901	0.263843	0.790982	-0.077856	0.522897	

38 rows × 38 columns

#### 6. Determinar el conjunto de modelización y el de validación

• Para determinar el conjunto de modelización se realiza un merge entre el conjunto de variables numéricas y las variables no numéricas (para este caso se toma las variables ficticias). Adicionalmente se excluye la columna ld ya que no es útil para el modelo de estimación. Se separa las variables entre las columnas para realizar la predicción y la columna a predecir el precio de venta de un inmueble(SalePrice).

```
In [16]: df_data = pd.concat([df_var_numericas,df_encoder],axis=1)
    df_data.drop(['Id'], axis=1)
    columnas_x=df_data.columns.difference(['SalePrice'])
    X=df_data[columnas_x]
    Y=df_data['SalePrice']
```

 Se segmenta los datos en dos conjuntos uno de entrenamiento con el 80% y de prueba 20% del total de datos respectivamente.

```
In [17]: train_x,test_x,train_y,test_y=train_test_split(X,Y,test_size=0.2, random_state = semilla_aleatoria)
```

#### 7. Pasos regresión método de Árboles

#### Parametrización del algoritmo de regresión.

#### Predicción del modelo.

```
In [19]: predEY_reg_arb=reg_arboles.predict(test_x)
```

#### Métricas.

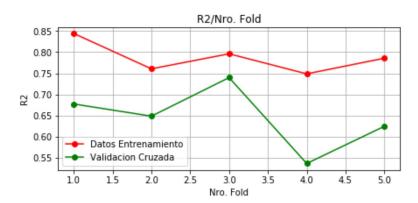
```
In [20]: print('MAE',mean_absolute_error(test_y,predEY_reg_arb))
    print('MSE',mean_squared_error(test_y,predEY_reg_arb))
    print('R2', r2_score(test_y,predEY_reg_arb))

MAE 24159.11219788087
    MSE 1278008498.6537373
    R2 0.7673217151580184
```

#### Validación cruzada r2 score con mínimo 5 folds

• En general el tratar de que una función aprenda sobre el mismo conjunto de datos sin que exista un conjunto de datos de test se considera como un error metodológico. Es decir que es óptimo para predecir los datos con los que se entrena, pero este generalmente falla al realizar predicciones sobre nuevos conjuntos de datos. Luego podemos utilizar un método de validación cruzada conocido como K-fold cross-validation en donde los datos se dividen en K subconjuntos. Cada subconjunto se utiliza como datos de prueba y el resto (K-1) como datos de entrenamiento.

```
In [21]: def graficar_r2_scores(estimator, train_x, train_y,test_x,test_y,nparts=5,jobs=N
         one):
             kfold = KFold(n_splits=nparts,shuffle=True, random_state=semilla_aleatoria)
             fig,axes = plt.subplots(figsize=(7, 3))
             axes.set_title("R2/Nro. Fold")
             axes.set_xlabel("Nro. Fold")
             axes.set_ylabel("R2")
             train_scores = cross_val_score(estimator, train_x, train_y, cv = kfold, n_jo
         bs=jobs, scoring="r2")
             test_scores = cross_val_score(estimator, test_x, test_y, cv = kfold, n_jobs=
         jobs,scoring="r2")
             train sizes = range(1,nparts+1,1)
             axes.grid()
             axes.plot(train sizes, train scores, 'o-', color="r", label="Datos Entrenamie
             axes.plot(train sizes, test scores, 'o-', color="g", label="Validacion Cruzad
             axes.legend(loc="best")
             return train scores
In [22]: graficar r2 scores(reg arboles, train x, train y, test x, test y, nparts=5, jobs=2)
```



Out[22]: array([0.84414426, 0.760588 , 0.79611255, 0.74869211, 0.78572832])

#### 8. Pasos regresión método Random Forest

Parametrización del algoritmo de regresión.

#### Predicción del modelo.

```
In [24]: predEY_reg_rfor=reg_rndforest.predict(test_x)
```

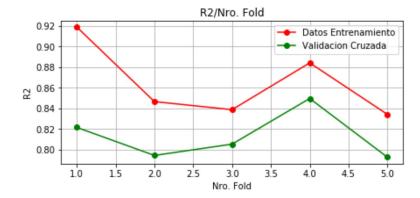
#### Métricas.

```
In [25]: print('MAE', mean_absolute_error(test_y, predEY_reg_rfor))
    print('MSE', mean_squared_error(test_y, predEY_reg_rfor))
    print('R2', r2_score(test_y, predEY_reg_rfor))

MAE 17247.943219178083
    MSE 727477777.6496911
    R2 0.8675530861160197
```

#### Validación cruzada r2 score con mínimo 5 folds.

```
In [26]: graficar_r2_scores(reg_rndforest, train_x, train_y, test_x, test_y, nparts=5, jobs=2)
Out[26]: array([0.91863702, 0.84651883, 0.83870562, 0.88396926, 0.83417541])
```



- 9. Para los métodos de clasificación se crea los siguientes grupos: grupo1 SalePrice menor o igual a 100 000, grupo2 SalePrice entre 101 000 y 500 000 y grupo3 SalePrice mayor o igual a 501 000.
  - Se muestra el agrupamiento de datos para cada tipo.

```
In [27]: df_sp=df_data[['SalePrice']].copy()
         df_sp['SalePrice_grupo'] = cons_no_asignado
         df_sp['SalePrice_grupo'] = np.where((df_sp['SalePrice'] <=100000),</pre>
                                              'grupo1',df sp['SalePrice grupo'])
         df sp['SalePrice grupo'] = np.where((df sp['SalePrice'] >100000)&(df sp['SalePri
         ce'] <=500000),
                                              'grupo2',df sp['SalePrice grupo'])
         df sp['SalePrice grupo'] = np.where((df sp['SalePrice'] >501000),
                                              'grupo3',df sp['SalePrice grupo'])
         display(df sp['SalePrice grupo'].value counts())
         grupo2
                  1328
                  123
         grupo1
         grupo3
         Name: SalePrice_grupo, dtype: int64
```

#### 10. Determinar el conjunto de modelización y el de validación

 Para determinar el conjunto de modelización se realiza un merge entre el conjunto de variables numéricas y las variables agrupadas por categorías. Adicionalmente se excluye la columna ld ya que no es útil para el modelo de estimación. Se separa las variables entre las columnas para realizar la predicción y la columna a predecir el clasificador por el grupo al que pertenece la venta de un inmueble.

#### 11. Pasos método Clasificación método de Árboles

#### Parametrización del algoritmo de clasificación.

#### Predicción del modelo.

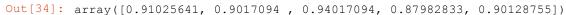
```
In [31]: predEY_clas_arb=clas_arboles.predict(test_xc)
```

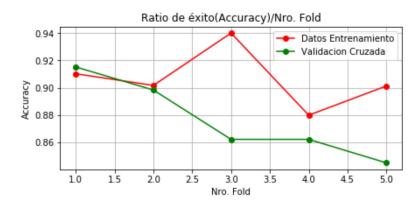
#### Métricas.

```
In [32]: display(confusion_matrix(test_yc,predEY_clas_arb))
         clas_report=classification_report(test_yc,predEY_clas_arb)
        print(clas_report)
        array([[ 17, 12],
               [ 19, 244]], dtype=int64)
                      precision recall f1-score
                                                    support
                           0.47
                                     0.59
                                              0.52
                                                          29
              grupo1
                           0.95
                                    0.93
                                               0.94
                                                          263
              grupo2
                                               0.89
                                                         292
            accuracy
                           0.71
                                   0.76
                                              0.73
                                                         292
           macro avg
        weighted avg
                           0.91
                                   0.89
                                              0.90
                                                         292
```

#### Validación cruzada accuracy score con mínimo 5 folds.

```
In [33]: def graficar accuracy scores(estimator, train x, train y, test x, test y, nparts=5,
         jobs=None):
             kfold = KFold(n splits=nparts, shuffle=True, random_state=semilla_aleatoria)
             fig,axes = plt.subplots(figsize=(7, 3))
             axes.set title("Ratio de éxito(Accuracy)/Nro. Fold")
             axes.set xlabel("Nro. Fold")
             axes.set ylabel("Accuracy")
             train scores = cross val score(estimator, train x, train y, cv = kfold, n job
         s=jobs, scoring="accuracy")
             test scores = cross val score(estimator, test x, test y, cv = kfold, n jobs=
         jobs, scoring="accuracy")
             train_sizes = range(1,nparts+1,1)
             axes.grid()
             axes.plot(train_sizes, train_scores, 'o-', color="r",label="Datos Entrenamie
         nto")
             axes.plot(train sizes, test scores, 'o-', color="g", label="Validacion Cruzad
         a")
             axes.legend(loc="best")
             return train_scores
```





#### 12. Pasos método Clasificación Random Forest

Parametrización del algoritmo de clasificicación.

#### Predicción del modelo.

```
In [36]: predEY_clas_rnd=clas_rndforest.predict(test_xc)
```

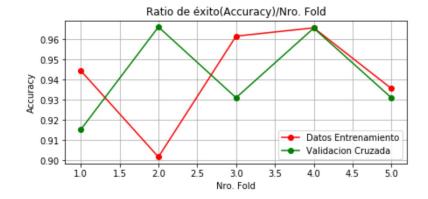
#### Métricas.

```
In [37]: display(confusion matrix(test yc,predEY clas rnd))
         class_report=classification_report(test_yc,predEY_clas_rnd)
         print(class report)
         array([[ 15, 14],
               [ 3, 260]], dtype=int64)
                      precision recall f1-score
                                                    support
                           0.83
                                   0.52
                                               0.64
                                                          29
              grupo1
                           0.95
                                     0.99
                                              0.97
              grupo2
                                                         263
                                              0.94
                                                         292
            accuracy
                                0.75
                           0.89
                                              0.80
           macro avg
                                                         292
                           0.94
                                   0.94
                                              0.94
                                                         292
        weighted avg
```

#### Validación cruzada accuracy score con mínimo 5 folds.

```
In [38]: graficar_accuracy_scores(clas_rndforest, train_xc, train_yc, test_xc, test_yc, nparts = 5, jobs=2)
```

Out[38]: array([0.94444444, 0.9017094, 0.96153846, 0.96566524, 0.93562232])



# 15. Comparar mediante las medidas que parezcan adecuadas la capacidad predictiva de ambos métodos. Es decir, comparar el error cuadrático medio de los dos modelos y concluir cuál es mejor. Seguir el mismo procedimiento con la matriz de confusión de los dos modelos para el ejercicio de clasificación.

- Para las funciones de regresión el método de random forest sus métricas error cuadrático medio es menor y R2 es mayor comparado con el método de arboles de decisión. Por tanto random forest, es el mejor método para predecir un valor en este conjunto de datos.
- Para las funciones de clasificación la matriz de confusión, cuyos valores son métricas de las estimaciones, el método de random forest tiene el valor de ratio de éxito mayor y el valor f1. Por tanto random forest, es el mejor método para clasificar en este conjunto de datos.

# 14. Comente las ventajas y desventajas de cada modelo. De acuerdo con los resultados, son realmente útiles los modelos creados para el conjunto de datos propuesto o es mejor investigar otros algoritmos.

#### **Random Forest:**

Desventajas	Ventajas
* Mayor tiempo de ejecución.	* El ratio aproximado de éxito es mayor.
* Es difícil de interpretar	* Fácil de entrenar
* Los modolos resultado pueden ser muy compleios	* Pandam farest provious al avarfitting al arear sub conjuntos alectorios

<sup>\*</sup> Random forest previene el overfitting al crear sub-conjuntos aleatorios. \* Los modelos resultado pueden ser muy complejos

#### Arboles de decisión:

Desventajas	Ventajas
* Tiene problemas con conjuntos de datos faltantes.	* Tienen un bajo coste computacional.
* Tiene problemas con datos complejos.	* Es fácil de interpretar y convertir en reglas.
* Pueden sufrir de overfitting ya que dividen o segmentan el espacio de las variables	<ul> <li>* • Puede manejar un gran número de cateréticas</li> </ul>

#### Son realmente útiles los modelos:

Para el problema y el conjunto de datos para la regresión considero que debe considerarse realizar algún método adicional ya que la efectividad en menor al 92% para ambos métodos. Para el caso del problema de clasificación el estimador de Random Forest tiene una mejor ratio de éxito sobre los arboles de decisión incluso al excluir el grupo3 en las categorías clasificar. Finalmente sería bueno realizar un contraste contra algún método adicional.

Por otro lado, y en particular considero que esta pregunta depende de ciertos parámetros adicionales que puedan dar una justificación a priori del si los modelos se ajustan a las necesidades del negocio, proyecto, investigación y etcétera, que consideren que estos resultados realmente pueden representar los datos que esperan o que estos modelos pueden representar una ventaja competitiva. Adicionalmente es importante considerar el ámbito de los datos y el rátio de éxito que se espera de los modelos. Por ejemplo, en aplicaciones críticas, citar el buscar estimar la potencia para un láser en una cirugía ocular. Es decir, es importante un criterio adicional basado en la experiencia de los datos y juicio de expertos que puedan sustentar si el modelo se ajusta al contexto en que se presentó como una posible solución.

En conclusión, se sugiere realizar una contrastación contra otros algoritmos y adicionalmente validar los resultados con juicios de expertos en el contexto que el problema este definido.

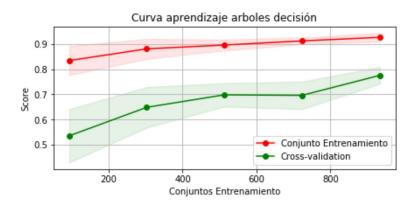
#### 15. Otros comentarios que parezcan adecuados.

#### Presentación de las curvas de aprendizaje para cada modelo

• La curva de aprendizaje es una gráfica del rendimiento del aprendizaje modelo sobre la experiencia o el tiempo. Y estas sirven para diagnosticar un modelo de conjunto, o realizar un ajuste adecuado.

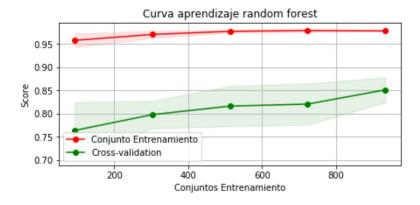
```
In [39]: import numpy as np
         import matplotlib.pyplot as plt
         from sklearn.model_selection import learning_curve
         from sklearn.model selection import ShuffleSplit
         def plot curva aprendizaje (estimator, title, X, y,n jobs=None, train sizes=np.li
         nspace(.1, 1.0, 5)):
             cv = ShuffleSplit(n splits=10, test size=0.2, random state=0)
             fig,axes = plt.subplots(figsize=(7, 3))
             axes.set title(title)
             axes.set xlabel("Conjuntos Entrenamiento")
             axes.set_ylabel("Score")
             train sizes, train scores, test scores, fit times,
                 learning curve(estimator, X, y, cv=cv, n jobs=n jobs,
                                train sizes=train sizes,
                                return times=True, random state=semilla aleatoria)
             train scores mean = np.mean(train scores, axis=1)
             train scores std = np.std(train scores, axis=1)
             test scores mean = np.mean(test_scores, axis=1)
             test scores std = np.std(test scores, axis=1)
             fit times mean = np.mean(fit times, axis=1)
             fit times std = np.std(fit times, axis=1)
             axes.grid()
             axes.fill between(train sizes, train scores mean - train scores std,
                                  train scores mean + train scores std, alpha=0.1,
                                  color="r")
             axes.fill between(train sizes, test scores mean - test scores std,
                                  test scores mean + test scores std, alpha=0.1,
                                  color="q")
             axes.plot(train sizes, train scores mean, 'o-', color="r",
                         label="Conjunto Entrenamiento")
             axes.plot(train_sizes, test_scores_mean, 'o-', color="g",
                          label="Cross-validation")
             axes.legend(loc="best")
             return plt
```

#### Curva aprendizaje regresión arboles decisión



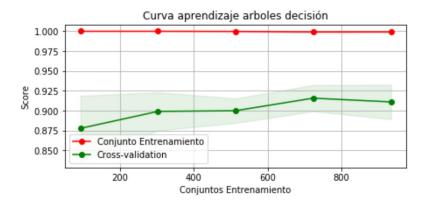
#### Curva aprendizaje regresión random forest

```
In [41]: titulo = "Curva aprendizaje random forest"
    plot_curva_aprendizaje(reg_rndforest, titulo, train_x, train_y, n_jobs=2)
```



#### Curva aprendizaje clasificación arboles decisión

```
In [42]: titulo = "Curva aprendizaje arboles decisión"
plot_curva_aprendizaje(clas_arboles, titulo , train_xc, train_yc, n_jobs=2)
```



#### Curva aprendizaje clasificación random forest

