

# Informe

*Aguar Luis, Figueira Miguel y Padrino David*

## Multiplicación Matriz – Vector:

Tomaremos los parámetros que necesitamos para ejecutar la función (la ubicación de los datos de la matriz y el vector).

```
library("parallel")
library("foreach")
library("doParallel")

#parametros

matriz <- "datos/tblAkv10x10.csv"
vector <- "datos/tblxkv10.csv"
n <- 10
limite = -1
```

Creamos una función aparte que haga el producto de Vector por Vector para poder usarla posteriormente cuando sea necesaria.

```
# funcion que multiplica 2 vectores de igual forma
# como se necesita en la multiplicacion matriz- vector
vxv <- function (vector1,vector2){
  #vector 1 es el vector de la matriz
  #vector 2 es el vector
  sum <- 0
  for (i in 1:length(vector1)){
    sum <- vector1[i] * vector2[i] + sum
  }
  return (sum)
}
```

Realizamos la lectura para determinar la cantidad máxima de valores que podemos tener en memoria

```
#open conection
con.matriz <- file(matriz, "r")
con.vector <- file(vector, "r")
```

```

# read just 1 value to know the size of the string and so
# know the max of values that can read in memory
tam.matriz <- object.size(readLines(con.matriz,1))
tam.vector <- object.size(readLines(con.vector,1))

#close conection to reboot the pointer of the file
close(con.matriz,type="r")
close(con.vector,type="r")

```

Aquí se realiza tanto el “map” como el “reduce”.

```

#function to know the limit of the memory
memoria.limite <- memlimit(limite)

#cantidad de N valores que puedo leer o almacenar en memoria
maximo.leer.matriz <- as.integer(memoria.limite / tam.matriz) %/% 2
maximo.leer.matriz <- 2
max <- 2
if (maximo.leer.matriz > n){
  # then i can read all vector and all first row of the matrix
  # to calculate the first row of the new vector

  # open the conection with files
  con.matriz <- file(matriz, "r")
  con.vector <- file(vector, "r")

  #its the same vector for all the rows of the matrix
  valores.vector <- as.numeric(unlist(strsplit(readLines(con.vector,n,warn =
FALSE),",")))
  valores.vector <- valores.vector[seq(from = 2 , to = n*2 , by = 2)]
  for (i in 1:n){
    valores.matriz <- as.numeric(unlist(strsplit(readLines(con.matriz,n,warn =
FALSE),",")))
    valores.matriz <- valores.matriz[seq(from = 3, to = n*3,by = 3 )]
    c <- c(paste(i,as.character(vxv(valores.matriz,valores.vector)),sep=","))
    #print(c)
    writeLines(c,con.resultado)
  }
  close(con.matriz,type="r")
  close(con.vector,type="r")
  close(con.resultado,type="w")
}else{
  #n-(i*maximo.leer.matriz)
  #vector not fit in memory
  con.matriz <- file(matriz, "r")

```

```

con.resultado <- file("resultado_vector.csv", "w")
for(j in 1:n){
  con.vector <- file(vector, "r")
  con.intermedio <- file("intermedio.csv", "w")
  for(i in 1:ceiling(n/maximo.leer.matriz)){
    valores.vector <- as.numeric(unlist(strsplit(readLines(con.vector,max,
                                                    warn = FALSE),",")))
    valores.vector <- valores.vector[seq(from = 2 , to = max*2 , by = 2)]
    if (n < i*maximo.leer.matriz){
      valores.matriz <- as.numeric(unlist(strsplit(readLines(
        con.matriz, n = (i*maximo.leer.matriz) - n, warn =
FALSE),",")))

      valores.matriz <- valores.matriz[seq(from = 3, to = max*3, by = 3 )]
      valores.matriz <- valores.matriz[!is.na(valores.matriz)]

    }else{
      valores.matriz <- as.numeric(unlist(strsplit(readLines(con.matriz,max, warn =
FALSE),",")))
      valores.matriz <- valores.matriz[seq(from = 3, to = max*3, by = 3 )]
    }
    writeLines(as.character(vxv(valores.matriz, valores.vector)), con.intermedio)
  }
  rm(valores.vector)
  rm(valores.matriz)
  close(con.vector, type="r")
  close(con.intermedio, type="w")
  con.intermedio <- file("intermedio.csv", "r")
  suma <- 0
  for(k in 1:ceiling(n/max)){
    suma <- suma + sum(as.numeric(readLines(con.intermedio, n = maximo.leer.matriz)))
    #print(paste(j, suma, sep=", "))
  }
  close(con.intermedio, type="r")
  c <- c(paste(j, suma, sep=", "))

  writeLines(c, con.resultado)
  #the result it is in the file resultado.csv

  rm(c)
  rm(suma)
}
close(con.matriz, type="r")
close(con.resultado, type="w")
}

```

## Multiplicación Matriz – Matriz:

Consideramos el tamaño de la memoria a usar

```
memlimit <- function(size){  
  if (size == -1 ){  
    return(memory.limit() - 100)  
  }else{  
    return (size)  
  }  
}
```

Tomamos los parámetros a usar, los cuales serán las direcciones de los archivos que contienen las 2 matrices

```
#parametros  
matriz <- "tblAkv3x3.csv"  
matriz2 <- "tblAkv3x3.csv"  
n <- 3  
limite = -1
```

Obtenemos los valores de cada columna que hay en la segunda matriz.

```
c <- c()  
columna <- 3  
if(columna == n){  
  for(k in seq(from=columna,to=((n*n)-1),by=3)){  
    a <- read.csv(matriz2,header = F,skip = k,nrows=1)  
    print(a)  
    c <- c(c,a$V3)  
  }  
}else{  
  for(k in seq(from=columna,to=((n*n)-(n-columna)),by=3)){  
    a <- read.csv(matriz2,header = F,skip = k,nrows=1)  
    print(a)  
    c <- c(c,a$V3)  
  }  
}
```

Cálculo de cantidad de elementos a tomar, basado en la memoria disponible.

```
con.matriz <- file(matriz, "r")  
# read just 1 value to know the size of the string and so  
# know the max of values that can read in memory  
tam.matriz <- object.size(readLines(con.matriz,1))  
#close conection to reboot the pointer of the file
```

```
close(con.matriz,type="r")
```

Producto de fila de la primera matriz por la columna de la matriz B

```
# funcion que multiplica 2 vectores de igual forma
# como se necesita en la multiplicacion matriz- vector
vxv <- function (vector1,vector2){
  #vector 1 es el vector de la matriz
  #vector 2 es el vector
  sum <- 0
  for (i in 1:length(vector1)){
    sum <- vector1[i] * vector2[i] + sum
  }
  return (sum)
}
```

Realización del MapReduce

```
con.resultado <- file("resultado_matriz.csv", "w")
con.matriz <- file(matriz, "r")
con.matriz2 <- file(matriz2,"r")
for(i in 1:n){
  valores.matriz <- as.numeric(unlist(strsplit(readLines(con.matriz,n, warn =
FALSE),",")))
  valores.matriz <- valores.matriz[seq(from = 3, to = n*3,by = 3 )]
  for (j in 1:n){
    c <- c()
    columna <- j-1
    for(k in seq(from=columna,to=((n*n)-1),by=3)){
      a <- read.csv(matriz2,header = F,skip = k,nrows=1)
      c <- c(c,a$V3)
    }
    writelines(paste(i,j,vxv(valores.matriz,c)),con.resultado)
  }
}

close(con.resultado,type="w")
close(con.matriz,type="r")
close(con.matriz2,type="r")
```

Para el caso de cuando alguno de los elementos no cabe en memoria es muy similar al código ya presente en este informe.