h2o

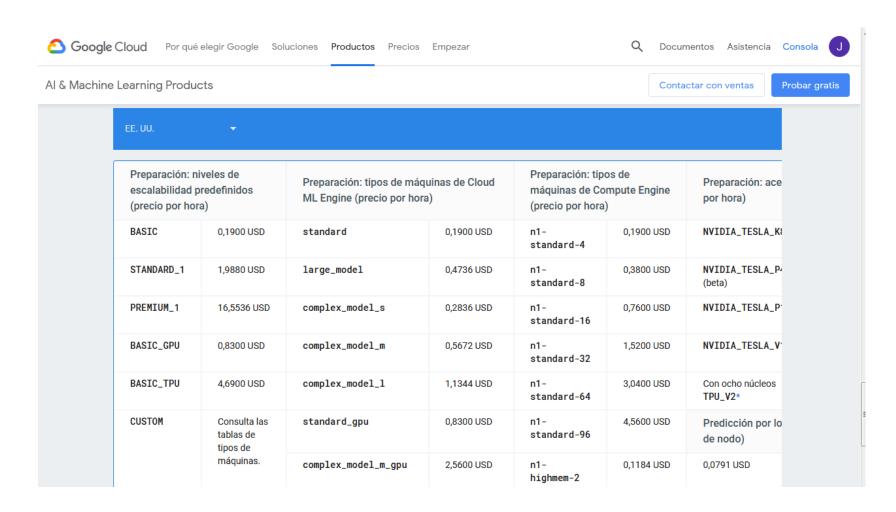
Plataforma para machine learning

Machine Learning As a Service (MLaaS)

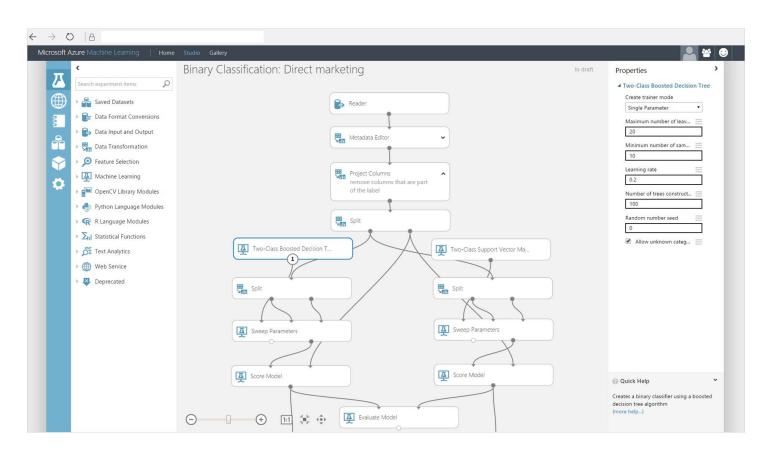
Es un concepto relativo a plataformas que ofrecen ordenadores potentes e interfaz para hacer los cálculos necesarios para machine learning reduciendo el tiempo de cómputo. Habitualmente permiten utilizar Scripts en R y Python.

En Abril de 2019 hay muchas, las más conocidas son:

Google Cloud. Para trabajar con R permite Rstudio Server, hay que crear una máquina virtual (VM) pero utiliza demasiados créditos \$ de memoria. Mejor posiblemente usar Linux y Python. En su versión Free (300\$ de uso) no merece la pena.



Microsoft Azure. Tiene un interfaz para Machine Learning tipo Eminer, llamado Azure Machine Learning Studio. Se pueden incorporar scripts de R o Python. En su versión Free es más lento que ejecutar los programas en nuestro ordenador local en Rstudio.



Amazon Web Service

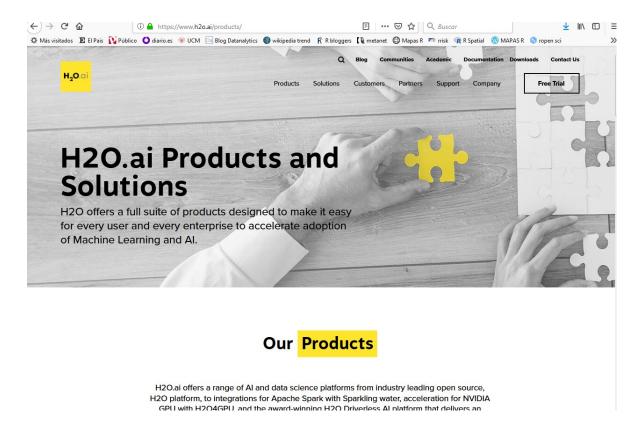
El primero y más utilizado. En su versión libre SageMaker permite usar R y Python (no lo he probado todavía).

https://aws.amazon.com/es/blogs/machine-learning/using-r-with-amazon-sagemaker/



H₂o

Es una plataforma de Machine Learning. Permite integración con los MLaaS anteriores, pero además con Spark, o a través de librerías en R o Python de manera directa. Parte de los algoritmos se ejecutan en sus servidores de manera gratuita. A día de hoy (04-2019), es un servicio gratuito directo y eficaz respecto a los anteriores.



Instalación

Para descargar, una opción seguir las instrucciones: http://h2o-release.s3.amazonaws.com/h2o/rel-yates/2/index.html

Pero en su lugar recomiendo directamente ejecutar este script en R, que instala el paquete desde la web en lugar de meterlo en el disco duro primero.

```
# The following two commands remove any previously installed H2O packages for R.
if ("package:h2o" %in% search()) { detach("package:h2o", unload=TRUE) }
if ("h2o" %in% rownames(installed.packages())) { remove.packages("h2o") }

# Next, we download packages that H2O depends on.
pkgs <- c("RCurl", "jsonlite")
for (pkg in pkgs) {
if (! (pkg %in% rownames(installed.packages()))) { install.packages(pkg) }
}

# Now we download, install and initialize the H2O package for R.
install.packages("h2o", type="source", repos="http://h2o-release.s3.amazonaws.com/h2o/rel-yates/2/R")</pre>
```

Lo más importante es el Java. Lo normal es que solicite una instalación del Java más reciente para que funcione. Si nos pide java, hay que instalarlo y repetir los comandos anteriores.

Una vez instalado, se carga la librería y se inicia la conexión con Java.

```
# Finally, let's load H2O and start up an H2O cluster
library(h2o)
h2o.init()
```

Algunas cuestiones generales respecto al uso de h2o en R:

- 1) Se permite utilizar hasta 8 threads (cores) lo que hace mucho más rápido trabajar con h2o que con nuestro ordenador local. Si queremos resultados reproducibles, ponemos en h20.init nthreads=1 pero si queremos velocidad, nthreads=8.
- 2) Siempre hay que traducir los data frames de R a data frames tipo h2o con la función as.h2o. Para pasar a R se usa as.data.frame o trucos que se pueden ver aquí: https://stackoverflow.com/questions/42865609/how-to-convert-my-h2o-prediction-to-a-data-frame-in-a-fast-way
- 3) No se suelen "nombrar variables". Lo más cómodo es poner la variable dependiente en la primera columna, y contar las columnas restantes para incluir el número de columna en el algoritmo. Ver ejemplos.
- 4) Aunque es muy rápido en la computación, el Java abierto con h2o.init() se queda en la memoria RAM. El ordenador se puede ralentizar en general (es decir, navegar por internet a la vez que se ejecuta Rstudio+h2o puede ser muy lento).

Ver ejemplos de ejecución básica de redes en el código "h2o instalar.R".

Opciones redes (lo llama deep learning pero no es exactamente):

```
h2o.deeplearning(x, y, training frame, model id = NULL,
  validation frame = NULL, nfolds = 0,
  keep cross validation predictions = FALSE,
  keep cross validation fold assignment = FALSE, fold assignment = c("AUTO",
  "Random", "Modulo", "Stratified"), fold column = NULL,
  ignore const cols = TRUE, score each iteration = FALSE,
  weights column = NULL, offset column = NULL, balance classes = FALSE,
  class sampling factors = NULL, max after balance size = 5,
  max hit ratio k = 0, checkpoint = NULL, pretrained autoencoder = NULL,
  overwrite with best model = TRUE, use all factor levels = TRUE,
 standardize = TRUE, activation = c("Tanh", "TanhWithDropout", "Rectifier",
  "RectifierWithDropout", "Maxout", "MaxoutWithDropout"), hidden = c(200,
  200), epochs = 10, train samples per iteration = -2,
  target ratio comm to comp = 0.05, seed = -1, adaptive rate = TRUE,
  rho = 0.99, epsilon = 1e-08, rate = 0.005, rate annealing = 1e-06,
  rate decay = 1, momentum start = 0, momentum ramp = 1e+06,
  momentum stable = 0, nesterov accelerated gradient = TRUE,
  input dropout ratio = 0, hidden dropout ratios = NULL, 11 = 0, 12 = 0,
 \max w2 = 3.4028235e+38, initial weight distribution = c("UniformAdaptive",
  "Uniform", "Normal"), initial weight scale = 1, initial weights = NULL,
  initial biases = NULL, loss = c("Automatic", "CrossEntropy", "Quadratic",
  "Huber", "Absolute", "Quantile"), distribution = c("AUTO", "bernoulli",
  "multinomial", "gaussian", "poisson", "gamma", "tweedie", "laplace",
  "quantile", "huber"), quantile alpha = 0.5, tweedie power = 1.5,
  huber alpha = 0.9, score interval = 5, score training samples = 10000,
  score validation samples = 0, score duty cycle = 0.1,
  classification stop = 0, regression stop = 1e-06, stopping rounds = 5,
  stopping metric = c("AUTO", "deviance", "logloss", "MSE", "RMSE", "MAE",
 "RMSLE", "AUC", "lift top group", "misclassification",
  "mean per class error"), stopping tolerance = 0, max_runtime_secs = 0,
  score validation sampling = c("Uniform", "Stratified"),
  diagnostics = TRUE, fast mode = TRUE, force load balance = TRUE,
  variable importances = FALSE, replicate training data = TRUE,
  single node mode = FALSE, shuffle training data = FALSE,
  missing values handling = c("MeanImputation", "Skip"), quiet mode = FALSE,
  autoencoder = FALSE, sparse = FALSE, col major = FALSE,
  average activation = 0, sparsity beta = 0,
  max categorical features = 2147483647, reproducible = FALSE,
  export weights and biases = FALSE, mini batch size = 1,
  categorical encoding = c("AUTO", "Enum", "OneHotInternal", "OneHotExplicit",
  "Binary", "Eigen"), elastic averaging = FALSE,
  elastic averaging moving rate = 0.9,
  elastic averaging regularization = 0.001)
```

h2o permite grid search con cv como el caret. Ver archivo grid search h2o.R.

Por otra parte, h2o tiene el **paquete AutoML** que prueba diferentes algoritmos y ensamblado (stacking) con cv.

- -Redes (h20.deeplearning)
- -Gbm (h20.gbm)
- -Random forest (h20.drf)
- -Logística o regresión, ambos LASSO (h20.glm)

Ver ejemplos en el archivo grid search h2o.R. y h2o clasificación.R.

Aunque funciona muy bien sin selección de variables, es bueno seleccionar antes como se ve aquí: pruebas h2o con y sin.R.