

Leggere due sequenze di interi terminata da -1 e verificare se la seconda è sottosequenza della prima. In caso affermativo, restituire la posizione di inizio della sottosequenza. Altrimenti, stampare “sottosequenza non trovata”

Esempio:

S1: 1 2 3 4 5 6 -1

S2: 5 6 7 -1

Output: sottosequenza non trovata

Esempio 2:

S1: 1 2 3 4 5 6 -1

S2: 3 4 5 -1

Output: 2 (posizione del 3, l'inizio della sotto sequenza)