# DIAGNÓSTICO DE RESÍDUOS



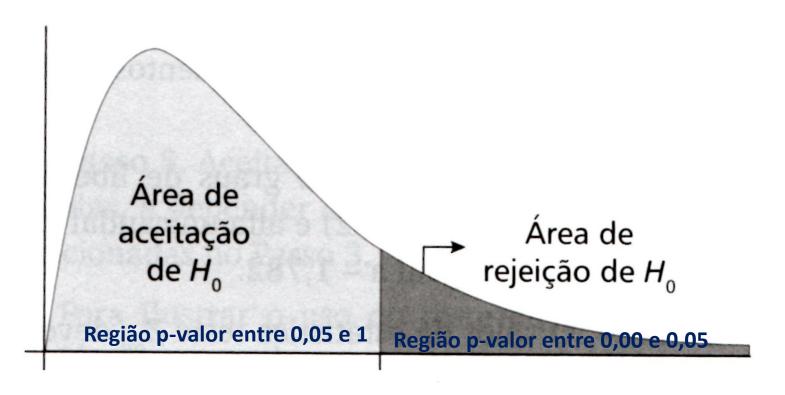
Estimado o modelo deve-se verificar como os resíduos ficaram.

Na formulação original de um modelo temporal os erros são um ruído branco.

Isso pode ser observado se a FAC e FACP dos resíduos não possuem mais memória.



Se não se rejeita a hipótese nula de não autocorrelação dos resíduos via FAC, FACP e Ljung-Box os resíduos se comportam como um ruído branco.



Se o valor-p > 0,05 não rejeitaremos a hipótese nula de que não há autocorrelação.

Se o valor-p < 0,05 rejeitaremos a hipótese nula de que não há autocorrelação



## Teste de Normalidade

Outra maneira de testar a série é verificar se os erros são normalmente distribuídos.

Pode testar ou visualizar a normalidade.

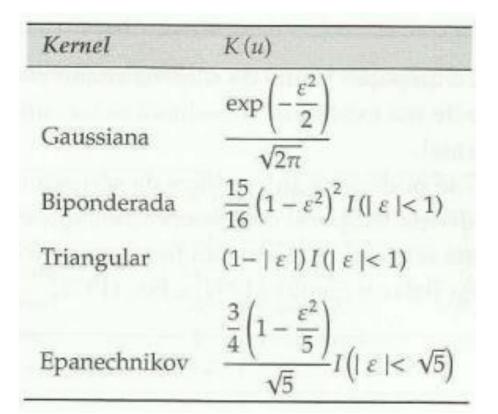
A visualização consiste em estimar a distribuição da série usando-se um ponderador.



Assim a ideia é construir um gráfico utilizando a estimativa de densidade de Kernel como ponderadora.

$$\widehat{f_h}(\varepsilon) = \frac{\sum_{t=1}^T K\left(\frac{\varepsilon - \widehat{\varepsilon}_t^s}{h}\right)}{Th}$$

h é a largura da janela ou parâmetro de suavização K(\*) é a função k f





A escolha da função Kernel geralmente NÃO ALTERA significativamente a função densidade. Entretanto quanto maior h, mais suave será a função

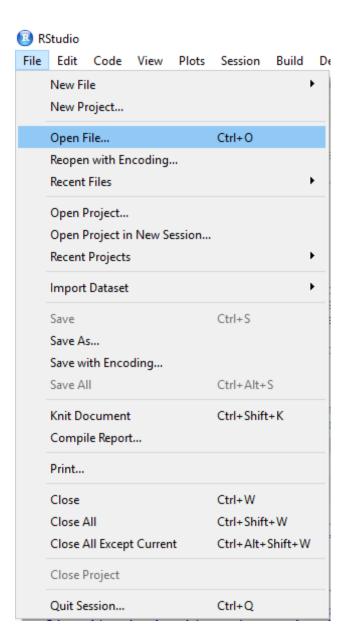


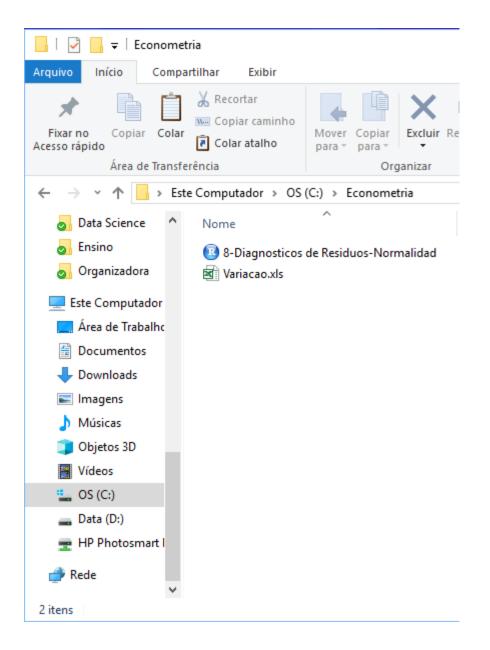
# Teste Jarque-Bera

Testa se a assimetria e curtose da série estimada são os mesmos da distribuição normal

# $Hip \acute{o}te nula: assimetria = 0 e curtose = 3$

Teste Jarque-Bera			
Média	0,644	Assimetria	1,487
Mediana	0,472	Curtose	5,830
Máximo	2,884	Jarque-Bera	104,683
Mínimo	-0,457	Probabilidade	0,000
Desvio-padrão	0,527	The post of the second	-54000









```
install.packages("normtest")
install.packages("agricolae")
library(agricolae)
library(normtest)
library(readxl)
```



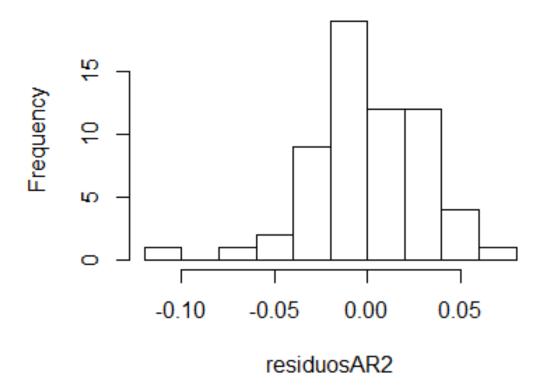
```
variacao_PIB <- read.table("c:/Econometria/variacao.xls", header = T)
var_PIB <- ts(variacao_PIB$variacao_PIB, start =1951, frequency = 1)
AR2 <- arima(var_PIB,c(2,0,0))</pre>
```

residuosAR2 <- AR2\$residuals

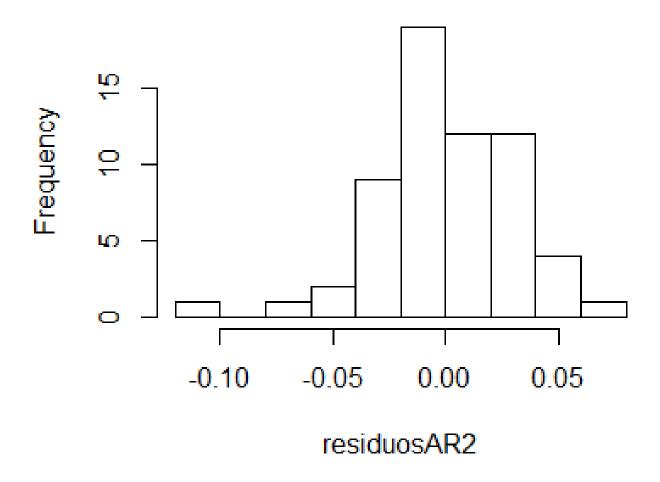


# hist(residuosAR2)

### Histogram of residuosAR2

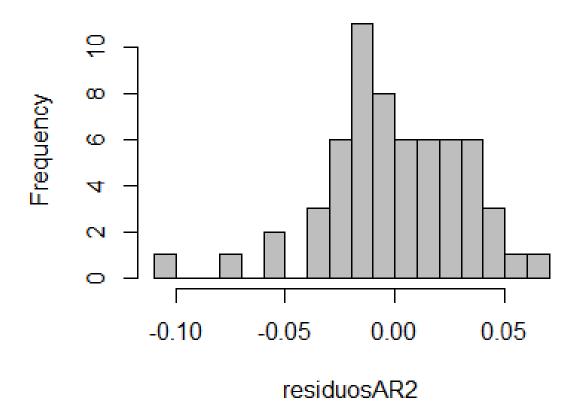




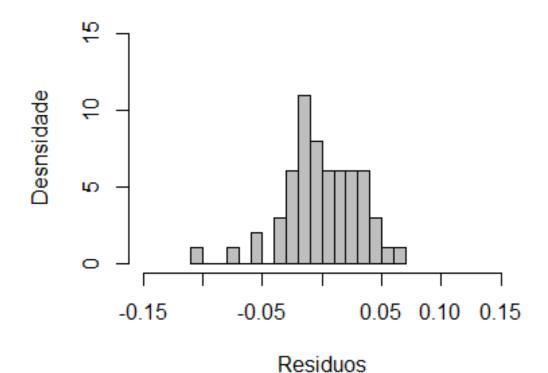




hist(residuosAR2, main = "Histograma dos Residuos", col="Gray", breaks=20)

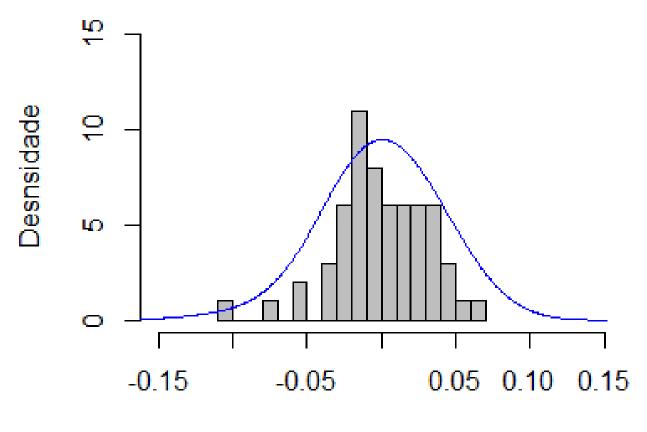






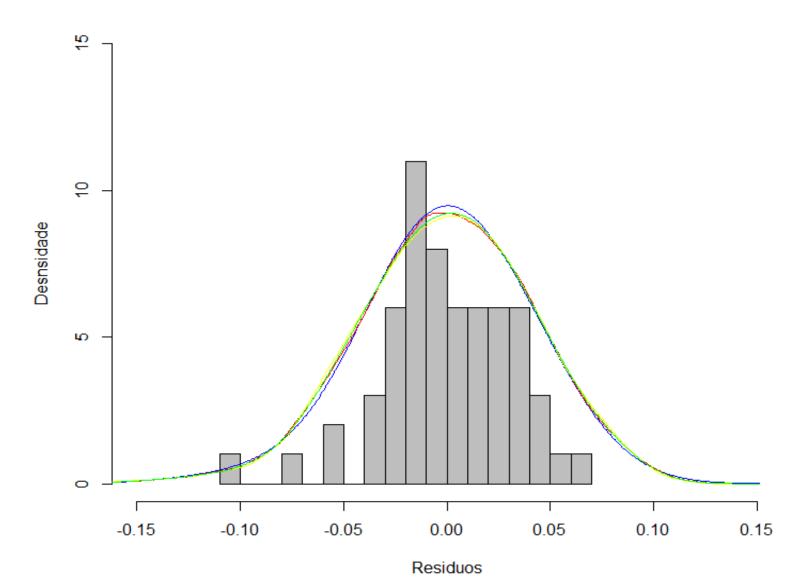


lines(density(residuosAR2, bw=0.03, kernel = "gaussian"),col="Blue")



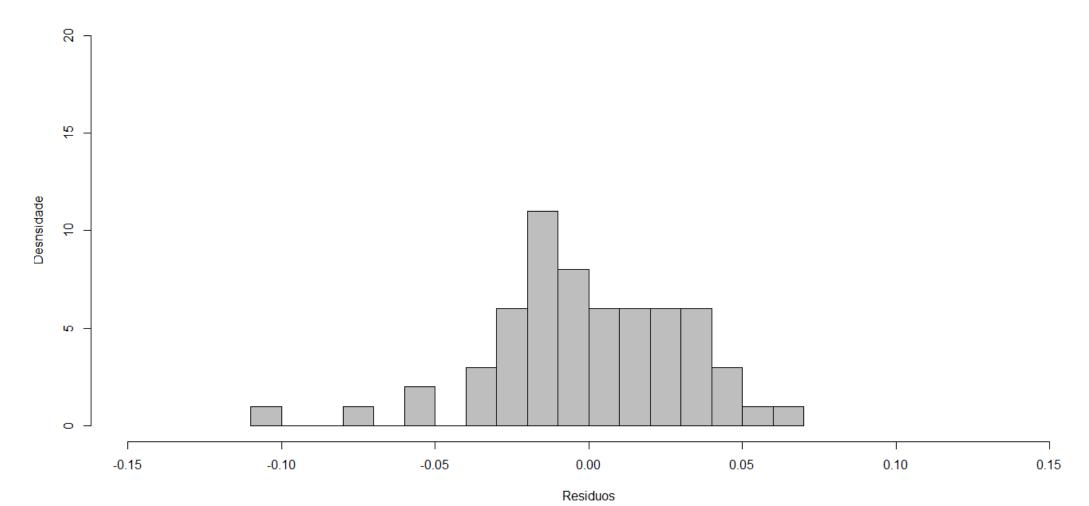
Residuos

```
lines(density(residuosAR2, bw=0.03, kernel = "triangular"),col="Red")
lines(density(residuosAR2, bw=0.03, kernel = "epanechnikov"),col="Yellow")
lines(density(residuosAR2, bw=0.03, kernel = "biweight"),col="Green")
```



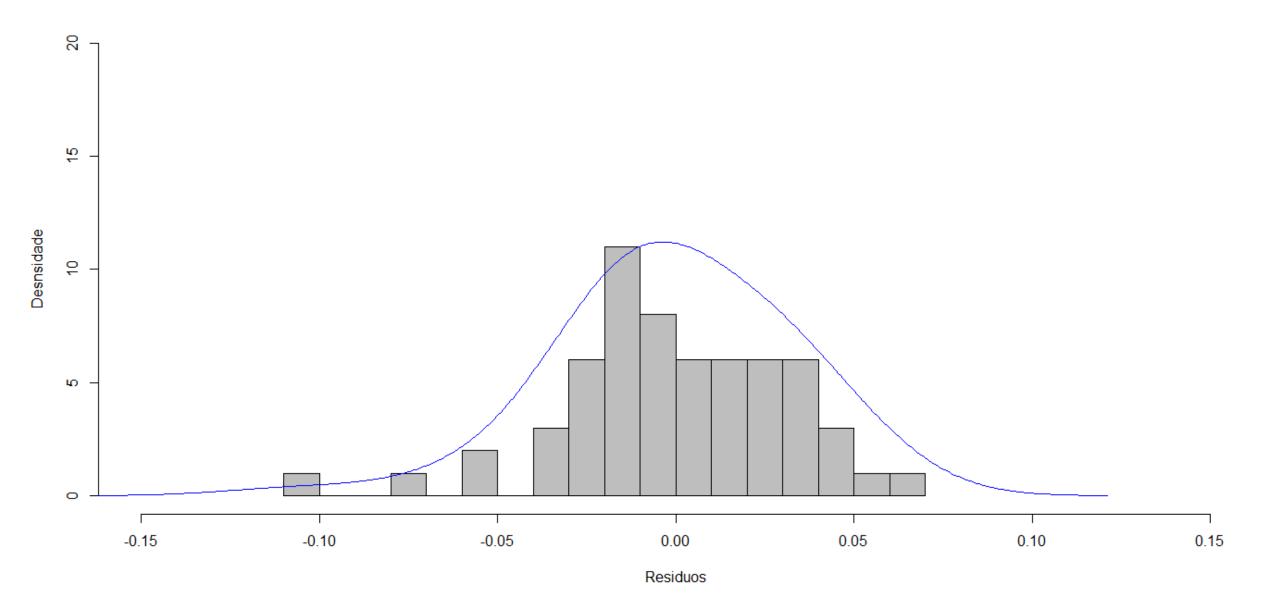
```
hist(residuosAR2, main = "Histograma dos Residuos", col="Gray",breaks = 20,
    xlab="Residuos",
    ylab = "Desnsidade",
    ylim = c(0,20),
    xlim =c(-0.15,0.15) )
```

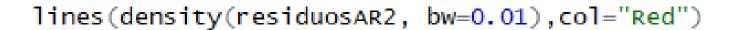




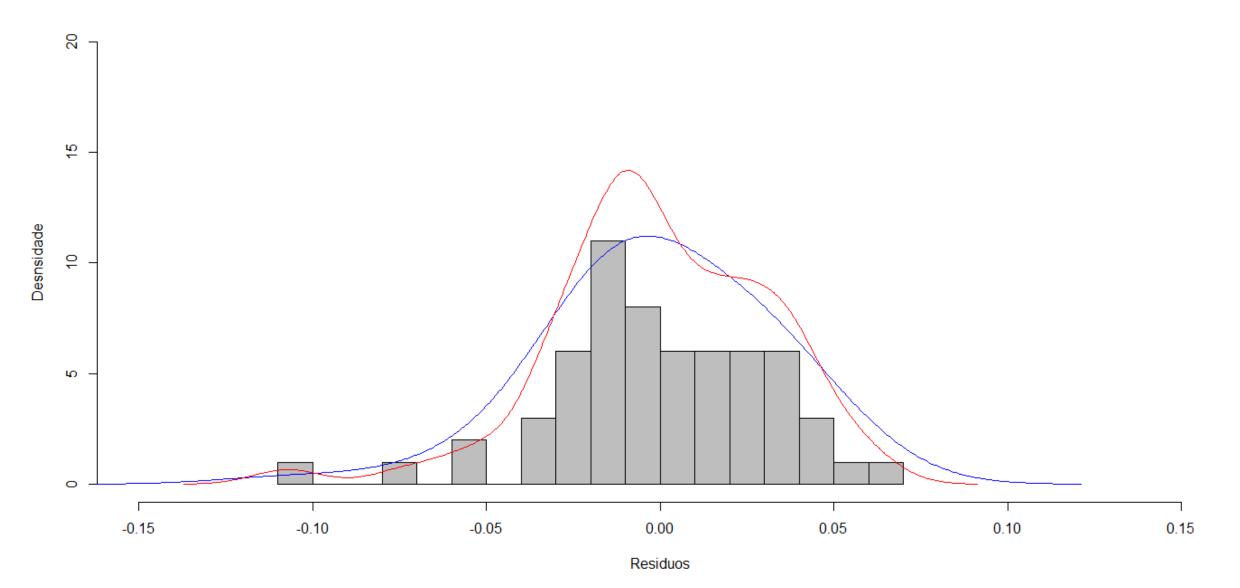
# lines(density(residuosAR2, bw=0.02),col="Blue")



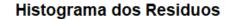


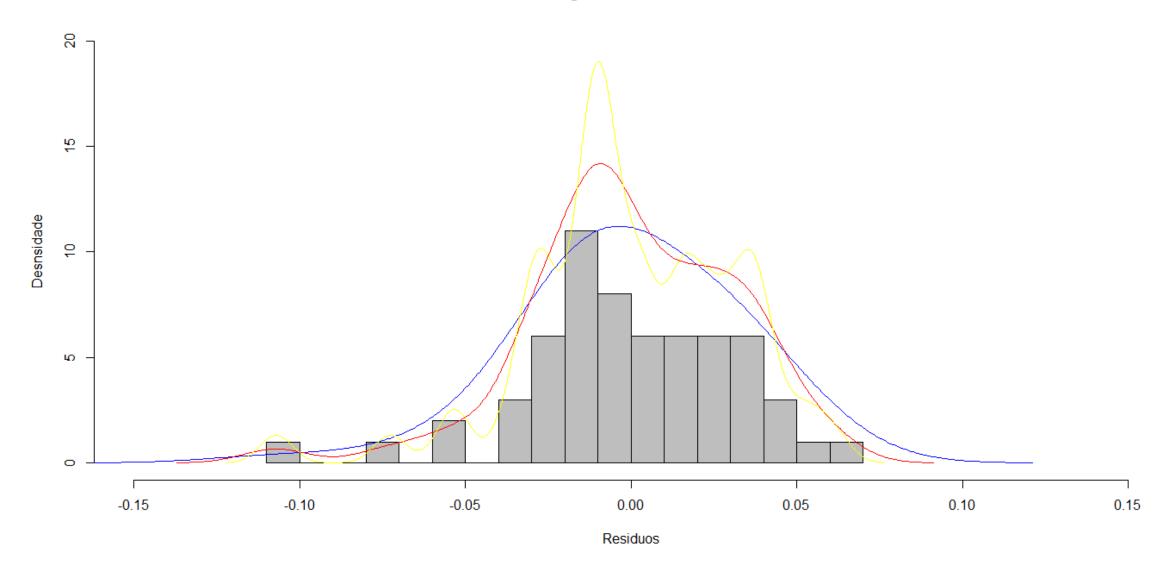






# lines(density(residuosAR2, bw=0.005),col="Yellow") SãOJUdas







jb.norm.test(residuosAR2)

Jarque-Bera test for normality

```
data: residuosAR2
JB = 6.6875, p-value = 0.024
```

```
> skewness(residuosAR2)
[1] -0.6093606
> kurtosis(residuosAR2)
[1] 1.305191
```