

数据处理



NumPy 函数

数组创建函数

numpy.array(序列对象, dtype=类型):将序列对象转换为 NumPy 数组。

numpy.arange(start, stop, step): 创建指定范围内的等距数组。

numpy.linspace(start, stop, num=50): 创建指定范围内等距的浮点数数组。

numpy.ones(形状, dtype=None): 创建指定形状的全1数组。

numpy.zeros(形状, dtype=float): 创建指定形状的全0数组。

numpy.zeros_like(a, dtype=None): 创建与数组 a 形状和类型相同的全0数组。

numpy.random.rand(d0, d1, ..., dn): 创建指定形状的随机浮点数数组。 numpy.random.randint(low, high=None, size=None): 创建指定形状的随机整数数组。 numpy.random.randn(d0, d1, ..., dn): 创建指定形状的标准正态分布随机浮点数数组。

数组属性函数

<数组名>.size: 查看数组元素的总个数。

<数组名>.shape: 查看数组的形状,表示数组维度大小的元组。

<数组名>.ndim: 查看数组有几个维度。

<数组名>.dtype: 查看数组元素的类型。

type(<数组名>): 查看数组类型。

索引函数



🤻 数组索引操作:

一维数组:使用方括号 [] 和索引 i 获取元素,例如 a[i]。

多维数组:使用多个索引,例如 a[i, j, k] 获取元素。

支持负数索引和切片操作。



🔔 数组切片操作:

使用冒号:表示切片,例如 a[start:stop:step]。

可以对多维数组进行切片,例如 a[start1:stop1:step1, start2:stop2:step2, ...]。

切片操作不会改变原数组的维数。



<u> 索引与切片混用:</u>

将数组索引操作和切片操作混合使用,例如 a[i,:] 获取第 i 行的所有元素。

结果是一个比原数组维度低的子数组。



🥨 花式索引:

使用索引列表 [i1, i2, ...] 来访问元素,例如 a[[i1, i2, ...], j]。

可以灵活地选择数组中的行或列。



🐼 布尔索引:

使用布尔数组作为掩码,选择满足条件的元素,例如 a[a < 3]。 可以结合比较运算符和布尔运算符进行更复杂的条件选择。

数组运算函数



算术运算:

+、-、*、/、//、%、**等运算符可以进行元素级的运算。要求参与运算的数组形状相同,或 者可以进行广播操作。

🌟 广播:

当数组形状不同时,可以进行广播操作,自动扩展数组形状,使其可以进行元素级的运算。 例如 a + b, 其中 a 是二维数组, b 是一维数组, b 会被扩展成与 a 相同形状的二维数组。

🕰 线性代数运算:

a.T:矩阵转置,行变列,列变行。

a.dot(b) 或 np.dot(a, b): 矩阵内积或点积。

np.linalg.inv(a): 计算矩阵 a 的逆矩阵。

聚合函数

np.sum(a, axis=None): 对数组 a 的所有元素或指定轴上的元素求和。

np.mean(a, axis=None): 对数组 a 的所有元素或指定轴上的元素求平均数。

np.std(a, axis=None): 对数组 a 的所有元素或指定轴上的元素求标准差。

np.var(a, axis=None): 对数组 a 的所有元素或指定轴上的元素求方差。

np.min(a, axis=None): 对数组 a 的所有元素或指定轴上的元素求最小值。

np.max(a, axis=None): 对数组 a 的所有元素或指定轴上的元素求最大值。

np.argmin(a, axis=None):返回数组 a 中最小元素的索引。

np.argmax(a, axis=None):返回数组 a 中最大元素的索引。

np.cumsum(a, axis=None): 对数组 a 的指定轴上的元素求累计和。

np.cumprod(a, axis=None): 对数组 a 的指定轴上的元素求累计积。

数组变形函数

x.reshape(t):将数组 x 变形为参数 t 所指定的形状。

x.flatten():将高维数组展平为一维向量。

x.ravel():将高维数组展平为一维向量。

数组拼接函数

numpy.concatenate([数组a, 数组b, ...], axis=0): 按指定轴方向合并多个数组。

数组排序函数

numpy.sort(a, axis=-1):返回排序后的新数组,原数组 a 不变。

a.sort(axis=-1): 用排好序的数组替代原数组 a。

numpy.argsort(a, axis=-1):返回原始数组排好序的索引值数组。

Pandas 函数

DataFrame 创建函数

pandas.DataFrame(data, index=index, columns=columns): 创建 DataFrame。

DataFrame 属性函数

df.shape: 查看 DataFrame 的形状。

df.dtypes: 查看 DataFrame 中各列的数据类型。

DataFrame 数据访问函数

df.iloc[行索引, 列索引]: 通过行索引和列索引访问 DataFrame 中的数据。

df.loc[行标签, 列标签]:通过行标签和列标签访问 DataFrame 中的数据。

DataFrame 数据操作函数

df.append(other, ignore index=False): 将另一个 DataFrame 追加到当前 DataFrame。

df.drop(labels, axis=0, inplace=False): 删除指定行或列。

df.drop_duplicates(subset=None, keep='first', inplace=False): 删除重复行。

df.fillna(value): 用指定值填充 NaN 值。

df.replace(old, new): 替换 DataFrame 中的值。

df.sort_values(by, ascending=True): 按指定列排序。

df.describe(): 生成描述性统计信息。

可视化函数

matplotlib.pyplot.scatter(x, y, c=color): 绘制散点图。

matplotlib.pyplot.plot(x, y): 绘制折线图。

matplotlib.pyplot.title(title):设置图表标题。

matplotlib.pyplot.xlabel(label):设置 x 轴标签。

matplotlib.pyplot.ylabel(label): 设置 y 轴标签。

matplotlib.pyplot.show():显示图表。

数据预处理

模块一:数据清洗

数据清洗是提高数据质量的关键步骤,旨在清除与任务无关、格式非法或不在指定范围内的"脏数据"。主要方法包括:

• **重复值处理**:使用 duplicated() 检查重复行, drop_duplicates() 移除重复行。

```
1 import pandas as pd
2
3 # 创建包含重复值的 DataFrame
4 data = pd.DataFrame({
5     'name': ['Alice', 'Bob', 'Alice', 'Charlie', 'Bob'],
6     'age': [25, 30, 25, 35, 30]
7 })
8
```

• **缺失值处理**: 使用 isnull() 和 notnull() 检查缺失值, fillna() 填充缺失值, dropna() 删除缺失值。

```
1 import pandas as pd
2 import numpy as np
3
4 # 创建包含缺失值的 DataFrame
5 data = pd.DataFrame({
      'name': ['Alice', 'Bob', np.nan, 'Charlie', 'Dave'],
      'age': [25, 30, 35, np.nan, 40]
8 })
9
10 # 检查缺失值
11 missing_values = data.isnull()
12
13 # 填充缺失值
14 data_filled = data.fillna(value=0) # 用 0 填充
15
16 # 删除缺失值
17 data_dropped = data.dropna()
18
19 print("缺失值: ", missing_values)
20 print("填充缺失值后的数据:")
21 print(data_filled)
22 print("删除缺失值后的数据: ")
23 print(data_dropped)
```

异常值处理: 使用 3σ 原则、箱线图法、Z-score 法等方法检测异常值,并进行替换或删除。

```
1 import pandas as pd
2
3 # 创建包含异常值的 DataFrame
```

```
4 data = pd.DataFrame({
    'score': [80, 90, 95, 110, 85, 70]
6 })
7
8 # 3o 原则检测异常值
9 mean = data['score'].mean()
10 std = data['score'].std()
11 threshold = 3 * std
12
13 outliers = data[(data['score'] < mean - threshold) | (data['score'] > mean +
   threshold)]
14
15 # 处理异常值 (示例: 用均值替换)
16 data_cleaned = data.replace(to_replace=outliers, value=mean)
17
18 print("异常值:")
19 print(outliers)
20 print("处理异常值后的数据:")
21 print(data_cleaned)
```

• **统一数据格式**: 将数据转换为统一的格式,例如将字符串转换为数值类型。

```
1 data['name'] = data['name'].astype('category')

1 data['age'] = data['age'].astype('float')
```

模块二:数据合并

Pandas 提供了多种合并数据集的方法,包括:

• concat(): 沿着一个轴将多个对象进行堆叠。

```
1 import pandas as pd
2
3 # 创建两个 DataFrame
4 df1 = pd.DataFrame({'A': [1, 2, 3], 'B': [4, 5, 6]})
5 df2 = pd.DataFrame({'A': [7, 8, 9], 'B': [10, 11, 12]})
6
7 # 沿着 の 轴 (默认) 堆叠数据
```

```
8 df_concat = pd.concat([df1, df2], ignore_index=True)
9
10 print(df_concat)
```

输出:

```
1 A B
2 1 4
3 2 5
4 3 6
5 7 10
6 8 11
7 9 12
```

• merge(): 根据主键合并数据。

```
1 import pandas as pd
2 # 创建两个 DataFrame
3 df1 = pd.DataFrame({'key': ['A', 'B', 'C'], 'value': [1, 2, 3]})
4 df2 = pd.DataFrame({'key': ['B', 'D', 'D'], 'value': [4, 5, 6]})
5
6 # 根据 'key' 列合并数据
7 df_merged = pd.merge(df1, df2, on='key', how='inner') # 內连接
8
9 print(df_merged)
```

join() - 通过行索引合并数据。

```
1 import pandas as pd
2 # 创建两个 DataFrame
3 df1 = pd.DataFrame({'A': [1, 2, 3], 'B': [4, 5, 6]}, index=['a', 'b', 'c'])
4 df2 = pd.DataFrame({'C': [7, 8, 9]}, index=['b', 'c', 'd'])
5
6 # 根据 index 列合并数据
7 df_joined = df1.join(df2)
8
9 print(df_joined)
```

```
1 A B C
2 a 1 4 NaN
3 b 2 5 7
4 c 3 6 8
5 d NaN NaN 9
```

- concat() 用于将多个 DataFrame 堆叠在一起,沿着指定的轴 (0 或 1) 进行合并。
- merge() 用于根据一个或多个键将两个 DataFrame 合并在一起,可以指定连接方式 (内连接、外连接等)。
- join() 用于根据索引将两个 DataFrame 合并在一起,类似于 SQL 中的 JOIN 操作。

模块三:数据转换

数据转换是将数据转换为适合模型训练的格式,主要方法包括:

• 分类变量: 使用 one-hot 编码将类别特征转换为哑变量。

分类变量是指其取值为离散类别,例如性别、季节、颜色等。直接使用分类变量进行模型训练通常效果不佳,因为模型无法理解类别之间的关系。One-Hot 编码将每个类别转换为一个新的二进制特征,值为 0 或 1,从而将分类变量转换为数值特征,方便模型训练。(二进制组合)

```
1 import pandas as pd
2
3 # 创建包含分类变量的 DataFrame
4 df = pd.DataFrame({'color': ['red', 'green', 'blue', 'red'],'shape': ['circle', 'square', 'triangle', 'circle']
5 })
6
7 #使用 get_dummies() 进行 One-Hot 编码
8 df_encoded = pd.get_dummies(df)
9
10 print(df_encoded)
```

```
color_red color_green color_blue shape_circle shape_square
shape_triangle

1     0     0     1     0

0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1     0

1
```

```
      4 2
      0
      0
      1
      0
      0

      1
      0
      0
      1
      0
      0

      5 3
      1
      0
      0
      1
      0

      0
      0
      1
      0
      0
      0
      0
      0
```

• **非数值特征**: 使用 LabelEncoder 将非数值特征转换为数值。

LabelEncoder 将每个类别的唯一标识符转换为数值,例如将 "red" 转换为 0, "green" 转换为 1, "blue" 转换为 2。这种方法简单易懂,但无法保留类别之间的顺序关系。

```
1 from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
2
3 # 创建包含非数值特征的 DataFrame
4 df = pd.DataFrame({'color': ['red', 'green', 'blue', 'red'],'shape': ['circle', 'square', 'triangle', 'circle']
5 })
6
7 # 创建 LabelEncoder 对象
8 label_encoder = LabelEncoder()
9
10 # 对每个类别特征进行编码
11 df['color_encoded'] = label_encoder.fit_transform(df['color'])
12 df['shape_encoded'] = label_encoder.fit_transform(df['shape'])
13
14 print(df)
```

输出:

```
1 color shape color_encoded shape_encoded
2 0 red circle 0 0
3 1 green square 1 1
4 2 blue triangle 2 2
5 3 red circle 0 0
```

• **离散化连续数据**: 使用 cut() 将连续数据划分为离散区间。

cut() 将连续数据划分为离散区间,每个区间对应一个类别。例如,将年龄划分为 [0, 18), [18, 35), [35, 60), [60, 100) 四个区间,分别对应 "child", "young adult", "adult", "senior" 四个类别。

```
1 import pandas as pd
2
3 # 创建包含连续数据的 DataFrame
4 df = pd.DataFrame({'age': [5, 20, 30, 40, 70]})
5
6 # 定义区间
7 bins = [0, 18, 35, 60, 100]
8
9 # 定义标签
10 labels = ['child', 'young adult', 'adult', 'senior']
11
12 # 使用 cut() 进行离散化
13 df['age_category'] = pd.cut(df['age'], bins=bins, labels=labels, right=False)
14
15 print(df)
```

输出:

```
1 age age_category
2 0 5 child
3 1 20 young adult
4 2 30 adult
5 3 40 adult
6 4 70 senior
```

总结:

- One-Hot 编码适用于类别变量,将每个类别转换为一个新的二进制特征。
- LabelEncoder 适用于将类别变量的唯一标识符转换为数值。
- cut()适用于将连续数据划分为离散区间,每个区间对应一个类别。
- Min-Max 归一化
- 原理: 将数据特征的取值范围缩放到 [0,1] 区间。公式为:

```
1 X_scaled = (X - X_min) / (X_max - X_min)
```

- 其中,X 是原始数据,X_min 是该特征的最小值,X_max 是该特征的最大值,X_scaled 是归一化 后的数据。
- **应用**: 常用于**特征值相差较大**的情况,例如将年龄和收入进行归一化,使它们在相同的尺度上进行 比较。
- 代码模块: scikit-learn 的 MinMaxScaler 模块可以实现 Min-Max 归一化。
- Z-Score 标准化
- **原理**: 将数据特征的取值转换成均值为 0,标准差为 1 的标准正态分布。**公式为**:

```
1 X_scaled = (X - X_mean) / X_std
```

- 其中,X是原始数据,X_mean 是该特征的均值,X_std 是该特征的标准差,X_scaled 是标准化后的数据。
- **应用**: 常用于**特征值分布不均匀**的情况,例如将身高和体重进行标准化,使它们在相同的分布上进行比较。
- 代码模块: scikit-learn 的 StandardScaler 模块可以实现 Z-Score 标准化。

模块四:数据抽取

数据抽取是从数据集中抽取特定字段或记录,主要方法包括:

字段抽取: 抽取某列上指定位置的数据构成新列。

案例: 从身份证号码中抽取出生年份。

```
1 import pandas as pd
2
3 # 创建包含身份证号码的 DataFrame
4 df = pd.DataFrame({'id': ['110101199901012345', '120102198802022345', '130103197703032345']})
5
6 # 使用 str.slice() 抽取身份证号码中的出生年份
7 df['birth_year'] = df['id'].str.slice(start=6, end=10)
8
9 print(df)
```

输出:

```
1 id birth_year
2 0 110101199901012345 1999
3 1 120102198802022345 1988
4 2 130103197703032345 1977
```

• 记录抽取: 抽取满足给定条件的行。

案例: 抽取年龄大于30岁的记录。

```
1 import pandas as pd
2
3 # 创建包含年龄信息的 DataFrame
4 df = pd.DataFrame({'name': ['Alice', 'Bob', 'Charlie'],'age': [25, 35, 45]})
5
6 # 使用条件索引抽取年龄大于 30 岁的记录
7 df_filtered = df[df['age'] > 30]
8
9 print(df_filtered)
```

```
1 name age2 1 Bob 353 2 Charlie 45
```

随机抽取:随机从数据中抽取行数据。

案例: 随机抽取3条记录。

```
1 import pandas as pd
2 import numpy as np
3
4 # 创建 DataFrame
5 df = pd.DataFrame({'name': ['Alice', 'Bob', 'Charlie', 'David', 'Eve'],'age': [25, 30, 35, 40, 45]
6 })
7
8 # 使用 numpy.random.randint() 随机生成索引
9 indices = np.random.randint(0, df.shape[0], size=3)
10
11 # 使用 iloc 抽取记录
12 df_sampled = df.iloc[indices]
13
14 print(df_sampled)
```

输出:

```
1 name age
2 1 Bob 30
3 3 David 40
4 4 Eve 45
```

总结:

- 字段抽取可以使用 str.slice() 等字符串操作方法,从字符串中抽取特定位置的字符或子字符串。
- 记录抽取可以使用条件索引,根据条件表达式筛选满足条件的记录。
- 随机抽取可以使用 numpy.random.randint() 生成随机索引,并使用 iloc 抽取记录。

案例1: KNN

```
1 #一段KNN代码样例
2 import numpy as np
3 import numpy.random as rand
4 import matplotlib.pyplot as plt
5 rand.seed(1)
```

```
7 # 创建一个形状为 (100, 2) 的二维数组,每个元素都是从 [0, 1) 范围内均匀分布随机抽取的。然
  后将每个元素乘以 10 并减去 5,将范围转换为 [-5,5]。
8
9 X = rand.rand(100,2)*10-5
10
11 # 从 X 的 100 行中随机选择一行作为索引 i, replace=False 表示不放回抽样,确保每次运行代
  码时选择的点不同。
12
13 i = rand.choice(X.shape[0],1,replace=False)
14
15 # 通过索引 i 获取 X 中对应行的数据,即选定点的坐标
16 selected = X[i]
17
18 # 计算 X 中每个点到选定点的欧氏距离的平方。(X - selected) 得到一个形状为 (100, 2) 的二
  维数组,每个元素代表一个点到选定点的距离向量。(X - selected)**2 计算距离向量的平方。
  np.sum((X - selected)**2, axis=1) 沿着 axis=1 方向(即列方向)求和,得到一个长度为
  100 的一维数组,每个元素代表一个点到选定点的距离的平方。
19 dist =np.sum((X - selected)**2,axis=1) # 3.计算该点到各点的平方距离
20
21 #对距离数组 dist 进行排序,返回排序后的索引值数组 idx。
22 idx = np.argsort(dist) # 4.距离数组排序,返回索引值数组
23
24 neighbor = X[idx[1:k+1]] 通过索引 idx 中的前 k 个元素(去掉选定点本身),获取 X 中对应
  行的数据,即 k 个最近邻的坐标。
25 k=3
26 neighbor = X[idx[1:k+1]] # 5.取k个最近邻的坐标(去掉自己)
27
28 # 画图
29 plt.scatter(X[:,0],X[:,1],alpha=0.3)
30 plt.plot((selected[0,0]),(selected[0,1]),'rD')
31 plt.scatter(neighbor[:,0],neighbor[:,1],facecolor='none',47edgecolor='b',s=300)
```

简化后的代码

```
1 import numpy as np
2 import numpy.random as rand
3 import matplotlib.pyplot as plt
4 from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
5 rand.seed(1)
6 points = rand.rand(100,2)*10-5 # 创建200个[-5,5)分布随机点的坐标
7 knn = KNeighborsClassifier(n_neighbors=3) # 创建KNN分类器,k=3
8 knn.fit(points, np.arange(100)) # 用points训练KNN分类器,将每个点的索引作为标签
9 dist, idx = knn.kneighbors(points) # 计算points中每个点到其他点的距离和索引
10 plt.scatter(points[:,0], points[:,1], alpha=0.3) # 绘制点云
```

```
11 plt.plot(points[idx[0,1],0], points[idx[0,1],1], 'rD') # 标记选定点
12 plt.scatter(points[idx[0,1:4],0], points[idx[0,1:4],1], facecolor='none',
        edgecolor='b', s=300) # 标记最近邻
13 plt.show()
```

案例 2: 有害海藻数据预处理

1. 步骤:

- 。 读取数据,并指定列名。
- 剔除 'a7' 为 NaN 的行。
- ∘ 将 "XXXXXXX" 替换为 NaN。
- 删除非 NaN 项数小于 13 的行。
- 用均值填充剩余的 NaN 值。
- 。 对类别特征进行 one-hot 编码。
- 。 将预处理后的数据保存到文件。

```
1 import pandas as pd
2 import numpy as np
3
4 # 读取数据,并指定列名
5 data = pd.read_csv('analysis.data', header=None)
6 data.columns = ['season', 'size', 'speed', 'mxPH', 'mnO2', 'Cl', 'NO3', 'NH4',
   'oP04', 'P04', 'Chla', 'a1', 'a2', 'a3', 'a4', 'a5', 'a6', 'a7']
7
8 # 剔除 'a7' 为 NaN 的行
9 data = data.dropna(subset=['a7'])
10
11 # 将 "XXXXXXX" 替换为 NaN
12 data.replace(to_replace='XXXXXXX', value=np.nan, inplace=True)
13
14 # 删除非 NaN 项数小于 13 的行
15 data = data.dropna(thresh=13)
16
17 # 用均值填充剩余的 NaN 值
18 data.fillna(data.mean(), inplace=True)
19
20 # 对类别特征进行 one-hot 编码
21 data_encoded = pd.get_dummies(data, columns=['season', 'size', 'speed'])
22
23 # 将预处理后的数据保存到文件
24 data_encoded.to_csv('train.csv', index=False)
```

案例 3: 泰坦尼克号幸存者数据预处理

1. 步骤:

- 。 读取数据,并以 Passengerld 为行索引。
- 提取 Survived 列作为目标向量 y,其余列为特征矩阵 X。
- 。 删除无用特征 'Name', 'Ticket', 'Cabin'。
- 。 用 0 填充缺失数据。
- 将性别数据 'male' 替换为 0, 'female' 替换为 1。
- 对 'Embarked' 进行 one-hot 编码。

```
1 import pandas as pd
2
3 # 读取数据,并以 PassengerId 为行索引
4 data = pd.read_csv('train.csv', index_col='PassengerId')
5
6 # 提取 Survived 列作为目标向量 y,其余列为特征矩阵 X
7 y = data['Survived']
8 X = data.drop('Survived', axis=1)
10 # 删除无用特征 'Name', 'Ticket', 'Cabin'
11 X = X.drop(['Name', 'Ticket', 'Cabin'], axis=1)
12
13 # 用 0 填充缺失数据
14 X.fillna(0, inplace=True)
15
16 # 将性别数据 'male' 替换为 0, 'female' 替换为 1
17 X['Sex'] = X['Sex'].map({'male': 0, 'female': 1})
18
19 # 对 'Embarked' 进行 one-hot 编码
20 X = pd.get_dummies(X, columns=['Embarked'])
21
22 # (可选)数据标准化
23 X = (X - X.mean()) / X.std()
24
25 print(X.head())
```

1	Pclass	Sex	Age	SibSp	Parch	Fare	Embarked_C	Embarked_Q	Embarked_S
2 0	3	0	22.0	1	0	7.25	50 0.0	0.0	1.0
3 1	1	1	38.0	1	0	71.28	0.0	1.0	0.0
4 2	3	1	26.0	Θ	0	7.92	0.0	0.0	1.0
5 3	1	0	35.0	1	0	53.10	0.0	0.0	1.0
6 4	3	0	35.0	0	0	8.05	0.0	0.0	1.0