Biologicky motivované výpočtové modely

Mgr. Michal Kováč Školiteľ: doc. RNDr. Damas Gruska, PhD. FMFI UK 17.1.2018

Vážení prítomní, volám sa Michal Kováč a chcel by som vám prezentovať výsledky mojej dizertačnej práce s názvom Biologicky motivované výpočtové modely.

2018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

V úvode prezentácie vám predstavím rôzne výpočtové modely motivované biologiou. Najviac sme sa venovali P systémom, preto budem pokračovať formálnou definíciou a prehľadom rôznych variantov P systémov.

V druhej časti predstavím 4 témy nášho výskumu, z čoho 3 články boli publikované. V našej práci sme skúmali viaceré varianty P systémov a to konkrétne Sekvenčné P systémy s inhibítormi, Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami, Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín, z čoho všetky spomenuté témy boli publikované. Dalším variantom P systémov, ktorým sme sa zaoberali bola Detekcia prázdnosti membrán.



Biologicky motivované výpočtové modely -Prehľad problematiky Biologicky motivované modely -Biologicky motivované výpočtové modely

Dvojaké uplatnenie:

- pace upotreine.

 reálne modely živých systémov

 virtuálne biologické experimenty

 verifikácia správnosti chápania ich činn

 modely na popis iných systémov

Biologicky motivované výpočtové modely majú dvojaké uplatnenie. Jednak v rámci biológie môžu slúžiť ako reálne modely správania sa živých systémov, na ktorých môžeme robiť rôzne virtuálne biologické experimenty, prípadne verifikovať správnosť nášho chápania ich biologickej činnosti.

Na druhej strane môžu slúžiť ako modely na popis aj iných ako biologických systémov, čo otvára rad teoretických informatických otázok, napr. výpočtová sila alebo analýza behaviorálnych vlastností.

Biologicky motivované výpočtové modely

-Prehľad problematiky

Biologicky motivované modely

Biologicky motivované výpočtové modely

Biologicky motivovane výpočtové modely

- Neurónové siete (od 1943)
- Celulárne automaty (od 1968)
 Evolučné algoritmy (od 1954)
- L systémy (od 1968)
- Swarm Intelligence (od 1989) P systémy (od 1998) [?]

Dlho skúmané modely ako neurónové siete, celulárne automaty, evolučné algoritmy, L systémy, či swarm intelligence, si už našli svoje uplatnenie v praxi, kým membránové systémy sú ešte len v začiatkoch svojho vývoja.

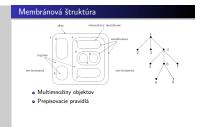
2018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

Prehľad problematiky

P systémy

Membránová štruktúra



Membránové systémy sú inšpirované bunkami. Základom je preto membránová štruktúra, ktorá pozostáva z regiónov, ktoré sú oddelené membránami. Tvorí to hierarchickú štruktúru, ktorá sa dá zobraziť aj ako strom.

Obsahom regionov sú multimnožiny objektov, ktoré v realite predstavujú napr. molekuly, vírusy, enzýmy alebo proteíny.

Objekty medzi sebou môžu interagovať. Táto interakcia je definovaná prepisovacími pravidlami.

2018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

Prehľad problematiky

P systémy

Prepisovacie pravidlá

Prepisovacie pravidla $u \to v, \text{ where}$ $\bullet \ u \in \mathbb{N}^{\Sigma}$

Prepisovacie pravidlá majú ľavú a pravú stranu. Na ľavej strane sú reaktanty, čo je multimnožina objektov.

Na pravej strane sú produkty, čo je multimnožina objektov, pričom pre každý objekt sa definuje, či ostáva v aktuálnom regione, alebo ide cez membránu do vonkajšieho regionu alebo cez membránu s daný označením do vnútorného regionu.

Delta je špeciálny symbol, ktorý nepatrí abecede, ktorý ked je prítomný, tak po aplikovaní pravidla sa rozpustí membrána, v ktorej sa pravidlo aplikovalo a obsah membrány sa vyleje von. Pravidlo je aplikovateľné v danom regione, ak sú reaktanty obsiahnuté v multimnožine objektov, ktorá sa aktuálne nachádza v danom regione.

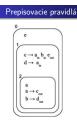
2018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

Prehľad problematiky

P systémy

Prepisovacie pravidlá



Toto je ukážka P systému, ktorý generuje Fibonacciho postupnosť. Má tri membrány a pracuje s piatimi objektami a,b,c,d,e. V membráne s označením 1 sú dve pravidlá. Prvé pravidlo prepíše objekt c na objekty a,b,e, a pošle objekty a,b do vnútornej membrány a objekt e do vonkajšej membrány. Druhé pravidlo prepíše objekt d na objekt a a pošle ho do vnútornej membrány. Vo vnútornej membráne sú dve pravidlá. Prvé prepíše a na c a pošle ho von. Druhé pravidlo prepíše b na d a pošle ho von.

018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

Prehľad problematiky

P systémy

Krok výpočtu P systému

Krok výpočtu P systém

Krok výpočt
 Sekvenč

Paralelný
 Maximálne paraleln

Postupné uplatňovanie pravidiel definuje výpočet. V jednom kroku výpočtu sa uplatní:

- presne jedno pravidlo (sekv. mod)
- aspoň jedno pravidlo (paralelný mod)
- maximálna multimnožina pravidiel

V pôvodnej definícii, ktorú uvádza Paun, sa používa maximálny paralelizmus.

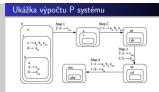


Biologicky motivované výpočtové modely

Prehľad problematiky

P systémy

Ukážka výpočtu P systému



V úvodnej konfigurácii ukážkového P systému je aplikovateľné iba prvé pravidlo vo vnútornej membráne. A sa prepíše na c a pošle von. V dalšom kroku sa v prepíše na abe, e sa pošle von, ab dnu. V dalšom kroku sa vdaka maximálnemu paralelizmu musia aplikovať vo vnútornej membráne obidve pravidlá, preto sa objekty ab prepíšu na cd a pošlú von. V daľšom kroku sa vdaka maximálnemu paralelizmu musia aplikovať obidve pravidlá, preto pôjdu dve áčka a jedno béčko do vnútornej membrány a jedno éčko von. Tento výpočet nikdy neskončí a každý druhý krok sa do vonkajšej membrány pošle počet éčok zodpovedajúci dalšiemu prvku Fibonacciho postupnosti.

2018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

Prehľad problematiky

P systémy

Jazyk definovaný P systémom

Jazyk definovaný P systémom

- Jazyk nad posupnosťami/multimnožinami objektov
 Generatívny mód: postupnosť/multimnožina objektov vypustených do okolitého prostredia
- Akceptačný mód: vstupnú multimnožinu vložíme do

P systém definuje jazyk rôznymi spôsobmi. Môže to byť jazyk nad slovami - postupnosťami objektov alebo jazyk nad multimnožinami. V generatívnom mode môžeme zobrať objekty vypustené do prostredia počas výpočtu a túto postupnosť objektov alebo multimnožinu objektov zahrnúť do jazyka. Kedže pre daný P systém vdaka nedeterminizmu existuje viac možných výpočtov, veľkosť definovaného jazyka môže byť aj väčsia ako 1.

Biologicky motivované výpočtové modely -Prehľad problematiky └P systémy -Jazyk definovaný P systémom

- Generatívný mód: postupnosť/multimnožina objektov vypustených do okolitého prostredia
 Akceptačný mód: vstupnú multimnožinu vložíme do špecifickej membrány, ak výpočet zastaví, akceptujen

V akceptačnom mode vstupnú multimnožinu vložíme do špecifickej membrány a spustíme výpočet, ktorý ak zastaví, tak vstupnú multimnožinu zahrnieme do jazyka.

Pre väčšinu známych modelov sú generatívny aj akceptačný mod rovnako silné, u P systémoch to nie je vždy tak, preto sa oplatí skúmať obidva mody.

Biologicky motivované výpočtové modely -Prehľad problematiky └P systémy -Varianty pravidiel

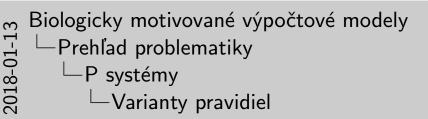
Varianty pravidiel

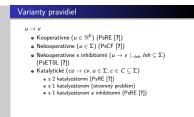
- Nekooperatívne (u ∈ Σ) (PsCF [?])
- Nekooperatívne s inhibítormi (u → v |¬Inh, Inh ⊆ Σ)
- Nekooperativne s inhibitormi $(u \to v \mid_{-lnh}, lnl)$ (PsETOL [?]) Katalytické $(cu \to cv, u \in \Sigma, c \in C \subseteq \Sigma)$ \$2 katalyzátormi (PsRE [?]) \$1 katalyzátoromi (vorcený problém) \$1 katalyzátoromi (vorcený problém)

Literatúra spomína rôzne spôsoby definovania prepisovacieho pravidla. Pôvodná definícia, ktorú uvádza Paun, používa kooperatívne pravidlá v znení, ako som uviedol. Takto definované P systémy sú Turingovsky úplné.

Nekooperatívne pravidlá neumožňujú interakciu medzi objektami, takže na ľavej strane je vždy iba jeden objekt. Takto definované P systémy sú ekvivalentné Parikhovmu zobrazeniu bezkontextových jazykov.

Pravidlá s inhibítormi umožňujú špecifikovať množinu objektov, inhibítorov, z ktorých ak aspoň jeden je prítomný v regione, tak dané pravidlo sa nemôže uplatniť. Takto definované P systémy sú ekvivalentné Parikhovmu zobrazeniu triedy jazykov ET0L.





Katalytické pravidlá umožňujú objektom interagovať iba s objektom z množiny katalizátorov. Dva katalyzátory stačia na Turingovskú úplnosť. Výpočtovú silu P systémov s jedným katalyzátorom nevieme zaradiť, je to otvorený problém. Ak ale umožníme pravidlá s inhibítormi, dosiahneme Turingovskú úplnosť.

Biologicky motivované výpočtové modely Prehľad problematiky └P systémy -Sekvenčné P systémy

Sekvenčné P systémy

- Maximálny paralelizmus vs. sekvenčný mód, pou arcilcinus vs. sekvenčný mód
 • Sekvenčné P systémy s kooperatívnymi pravidlami (VASS
 [?])

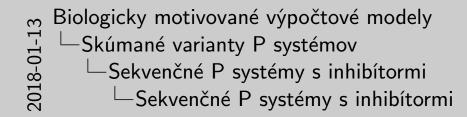
- o s prioritami (PsRE [?]) o s aktívnymi membránami (PsRE [?]) o s inhibítormi (PsRE [?])

Maximálny paralelizmus je veľmi silná vlastnosť. Globálny časovač reakcií vo väčšine prípadov tvorí hranicu toho, čo je, a čo nie je Turingovsky úplné. Ani v bunke sa nenachádza taký časovač, podľa ktorého by sa reakcie synchronizovali. Preto sa hľadajú spôsoby, ako túto vlastnosť odľahčiť, prípadne, akými spôsobmi by sa dal rozšíriť sekvenčný mod, aby sa dosiahla Turingovská úplnosť.

Sekvenčné P systémy s kooperatívnymi pravidlami nie sú Turingovsky úplné, lebo sú ekvivalentné s Vector Addition Systems a s Petriho sieťami.

Ak sa pridajú pravidlá s prioritami, alebo s aktívnymi membránami, alebo s inhibítormi, takto definované P systémy sú už Turingovsky úplné.

| | | | Vlastné výsledky |
|-----------------------|--|---------------------------|---|
| Skúm Se | ky motivované výpoč ané varianty P systé kvenčné P systémy s Vlastné výsledky | mov | Vlastné výsledky |
| Teraz na výsledky. | | rezentácie, v ktorej pred | stavím vlastné |
| -Skúm | ky motivované výpoč ané varianty P systé kvenčné P systémy s Sekvenčné P systém | mov s inhibítormi | Sekvenčné P systémy s inhibítormi 1. Sekvenčné P systémy s inhibítormi |
| _ | iant P systémov, kto s inhibítormi. | orým sme sa zaoberali, s | ú sekvenčné P |



Sekvenčné P systémy s inhibítor

- Pravidlo s inhibítormi: $u \to v|_I$, $I \subseteq \Sigma$
- Turingovská úplnosť pre akceptačný aj generatívny mód

Toto rozšírenie umožňuje k pravidlám pridať množinu inhibítorov I, z ktorých ak sa aspoň jeden nachádza v aktuálnej membráne, pravidlo nie je aplikovateľné.

Dokázali sme Turingovskú úplnosť pre akceptačný aj generatívny mód.

Tieto výsledky sme prezentovali na konferencii Computability in Europe v roku 2014 v Budapešti a náš článok je publikovaný v zborníku.

2018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

Skúmané varianty P systémov

Sekvenčné P systémy s inhibítormi

Prehľad simulácie pre akceptačný mód

Prehľad simulácie pre akceptačný mód

- Simulácia registrového stroja
- Obsah registra x sa reprezentuje početnosťou objektu :
- Objekt pre každú inštrukciu
- SUB inštrukcia sa simuluje pomocou inhibítora
 i : SUB(x, j, k)
 - i : SUB(• $ix \rightarrow j$

Pre akceptačný mód sme ukázali simuláciu registrového stroja. Obsah registra x sa reprezentuje početnosťou objektu x. Navyše máme objekt pre každú inštrukciu. Inhibítory sme využili na simuláciu inštrukcie SUB.

Biologicky motivované výpočtové modely Skúmané varianty P systémov –Sekvenčné P systémy s inhibítormi -Prehľad simulácie pre akceptačný mód

Registrový stroj M = (n, P, i, h, Lab)• P systém (Σ, μ, w, R) • P systém (Σ, μ, w, R) • $\Sigma = Lab \cup \# \cup a_j, 1 \le j \le n$ • $w = i \cup a_i^n, n_j$ ie počiatočná hodnota registra i • $\forall (e : add(j), k, l) \in P$:

 $e \rightarrow a_j k \in R$ $e \rightarrow a_j l \in R$ $e : sub(j), k, l) \in P$: $e : a_j \rightarrow k \in R$ $e \rightarrow l \mid \neg a_j \in R$

Formálne, majme registrový stroj M, kde n je počet registrov, P je množina inštrukcií označených značkami z množiny Lab, i je označenie počiatočnej inštrukcie, h je označenie koncovej inštrukcie.

Zostrojíme P systém s jednou membránou, v abecede budú označenia inštrukcií, symboly zodpovedajúce jednotlivým registrom a špeciálny ukončovací symbol mriežka.

V počiatočnej konfigurácii membrána obsahuje označenie počiatočnej inštrukcie registrového stroja a objekty a; podľa počiatočného stavu registrov.

Biologicky motivované výpočtové modely –Skúmané varianty P systémov –Sekvenčné P systémy s inhibítormi -Prehľad simulácie pre akceptačný mód Prehľad simulácie pre akceptačný mód

Registrový stroj M = (n, P, i, h, Lab)

• P systém (Σ, μ, w, R) • P systém (Σ, μ, w, R) • $\Sigma = Lab \cup \# \cup a_l, 1 \le j \le n$ • $w = i \cup a_l^n, n_l$ je počiatočná hodnota registra i• $\forall (e : add(j), k, l) \in P$:

Pre všetky inštrukcie ADD, ktoré zvýšia hodnotu registra j o jedna a nasledujúca inštrukcia je k alebo I (rozhoduje sa nedeterministicky) budeme mať pravidlá, ktoré prepíše symbol zodpovedajúci označeniu inštrukcie na symbol a; a symbol zodpovedajúci označeniu nasledujúcej inštrukcie.

Uvažujme inštrukciu SUB, ktorá ak má register j kladnú hodnotu, tak ju zníži o jedna, a ak je register j prázdny, tak ju nezníži, ale bude iná nasledujúca inštrukcia. Pre takáto inštrukciu budeme mať v P systéme dve pravidlá. Prvé pravidlo je kooperatívne, ktoré skonzumuje symbol a_i a vytvorí symbol k zodpovedajúci označeniu nasledujúcej inštrukcie. Druhé pravidlo je s inhibítorom a aplikovať sa môže len, ak sa v regione nenachádza symbol a_i.



Biologicky motivované výpočtové modely -Skúmané varianty P systémov –Sekvenčné P systémy s inhibítormi Prehľad simulácie pre akceptačný mód

- Registrový stroj M = (n, P, i, h, Lab)
- P systém (Σ, μ, w, R) P systém (Σ, μ, w, R) $\Sigma = Lab \cup \# \cup a_j, 1 \le j \le n$ $w = i \cup a^0, n_j$ je počiatočná hodnota registra i• $\forall (e : add(j), k, l) \in P$:
- $\bullet \ e \rightarrow a_j k \in R$ $\bullet \ e \rightarrow a_j l \in R$ $f(e: sub(j), k, l) \in P:$ $\bullet \ e a_j \rightarrow k \in R$ $\bullet \ e \rightarrow l|_{\neg a_j} \in R$

Ked uvažujeme registrové stroje, kde musia byť všetky registre prázdne, aby sa výpočet korektne ukončil, máme pravidlá, ktoré pri dosiahnutí koncovej inštrukcie h, ak je niektorý register neprázdny, vytvorí sa špeciálny symbol, ktorý tam už ostane navždy, a vdaka poslednému pravidlu sa dosiahne, že výpočet nezastaví. Dokázali sme, že pre každý registrový stroj vieme zostrojiť sekvenčný P systém s inhibítormi, ktorý v akceptačnom móde zastaví na rovnakých vstupoch ako registrový stroj.

Biologicky motivované výpočtové modely –Skúmané varianty P systémov –Sekvenčné P systémy s inhibítormi -Prehľad simulácie pre generatívny mód

Prehľad simulácie pre generatívny mód

- Simulácia maximálne paralelného P systému Π₁ pomocou
- sekvenčného P systému s inhibítormi Π₂ sekvencheho P systému s inhibitorm II₂.

 « Každý maximálne paralelný krok Π₁ simulujeme sekvenčnými krokmi Π₂.

 « Maximálne paralelný krok rozdeľujeme na 4 fázy:

 « RUN

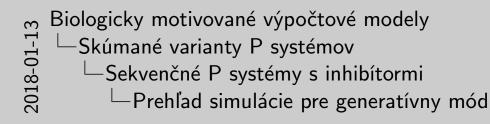
 « SYNCHRONIZE

 « SENDDOWN

 « RESTORE

V generatívnom móde sme sa rozhodli pre simuláciu maximálne paralelného P systému Pi 1 pomocou sekvenčného P systému s inhibítormi Pi 2.

Každý maximálne paralelný krok Pi 1 simulujeme pomocou niekoľkých sekvenčných krokov Pi 2.



- Simulácia maximálne paralelného P systému Π₁ pomocou sekvenčného P systému s inhibítormi Π₂
- Každý maximálne paralelný krok Π₁ simulujeme sekvenčnými krokmi Π₂.
- Maximálne paralelný krok rozdeľujeme na 4 fázy:
- RUN
 SYNCHRONIZE
 SENDDOWN RESTORE

Kedže pravidlá sa uplatňujú simultánne vo všetkých membránach, tento proces treba synchronizovať. Maximálne paralelný krok rozdeľujeme na 4 fázy. Fáza je reprezentovaná špeciálnym objektom a všekty pravidlá sú kooperatívne, na ľavej strane každého pravidla je fáza, ku ktorej sa pravidlo viaže.

Biologicky motivované výpočtové modely –Skúmané varianty P systémov –Sekvenčné P systémy s inhibítormi -Prehľad simulácie pre generatívny mód

Prehľad simulácie pre generatívny mód

- Simulácia maximálne paralelného P systému Π₁ pomocou
- sekvenčného P systému s inhibítormi Π₂
- sekvenčnéh P systému s inhibitorm II₂.

 Každý maximálne paralelný krok Π₁ simulujeme sekvenčnými krokmi Π₂.

 Maximálne paralelný krok rozdeľujeme na 4 fázy:

 RUN

 SYNCHRONIZE

 SENDDOWN

 RESTORE

V prvej fáze RUN v Pi 2 po jednom prepisujeme symboly pomocou pravidiel zodpovedajúcim pravidlám v Pi 1, akurát produkty si označujeme, aby neboli znovu použité, kým neskončí simulácia jedného maximálne paralelného kroku. Pomocou inhibítorov zistíme moment, kedy sa už v Pi 2 nedá aplikovať žiadne dalšie pravidlo, ktoré by sa mohlo zahrnúť do multimnožiny pravidiel aplikovaných v Pi 1. To nám zaručí, že aplikované pravidlá sú maximálnou multimnožinou a môžeme prejsť do simulácie dalšieho maximálne paralelného kroku.

Biologicky motivované výpočtové modely Skúmané varianty P systémov –Sekvenčné P systémy s inhibítormi -Prehľad simulácie pre generatívny mód

- sekvenčného P systému s inhibítormi Π₂
- Každý maximálne paralelný krok Π₁ simulujeme sekvenčnými krokmi Π₂.
- Maximálne paralelný krok rozdeľujeme na 4 fázy:
- RUN
 SYNCHRONIZE
 SENDDOWN
- RESTORE

V druhej fáze SYNCHRONIZE sa v každom regione čaká na ostatné regiony, aby sa spustil další maximálne paralelný krok. Pošle sa synchronizačný token do vonkajšej membrány. V nej, ked sa pozbierajú tokeny zo všetkých membrán, tak vonkajšia membrána pošle signál všetkým membránam, aby mohli začať další maximálne paralelný krok.

Dalšie dve fázy sú čisto technického charakteru. Vo fáze SENDDOWN sa zvlášť posielajú objekty do vnútorných membrán a vo fáze RESTORE sa všetko v rámci regionu pripravuje na další maximálne paralelný krok.

Biologicky motivované výpočtové modely -Skúmané varianty P systémov

–Sekvenčné P systémy s inhibítormi -Zhrnutie výsledkov pre sekvenčné P systémy s inhibítormi

modelmi, čo môže pomôcť v daľšom výskume.

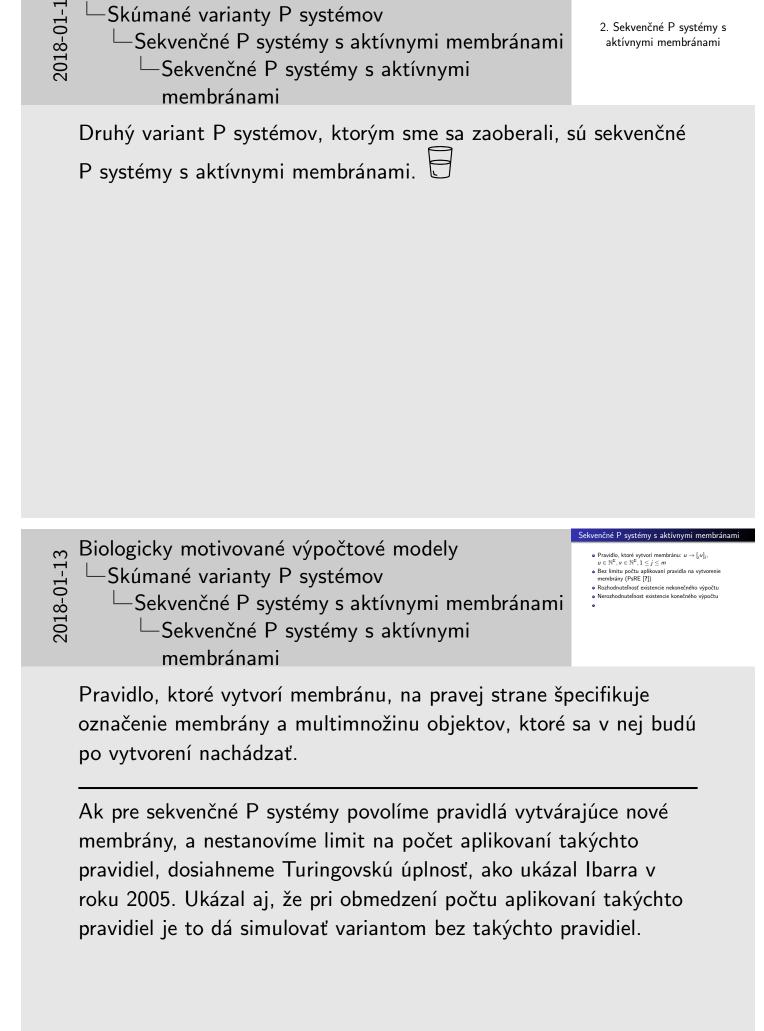
Ukázali sme, že v akceptačnom aj v generatívnom móde sú sekvenčné P systémy s inhibítormi Turingovsky úplné.

Hoci tieto výsledky nie sú veľmi prekvapivé, nakoľko podobné výsledky s inhibítormi už boli ukázané pre Petriho siete, prínos týchto simulácií je aj v ukázaní spôsobu konverzie medzi rôznymi

Další výskum môže nadviazať a doplniť simuláciu o iné aspekty P systémov, napriklad rozpúšťanie, vytváranie membrán, pravidlá s prioritami, ako aj skúsiť iné obmedzenie pravidiel, napríklad obmedzenie kooperácie alebo obmedzenie sily inhibítorov.

Zhrnutie výsledkov pre sekvenčné P systémy s inhibítormi

- Sekvenčné P systémy s inhibítormi sú Turingovsky úplné
- Výskum iných obmedzení pravidiel
- Podobné výsledky pre Petriho siete
 Rozpúšťanie, vytváranie membrán, pravidlá s prioritami



ekvenčné P systémy s aktívnymi membrána



- Skúmané varianty P systémov
 - –Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami
 - -Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami

- Bez limitu počtu aplikovaní pravidla na vytvorenie membrány (PsRE [?])
 Rozhodnuteľnosť existencie nekonečného výpočtu

- Nerozhodnuteľnost existencie konečného výpočti

Pre tento variant sme analyzovali rozhodnuteľnosť behaviorálnych vlastností. Podarilo sa nám dokázať, ze existencia nekonečného výpočtu je rozhodnuteľný problém a existencia konečného výpočtu je nerozhodnuteľný problém.

Tieto výsledky sme prezentovali na konferencii Computability in Europe v roku 2015 v Bukurešti a článok bol publikovaný v zborníku z tejto konferencie.

Biologicky motivované výpočtové modely

- –Skúmané varianty P systémov
 - –Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami
 - -Problém zastavenia

Problém zastavenia

- Problém zastavenia je definovaný pre deterministické

Spomenuté behaviorálne vlastnosti sa podobajú na problém zastavenia. Ten je ale definovaný iba pre deterministické modely.

Kedže pre netederministické modely môže existovať výpočet, ktorý zastaví, aj výpočet, ktorý nezastaví, má zmysel pýtať sa dve rôzne otázky: či existuje konečný výpočet a či existuje nekonečný výpočet.



Biologicky motivované výpočtové modely Skúmané varianty P systémov

—Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami —Aktívny P systém

Aktívny P systém

- Membránova konfigurácia (T, I, c), kde • T je stromová štruktúra • $I: V(T) \rightarrow \{1, \ldots, m\}$ • $c: V(T) \rightarrow \mathbb{N}^{\Sigma}$
- Aktívny P systém je $(\Sigma, C_0, R_1, R_2, ..., R_m)$, kde
 - Σ je abeceda
 C₀ je počiatočná membránová konfigurácia
 R_i je množina pravidiel

Aby sa pri dôkazoch lepšie manipulovalo s konfiguráciou, upravili sme definíciu aktívneho P systému, kde sme izolovali pojem membránová konfigurácia.

Je to trojica (T, I, c), kde T je stromová štruktúra

I je označenie membrán - zobrazenie vrcholov na čísla

c je zobrazenie vrcholov stromu T na multimnožinu symbolov, čo predstavuje obsah membrány.

Aktívny P systém je m+2 tica, kde Σ je abeceda, C_0 je počiatočná membránová konfigurácia a R_i je množina pravidiel asociovaná s označením membrány i.

2018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

-Skúmané varianty P systémov

—Şekvenčné P systémy s aktívnymi membránami

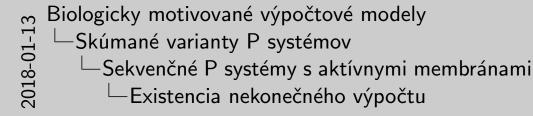
—Existencia konečného výpočtu

Existencia konečného výpočtu

Existencia konečného výpočtu je nerozhodnuteľný problén
 Redukcia na halting problem

Podarilo sa nám dokázať, že existencia konečného výpočtu pre sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami je nerozhodnuteľný problém.

Dôkaz je pomocou redukcie. Ibarra v článku uvádza simuláciu, vdaka ktorej môžeme tvrdiť, že ak by sme vedeli rozhodovať existenciu konečného výpočtu pre sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami, potom by sme vedeli rozhodovať existenciu konečného výpočtu pre registrové stroje, čo je už známy nerozhodnuteľný problém.



Existencia nekonecneho vypoctu

Existencia nekonečného výpočtu je rozhodnuteľný problém
 Obmodovnie na počet membrén

Skúmali sme aj opačný problém - existenciu nekonečného výpočtu. Podarilo sa nám dokázať, že je to rozhodnuteľný problém.

Dôkaz uvádzame iba pre obmedzenie na počet membrán, ktoré sa nachádzajú v ľubovoľnej konfigurácii.

Aj ked toto obmedzenie nie je veľmi realistické z biologického hľadiska, výsledok je aj tak zaujímavý, lebo sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami sú Turingovsky úplné aj s týmto obmedzením - pri simulácii registrového stroja sa v každej konfigurácii nachádzajú najviac tri membrány.

2018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

Skúmané varianty P systémov

Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami

Existencia nekonečného výpočtu

Existencia nekonečného výpočtu

Graf dosiahnuteľnosti
 Čiastočné usporiadanie s

Ciastočné usporiadanie \leq :

• $C_2 = (T_2, I_2, c_2)$ • $C_1 \leq C_2$, ak \exists izomorfizmus $f: T_1 \rightarrow T_2$ taký, ž $\forall d \in T_1$ platí:

• $l_1(d) = l_2(f(d))$ • $c_1(d) \subseteq c_2(f(d))$

C₁ ≤ C₂ ⇒ každé pravidlo v C₁ je aplikovateľné v C₂.

Dôkaz využíva graf dosiahnuteľnosti. V prípade jednej membrány konfigurácia obsahuje iba multimnožinu objektov, preto sa dá použiť štandardná konštrukcia grafu dosiahnuteľnosti pre Petriho siete.

Vo všeobecnosti potrebujeme ale rozšíriť definíciu čiastočného usporiadania konfigurácií.

- Graf dosiahnuteľnosti
- $C_1 \le C_2 \Rightarrow \text{každ\'e pravidlo v } C_1$ je aplikovateľné v C_2

Majme konfigurácie C_1 a C_2 .

 C_2 pokrýva C_1 (zapisujeme C_1 je menšia, alebo rovná ako C_2), ak existuje izomorfizmus f, ktorý pre každú membránu zachováva označenia a zachováva obsah, tým, že obsah každej membrány v C_1 je multimnožina obsiahnutá v obsahu zodpovedajúcej membrány v C_2 .

Táto definícia nám umožňuje tvrdiť, že ak C_2 pokrýva C_1 , potom každé pravidlo aplikovateľné v C_1 je aplikovateľné v C_2 .

Biologicky motivované výpočtové modely

–Skúmané varianty P systémov

-Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami -Existencia nekonečného výpočtu

- n-tic nad \mathbb{N} $\{a_i\}_{i=0}^\infty$ existujú i < j: $a_j \leq a_j$ Pre každú nekonečnú postupnosť konfigurácií existuje $C_1, C_2 \colon C_1 \to^* C_2$ a $C_1 \leq C_2$.

 Kodovanie konfigurácií $enc(C_1) \leq enc(C_2) \Rightarrow C_1 \leq C_2$

Na tomto mieste by som chcel spomenúť Dicksonovu lemu. Tá tvrdí, že pre každú nekonečnú postupnosť n-tíc nad prirodzenými číslami existujú indexy i < j: $a_i \le a_j$, pričom sa porovnávajú jednotlivé pozície v ntici.

Dokážeme nasledovné tvrdenie: Pre každú nekonečnú postupnosť konfigurácií existuje $C_1, C_2: C_1 \rightarrow^* C_2$ a $C_1 \leq C_2$.

Definovali sme kodovanie konfigurácií do ntíc s vlastnosťou, že ak $enc(C_1) \leq enc(C_2)$, potom $C_1 \leq C_2$. Vdaka tomuto kodovaniu a pomocou Dicksonovej lemy dokážeme aj pôvodnú vetu, že pre každú nekonečnú postupnosť konfigurácií existuje C_1, C_2 :

$$C_1 \rightarrow^* C_2$$
 a $C_1 \leq C_2$.

- -Skúmané varianty P systémov
 - Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami
 - -Algoritmus rozhodujúci existenciu nekonečného výpočtu

- Traverzuj graf dosiahnuteľnosti
- Dosiahnutá konfigurácia C₂, taká, že na ceste z počiatočnej konfigurácie existuje C₁ ≤ C₂ ⇒ YES.
 Ak traverzovanie skončilo ⇒ NO.

Algoritmus, ktorý rozhoduje existencu nekonečného výpočtu je teda nasledovný:

Traverzuj graf dosiahnuteľnosti.

Ak sa dosiahne konfigurácia C_2 , taká, že na ceste z počiatočnej konfigurácie existuje C_1 taká, že C_2 pokrýva C_1 , tak nekonečný výpočet existuje. Ak traverzovanie skončilo, tak nekonečný výpočet neexistuje.

Biologicky motivované výpočtové modely

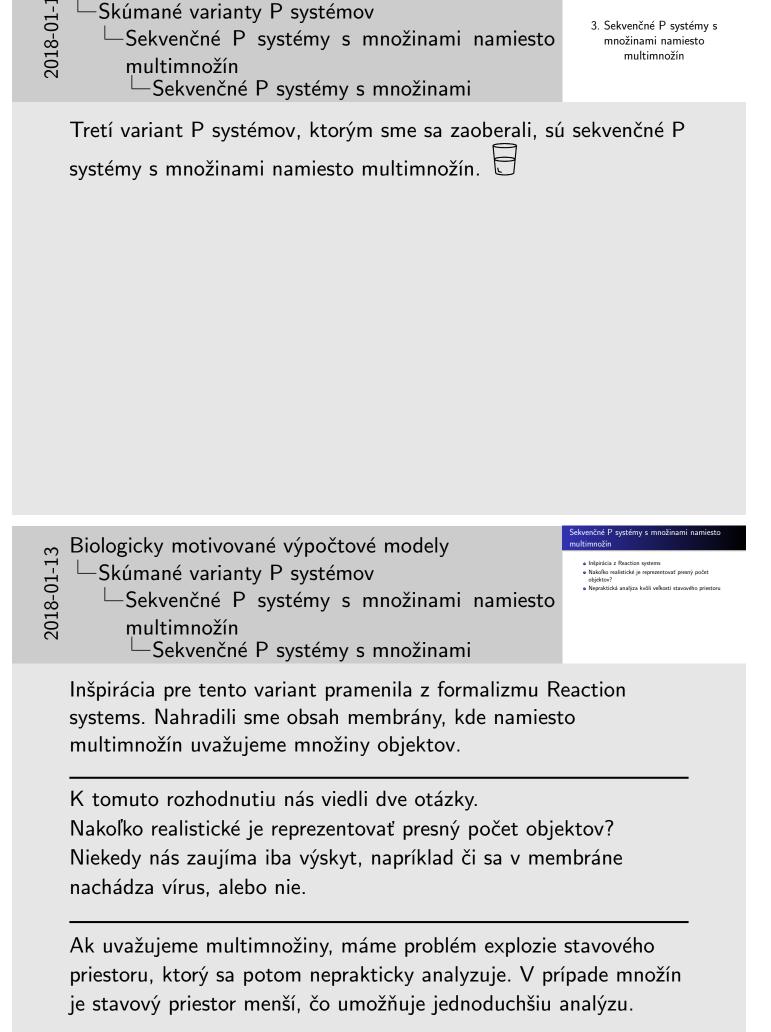
- -Skúmané varianty P systémov
 - -Sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami
 - -Zhrnutie výsledkov pre sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami

Zhrnutie výsledkov pre sekvenčné P systémy s aktívnymi membránami

 Existencia nekonečného výpočtu je rozhodnuteľná Existencia konečného výpočtu je nerozhodnuteľná.

Dokazali sme, že existencia nekonečného výpočtu sa pri sekvenčných P systémov s aktívnymi membránami s obmedzením na počet membrán dá rozhodovať. Otvorený problém ostáva, či to platí pre variant bez tohto obmedzenia. Veríme, že áno, ale nemáme k tomu dôkaz.

Tiež sme dokázali, že existencia konečného výpočtu je nerozhodnuteľná. Dokázali sme to pomocou redukcie na problém zastavenia.



- Skúmané varianty P systémov
 - Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín

P systémy s množinami objektov

- i.). pocty objektov sa ignorujú
 a Maximálny paralelizmus => determinizmus.
 Ekvivalencia s konečnostavovými automatmi.
 S aktívnymi membránami je model univerzálny.

 [3]: "min-enabled" computational step (= sekvenčnýmod)
- - a Pravidlá bez konfliktu (objekty sa môžu zúčastniť ako reaktanty súčasne vo viacerých pravidlách).
 a Ak je objekt použítý aspoň v jednom pravidle ako reaktant, bude spotrebovaný.

Alhazov v roku 2005 uvažoval o P systémoch, kde sa ignorovali počty objektov. Pri maximálnom paralelizme je výpočet deterministický, lebo pravidlá nie sú navzájom konfliktné a maximálna multimnožina simultánne aplikovateľných pravidliel je v každej konfigurácii iba jedna.

Takto definované P systémy sú ekvivalentné s konečnostavovými automatmi, čo sa týka výpočtovej sily.

S aktívnymi membránami je model univerzálny.

Biologicky motivované výpočtové modely

- –Skúmané varianty P systémov
 - -Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín

-P systémy s množinami objektov

P systémy s množinami objektov

- [?]: počty objektov sa ignorujú
- Maximálny paralelizmus ⇒ determinizmus.
 Ekvivalencia s konečnostavovými automatmi.
 S aktívnymi membránami je model univerzálny
- S sauvujymi membránami je model univerzálny.
 [ʔ]: "min-enabled" computational step (= sekvenčný mód) Ekvivalencia s konečnostavovými automatmi
- Pravidlá bez konfliktu (objekty sa môžu zúčastniť ako
- reaktanty súčasne vo viacerých pravidlách).

 Ak je objekt použitý aspoň v jednom pravidle ako reaktant, bude spotrebovaný.

Kleijn a Koutny v roku 2011 skúmali rôzne mody výpočtu pre P systémy pracujúce s množinami a sekvenčný bol tiež spomenutý pod názvom "min-enabled".

Ukázala sa ekvivalencia s konečnostavovými automatmi.

Sekvenčné P systémy pracujúce s množinami majú tieto vlastnosti: Pravidlá sú bez konfliktu, lebo objekty sa môžu zúčastniť ako reaktanty súčasne vo viacerých pravidlách. Ak je objekt použitý aspoň v jednom pravidle ako reaktant, bude spotrebovaný.



Skúmané varianty P systémov

Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín -Aktívny P systém

- Membránova konfigurácia (T, I, c), kde • T je stromová štruktúra • $I: V(T) \rightarrow \{1, \dots, m\}$ • $c: V(T) \rightarrow \mathbb{N}^{\Sigma}$
- Aktívny P systém je (Σ, C₀, R₁, R₂,..., R_m), kde
 - Σ je abeceda
 C₀ je počiatočná membránová konfigurácia
 R_i je množina pravidiel

Na tomto mieste by som chcel znovu pripomenúť definíciu aktívneho P systému.

Biologicky motivované výpočtové modely

- -Skúmané varianty P systémov
 - -Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín
 - -Iné spôsoby vytvárania membrány

lné spôsoby vytvárania membrány

- Problémy pôvodnej definície:
- Vytváranie membrány, ktorá už existuje
 Posielanie objektu do neexistujúcej membrány
- Inject-or-create

Pravidlá, ktoré vytvárajú nové membrány, majú isté problémy. Napríklad, čo sa stane, ak sa dva krát po sebe vytvorí membrána s tým istým označením? Tu máme dve možnosti. Bud vytvorenie druhej membrány v definícii nejakým spôsobom zakážeme, aby sme zachovali invariant, kde existuje iba jedna membrána s daným označením. Alebo povolíme dve susedné membrány s rovnakým označením, ale potom treba riešiť situáciu, ked sa posiela objekt do membrány, či sa pošle do jednej, alebo do obidvoch.

Podľa pôvodnej definície je pravidlo neaplikovateľné aj v prípade, ked sa posiela objekt do membrány s označením, ktoré sa v aktuálnom regione nenachádza.



- Skúmané varianty P systémov
 - Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín -Iné spôsoby vytvárania membrány

- Vytváranie membrány, ktorá už existuje
 Posielanie objektu do neexistujúcej membrány
- Inject-or-create

Preto sme vymysleli alternatívne definície vytvárania membrány. Inject or create zjednocuje pravidlo pre posielanie a pravidlo pre vytváranie membrány. V prípade, ak membrána s daným označením existuje, tak sa daný objekt do nej pošle. Ak neexistuje, tak sa daný objekt zabalí do novej membrány.

Wrap or create ponecháva explicitné pravidlo na vytvorenie novej membrány, ale ak membrána s daným označením uz existuje, tak ju zabalí do novej membrány s tým istým označením.

Biologicky motivované výpočtové modely

- -Skúmané varianty P systémov
 - Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín

registrového stroja je potrebných až O(n) krokov.

-Zhrnutie výsledkov

Pri všetkých variantoch sme ukázali Turingovskú úplnosť pomocou simulácie registrového stroju. Jednotlivé simulácie sme medzi sebou porovnali s ohľadom na dve veličiny. Merali sme maximálny počet membrán v niektorej konfigurácii P systému v závislosti od najvyššej hodnoty registra. A tiež sme merali počet krokov výpočtu P systému potrebných na simuláciu jedného kroku registrového stroja. V prvom riadku tabuľky je jednoduchá simulácia podľa pôvodnej definície, ktorá nie je veľmi efektívna. Na jeden krok

Zhrnutie výsledko

| 3 |
|-----|
| 1-1 |
| 0 |
| 18 |
| 20 |

–Skúmané varianty P systémov

—Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín —Zhrnutie výsledkov

 $\begin{array}{c|cccc} & \text{membrány} & \text{\"cas} \\ \hline original & O(n) & O(n) \\ original & O(log(n)) & O(log(n)) \\ \hline inject-or-create & O(log(n)) & O(log(n)) \\ \hline wrap-or-create & O(n) & O(1) \\ \hline \end{array}$

Zhrnutie výsledkov

Pomocou binárneho označenia membrán sa nám podarilo optimalizovať túto simuláciu na logaritmický čas.

Pomocou sémantiky inject or create sa sa podarilo simulovať registrový stroj podobným spôsobom s tou istou zložitosťou.

Sémantika wrap or create sa ukázala ako vhodnejšia, čo sa týka časovej zložitosti, ale počet vytvorených membrán v simulácii sa znížiť nepodarilo.

018-01-13

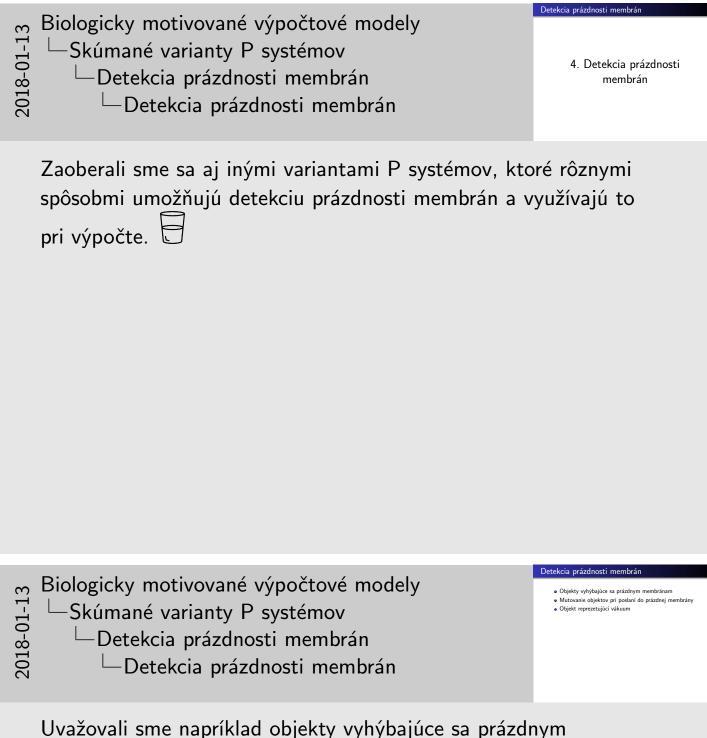
Biologicky motivované výpočtové modely

—Skúmané varianty P systémov

Sekvenčné P systémy s množinami namiesto multimnožín

∟Zhrnutie výsledkov

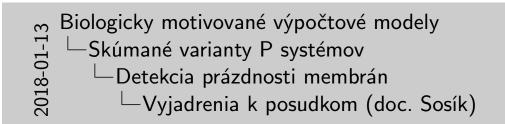
Tieto výsledky sme prezentovali a boli publikované v zborníku z konferencie Concurrency, Specification and Programming v roku 2015 v Rzesove. Rozšírená verzia článku bola zaslaná do karentovaného časopisu Fundamenta Informaticae.



Uvažovali sme napríklad objekty vyhýbajúce sa prázdnym membránam. Pravidlo posielajúce objekt do prázdnej membrány sa síce uplatní, ale daný objekt ostane v aktuálnej membráne.

V inom variante sa daný objekt síce pošle do membrány, ale ak je prázdna, tak sa z neho stane iný objekt.

A posledný variant obsahuje špeciálne objekty, ktoré reprezentujú vákum. Takýto objekt sa vytvorí automaticky v prázdnej membráne, nemôže byť vytvorený prepisovacím pravidlom. Môže ale byť na ľavej strane pravidiel, teda interagovať s inými objektami. Pri týchto variantoch sme dosiahli iba čiastočné, alebo triviálne výsledky, ktoré neboli vhodné na publikáciu.



Vyjadrenia k posudkom (doc. Sosí

- The statement of Theorem 4.1.2 should be reformulated, although intuitive meaning is clear. PsRE does not equal to mentioned P systems but to the family of number sets they generate.
- Theorem 4.1.2: Sequential P systems with cooperative rules and inhibitors can simulate register machines and thus equal PsRE.

Komentár ohľadom znenia vety 4.1.2, kde sa tvrdí, že P systémy sú ekvivalentné PsRE - takto sa to často používa v literatúre.

018-01-13

Biologicky motivované výpočtové modely

Skúmané varianty P systémov

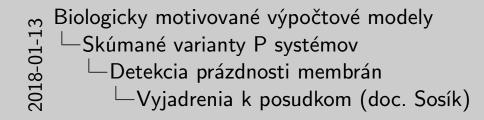
Detekcia prázdnosti membrán

Vyjadrenia k posudkom (doc. Sosík)

Vyjadrenia k posudkom (doc. Sosík)

- The statement of Theorem 4.1.2 should be reformulated, although intuitive meaning is clear. PSRE does not equal to mentioned P systems but to the family of number sets they generate.
- Theorem 4.1.2: Sequential P systems with cooperative rules and inhibitors can simulate register machines and thus generate PsRE.

Avšak správne má byť, že P systémy generujú triedu jazykov PsRE.



- by commas (Ex. 4.4.1), sometimes not (p. 87). In Section 4.2, separators | are sometimes used, sometimes not.
- Example 4.4.1: $x_j, t_i \rightarrow x_l, t_i$
- ▶ 2, 87: z_jst → y_kt
 ▶ Definition 2.6.3 ... As elements of a multiset can also be strings, we separate them with the pipe symbol, e.g. element element of their element
- Proof 4.3.1 $e|a \rightarrow k \uparrow$

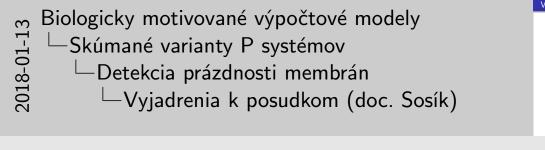
Další komentár bol ohľadom zápisu multimnožiny.

Chyby pramenili často z toho, že v rôznej literatúre sa používalo rôzne označenie. Oddeľovanie čiarkami je chybne. Najviac prehľadné je podľa mňa zápis pomocou stringu, čiže bez oddeľovačov, ale v prípade, ak sú prvky multimnožiny viacznakové, tak sa oddelia zvislou čiarou. Avšak v dôkaze 4.3.1 máme zvislú čiaru použitú aj v prípade jednoznakových prvkov multimnožiny.

Biologicky motivované výpočtové modely –Skúmané varianty P systémov Detekcia prázdnosti membrán -Vyjadrenia k posudkom (doc. Sosík) Vyjadrenia k posudkom (doc. Sosík)

In rule 6 at p. 84, label 1 of the membrane should be i.

Další komentár bol ohľadom označenia membrány v dôkaze. Pri simulácii operácie ADD(i) registrového stroja máme pravidlo, ktoré vytvorí membránu s označením i.



Má tam byť i namiesto 1.

• In rule 6 at p. 84, label 1 of the membrane should be i.

Biologicky motivované výpočtové modely

Skúmané varianty P systémov

Detekcia prázdnosti membrán

Vyjadrenia k posudkom (doc. Sosík)

Vyjadrenia k posudkom (doc. Sosík)

- It is not clear where Proof 4.4.1 ends. Example 4.4.1 presents the general part of the proof (translation of rules of a register machine into a P system), hence it should be denoted as an example.
- Dôkaz 4.4.1 má dve strany, Example 4.4.1 je jeden odstavec v strede. Potom ešte pokračuje dôkaz.

Dôkaz 4.4.1 má dve strany, Example 4.4.1 ukazuje konfiguráciu P systému pre ukážkovú konfiguráciu registrového stroja. Je to jeden odstavec v strede dôkazu, ktorý potom ešte pokračuje. Mohli sme dôkaz lepšie štruktúrovať.

```
Biologicky motivované výpočtové modely
  Skúmané varianty P systémov
    – Detekcia prázdnosti membrán
       –Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská)
```

```
• Dôkaz zrejme vyžaduje drobnú úpravu pre prípad M(a_i) > 1 v pravidle r_j na str. 60

    Áno, dôkaz funguje len pre pravidlá s ľavou stranou
veľkosti nanajvýš 2

\bullet a|RUN \rightarrow \dot{a}|RUN|_{-\dot{a}}

\bullet \forall r_j \in R_i such that
```

we will have the following rules $(\forall 0 \leq m_k \leq min(M(a_k), 1))$:

 $r_i = a_1^{M(a_1)} a_2^{M(a_2)} \dots a_n^{M(a_n)} \rightarrow a_1^{M(a_1)} a_2^{M(a_2)} \dots a_n^{M(a_n)}$

 $\begin{aligned} &a_1^{M(a_1)-m_1} \dot{a}_1^{m_1} a_2^{M(a_2)-m_2} \dot{a}_2^{m_2} \dots a_n^{M(a_n)-m_n} \dot{a}_n^{m_n} \big| RUN \\ &\rightarrow &a_1^{N(a_1)} a_2^{N(a_2)} \dots a_n^{N(a_n)} \big| RUN \end{aligned}$

Dôkaz zrejme vyžaduje drobnú úpravu pre prípad $M(a_i) > 1$

Áno, máte pravdu. Dôkaz funguje len pre pravidlá s ľavou stranou veľkosti nanajvýš 2.

V simulácii sa vytvárajú objekty označené bodkou, v regione môže byť nanajvýš jeden objekt označený bodkou. Tento sa dá používať pri prepisovacích pravidlách rovnako, ako by to bol objekt bez bodky.

Biologicky motivované výpočtové modely –Skúmané varianty P systémov – Detekcia prázdnosti membrán –Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská)

Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská)

- ullet Dôkaz zrejme vyžaduje drobnú úpravu pre prípad $M(a_i)>1$ v pravidle r_j na str. 60
- Áno, dôkaz funguje len pre pravidlá s ſavou stranou veľkosti nanajvýš 2

 $r_j = a_1^{M(a_1)} a_2^{M(a_2)} \dots a_n^{M(a_n)} \rightarrow a_1^{N(a_1)} a_2^{N(a_2)} \dots a_n^{N(a_n)}$ we will have the following rules $(\forall 0 \leq m_k \leq min(M(a_k), 1))$: $\begin{aligned} &a_1^{M(a_1)-m_1}\dot{a}_1^{m_1}a_2^{M(a_2)-m_2}\dot{a}_2^{m_2}\dots a_n^{M(a_n)-m_n}\dot{a}_n^{m_n}|RUN\\ &\rightarrow a_1^{M(a_2)}a_2'^{M(a_2)}\dots a_n'^{M(a_n)}|RUN \end{aligned}$

Ale umožňuje zistiť, kedy už pravidlo, ktoré má na ľavej strane 2 rovnaké objekty, nie je aplikovateľné.

Pre pravidlá s ľavou stranou obsahujúcou 3 rovnaké objekty by sme potrebovali, aby $M(a_i) = 2$. Dalo by sa to spraviť zavedením symbolov s dvomi bodkami, ktoré by mali v každej membráne nanajvýš 1 výskyt. Navyše by symbol s dvomi bodkami mohol vzniknúť iba, ak je prítomný symbol s jednou bodkou. Tým pádom by sme vedeli zistiť, že dané pravidlo s tromi rovnakými symbolmi na ľavej strane nie je aplikovateľné. Analogicky by to bolo aj pre väčšie počty symbolov na ľavej strane.



- Skúmané varianty P systémov
 - –Detekcia prázdnosti membrán -Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská)
- - Pozor na formuláciu v dôkaze 4.2.6. Nekonečná postupnosť môže byť aj konštantná a vtedy rastúci pár neexistuje. Analogicky v dôkaze 4.2.7 treba rastúci pár zameniť za neklesajúci pár.
 - Áno, má tam byť neklesajúci. Hoci je uvedené znamienko ≤, v texte je použité "increasing".

V dôkazoch treba rastúci pár zameniť za neklesajúci pár. Áno, má tam byť neklesajúci. Hoci je uvedené znamienko \leq , v texte je použité "increasing".

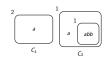
Biologicky motivované výpočtové modely –Skúmané varianty P systémov

–Detekcia prázdnosti membrán

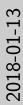
–Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská)

Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská

- Ak porovnávam kódy ako refazze, $enc(C_1) < enc(C_2)$ môže platíť aj v situácii, keď príslušné "stromy" nie sú izomorfné, čo podľa môjho názoru znamená, že dôkaz Lemy 4.2.5 neplatí (opačná implikácia platí). $enc(C_1) = 1001\,0000\,0000\,0000$. $enc(C_2) = 0000\,0000\,1010\,1210$



Keď stromy nie sú izomorfné, tak podľa preorderu dostanú iný order number, a teda v kódovaní bude nenulová iná časť. Tým pádom nebude platiť ani $enc(C_1) < enc(C_2)$ ani $enc(C_2) < enc(C_1)$. Porovanie kodovaní nie je alfabetické, ale podľa pozícií. Na to, aby bolo jedno kodovanie väčsie ako druhé, musí byť aspoň na jednej pozícii väčšie a na ostatných väčšie alebo rovné. Inými slovami - ak sú kódovania porovnateľné $enc(C_1) < enc(C_2)$ alebo $enc(C_2) < enc(C_1)$, potom už nutne musí byť nenulová tá istá časť a teda stromy sú izomorfné.



Biologicky motivované výpočtové modely Skúmané varianty P systémov -Detekcia prázdnosti membrán -Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská) • Ak porovnávam kódy ako refazce, $enc(C_1) < enc(C_2)$ môže platíť aj v situšcii, keď príslušné "stromy" nie sú izomorfné. Čo podľa môjho názoru znamená, že dókaz Lemy 4.2.5 neplatí (opačná implikácia platí). • $enc(C_1) = 1001\ 0000\ 0000\ 0001\ 1210$ $enc(C_3) = 0000\ 0000\ 1010\ 1210$

Na tomto príklade máme stanovený limit na počet membrán 2. Existujú len dve navzájom neizomorfné stromové štruktúry s nanajvýš dvomi vrcholmi, bud je to samostatný vrchol alebo koreň plus jeden vrchol. Preto kodovanie pozostáva z dvoch častí. Uvádzam príklady dvoch membránových konfigurácií. Prvá má poradové číslo 1, preto je nenulová iba prvá časť kodovania. Druhá má poradové číslo 2, preto je nenulová len druhá časť kodovania. Kodovanie jednej časti je zreťazenie kodovania jednotlivých membrán po prechode preorderom. V prvej konfigurácii máme jeden objekt a a nula objektov b, preto sa kodovanie začína 10. Označenie membrány je 2, preto kodovanie má na príslušnej pozícii 1. Kodovanie druhej konfigurácie začína rovnako, 10, ale kedže má označenie 1, tak pokračuje 10. Vnútorná membrána obsahuje jedno a a dve bé, preto kodovanie pokračuje 12 a kedže má označenie 1,

Biologicky motivované výpočtové modely -Skúmané varianty P systémov –Detekcia prázdnosti membrán

tak sa kadayania zakanží 10

–Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská)

Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská)

- Je nutné dávať dávať umelý predpoklad na ohraničenie pentune davat usvat umey preupokovanie aplikovatelnosti pravidla vytvárajúceho novú membránu v situácii, ktorá by viedla k prekročeniu stanoveného počtu membránu ka któru Pe-systémy s obmedzeným sumárnym počtom membrán sú univerzálne?
- membrán sú univerzálne?

 V dőkaze využívame tento limit pri stanovení počtu
 navzájom neizomorfných stromov.

 Nekonečná postupnosť membránových štruktúr ⇒ dv
 štruktúr 7, 7 s nejakou vlastnosťou, vdaka ktorej
 budeme môcť tvrdiť, že postupnosť je nekonečná.
 - T_1 je podstrom T_2 $parent(v_1) = v_2$ v T_1 , potom $parent^*(v_1) = v_2$ v T_2

Je nutné dávať dávať umelý predpoklad na ohraničenie počtu membrán?

V dôkaze využívame tento limit pri stanovení počtu navzájom neizomorfných stromov. Bez tohto umelého predpokladu by dôkaz nefungoval. Máme hypotézu, že by to šlo pomocou tvrdenia, že ak máme nekonečnú postupnosť membránových štruktúr, kde susedné prvky postupnosti sa líšia len vytvorením alebo rozpustením membrány, tak sa v nej nájdu dva prvky postupnosti s nejakou vlastnosťou, vdaka ktorej budeme môcť tvrdiť, že postupnosť je nekonečná.

Biologicky motivované výpočtové modely Skúmané varianty P systémov Detekcia prázdnosti membrán └─Vyjadrenia k posudkom (doc. Pardubská)

- Je nutné dávať dávať umelý predpoklad na ohraničenie Je nutné dávať dávať umely predpoklad na ohraničenie počtu membrá zvonku cez zablokovanie aplikovatienosti pravidla vytvárajúceho novú membránu v situácii, ktorá by viedla k prekročeniu stanoveného počtu membrán keď aktúrne P-systémy s obmedzeným sumárnym počtom membrán sú univerzálne?
- o V dókaze využvámne tento limit pri stanovení počtu navzájom neizomorfných stromov.

 o Nekonečná postupnosť membránových štruktúr ⇒ dve štruktúr j. T. s nejakou vlastnosťou, vdaka ktorej budeme môct tvrdíť, že postupnosť je nekonečná. $\begin{array}{l} \bullet \ \, T_1 \ \, \text{je podstrom} \ \, T_2 \\ \bullet \ \, \textit{parent}(v_1) = v_2 \ \, \text{v} \ \, T_1, \ \, \text{potom} \ \, \textit{parent}^*(v_1) = v_2 \ \, \text{v} \ \, T_2 \\ \end{array}$

Hľadali sme danú vlastnosť. Ako prvé sme skúsili, že membránová štruktúra je podstromom štruktúry, ktorá sa nachádza niekde neskôr v postupnosti. Toto sa ukázalo ako nedostatočná požiadavka. Nevyplývalo z toho, že postupnosť je nekonečná. Vlastnosť, kde sa zachováva, že vzťah parent-child sa zachováva (akurät sa medzi ne môže dostať nová membrána), sa tiež ukázala byť nedostatočná. Predpokladáme, že existuje nejaká štrukturálna vlastnosť, ktorá sa zachová, umožní tvrdiť, že postupnosť je nekonečná.

Biologicky motivované výpočtové modely –Skúmané varianty P systémov Detekcia prázdnosti membrán └Vyjadrenia k posudkom

Vyjadrenia k posudkom

- Mohli by ste vysvetliť motivácie pre definované modifikácie P-systémov v závere kapitoly 4?

- modifikácie P-systémov v závere kapitoly 4?

 V pôvodnej definícii:

 a Posielanie do membrány je definované iba pre prípad, kedy cieľová membrána existuje.

 Vytvorenie novej membrány bolo definované iba pre prípad, kedy cieľová membrána necesistuje

 a Prirodzene sa žiadola jednotiť tieto dva pojmy, aby výsledný jeden pojem bol definovaný vo všetkých prípadoch, aj ked cieľová membrána existuje, aj ked neexistuje ⇒ inject-or-create

Motivácia vôbec niečo modifikovať pramenila z toho, že v pôvodnej definícii bolo posielanie do membrány definované iba pre prípad, kedy cieľová membrána existuje. Vytvorenie novej membrány bolo definované iba pre prípad, kedy cieľová membrána neexistuje. Prirodzene sa žiadalo zjednotiť tieto dva pojmy, aby výsledný jeden pojem bol definovaný vo všetkých prípadoch, aj ked cieľová membrána existuje, aj ked neexistuje. Tak vznikla modifikácia inject or create.

Wrap or create na druhej strane zabezpečuje, aby pravidlo pre vytvorenie membrány v každej situácii nejakú membránu vytvorilo.