Biologicky motivované výpočtové modely

Michal Kováč

FMFI UK

24.6.2013



- Prehľad modelov
- 2 P systém
- 3 Varianty
- Ďalšie plány

Biologicky motivované výpočtové modely

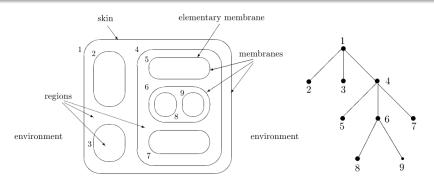
Modely vznikajú s dvoma účelmi:

- simulácia biologických javov
- zdokonalenie informatických riešení

Biologicky motivované výpočtové modely

- Neurónové siete (od 1943)
- Celulárne automaty (od 1948)
- Evolučné algoritmy (od 1954)
- L systémy (od 1968)
- P systémy (od 1998) [Pău98]
- . . .

Membránová štruktúra



Obsah membrány

- multimnožina objektov
 - a | b | b
- prepisovacie pravidlá
 - $a \mid b \mid b \rightarrow a \mid a \downarrow \mid a \uparrow \mid b \downarrow_6$
 - $b \rightarrow a \mid \delta$

P systém

P systém je štvorica $(V, \mu, w_1, w_2, \dots, w_m, R_1, R_2, \dots, R_m)$, kde:

- V je abeceda objektov
- ullet μ je membránová štruktúra
- $w_1, w_2, \dots w_m$ sú počiatočné multimnožiny v membránach $1 \dots m, w_i \subseteq \mathbb{N}^V$
- R₁, R₂,..., R_m sú množiny prepisovacích pravidiel v membránach 1...m, pričom

$$R_i \subseteq (\mathbb{N}^V \setminus 0^V) \times \mathbb{N}^{V \times (\{here, in, out\} \cup \{in_1, ... in_m\})}$$

.



Konfigurácia a krok výpočtu

- ullet konfigurácia = membránová štruktúra + obsahy membrán
- krok výpočtu: maximálny paralelizmus

$$egin{array}{c|c} a & b & b
ightarrow c \\ b
ightarrow c & c \\ a & a & b & b \end{array}$$

Konfigurácia a krok výpočtu

- konfigurácia = membránová štruktúra + obsahy membrán
- krok výpočtu: maximálny paralelizmus

Varianty obsahu membrány

- worm objects [MRPS02]
 - namiesto multimnožín objektov sú v membránach multimnožiny stringov
 - inšpirované DNA

Varianty pravidiel

- kontextové
- kooperatívne
- katalytické
- bezkontextové
- s inhibítormi / promótermi
- inhibícia pravidiel
- bez povolenia rozpúštania membrán
- s vytváraním nových membrán

Varianty kroku výpočtu

- maximálny paralelizmus
- sekvenčný
- asynchrónny
- minimálny paralelizmus
- n-paralelizmus
- bez priorít

Iné varianty

- priestorové P systémy
- rozpadajúce sa objekty
- energie

Ďalšie plány

- Preskúmať možnosti kombinovania variantov P systémov z hľadiska výpočtovej sily
- Porovnať s inými formalizmami, napríklad Petriho siete / reaction systems / CLS / ...
- Nájsť nové varianty

Možnosti kombinovania variantov

- Výpočtová sila
- Varianty pravidiel
 - kontextové (PsRE)
 - kooperatívne (PsRE)
 - katalytické (PsRE)
 - bezkontextové (PsCF)
 - bezkontextové s inhibítormi (PsRE)

Sekvenčné P systémy

- nie sú univerzálne
- na univerzalitu treba:
 - povoliť neobmedzené vytváranie membrán [IWYD05]
 - inhibítory
 - iné rozšírenia (vacuum, ...)
 - inšpirácie z výsledkov iných formalizmov

Inšpirácie z výsledkov iných formalizmov

- Petriho siete
 - nie sú univerzálne
 - s inhibítormi áno
 - ake iné varianty Petriho sietí ešte nikto nevyskúšal aplikovať v P systémoch?
- CLS (Calculi of Looping Sequences)
 - sekvenčný model, vie simulovať P systémy [BMT07]
- Reakčné (alebo reaktívne?) systémy

Nové varianty

Besozzi [Bes04]: Dobrý variant by mal byť:

- realistický
- univerzálny
- iredundantný

Literatúra I



Daniela Besozzi.

Computational and modelling power of P systems. PhD thesis, Universita' degli Studi di Milano, Milano, Italy, 2004.

Roberto Barbuti, Paolo Milazzo, and Angelo Troina. The calculus of looping sequences for modeling biological membranes.

In 8th Workshop on Membrane Computing (WMC8), LNCS 4860, pages 54-76. Springer, 2007.

Literatúra II



Oscar H. Ibarra, Sara Woodworth, Hsu-Chun Yen, and Zhe Dang.

On sequential and 1-deterministic p systems.

In *Proceedings of the 11th annual international conference on Computing and Combinatorics*, COCOON'05, pages 905–914, Berlin, Heidelberg, 2005. Springer-Verlag.



José L. Maté, A. Rodríguez-Patón, and Andrés Silva. On the power of p systems with dna-worm-objects. *Fundam. Inf.*, 49(1):229–239, 2002.

Literatúra III



Gheorghe Păun.

Computing with membranes.

Technical Report 208, Turku Center for Computer Science-TUCS, 1998.

(www.tucs.fi).

Ďakujem za pozornosť