ドッキングシミュレーションおよび 機械学習を活用した医薬品化学構造の設計

June. 10, 2016 ディスカッション

酒井研究室 宮崎 大輝

学習性能評価

-実装したこと

- ・学習データ数とデータの組み合わせを変えた学習用データと テストデータの作成
- ・候補探索計算を学習データ数とデータの組み合わせを変えてのループ化 視化
 - ・計算により得られた候補の 予測目的変数 - 予測値と実際の値との差 CAS No. を保存 → csvファイル
 - ・各試行における予測値と、予測誤差を可視化

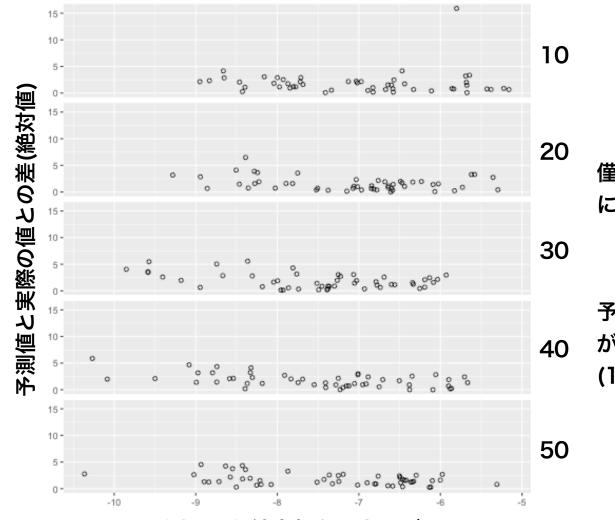
-問題点

- ・ドッキングシミュレーションから得られる結合親和エネルギーの 有効桁数が少なく、学習用データのy値が被る → エラー
- ・CAS No. ではなく構造式として可視化したい

学習性能評価

学習用データ数:10-50個

データの組み合わせ:各50パターン 学習用データ数



予測された結合親和エネルギー

僅かだが、学習用データ数増加 に伴い予測値は良くなっている?

予測誤差は学習用データ50個の時 が最も小さい? (10個の時も小さい)

学習性能評価

10

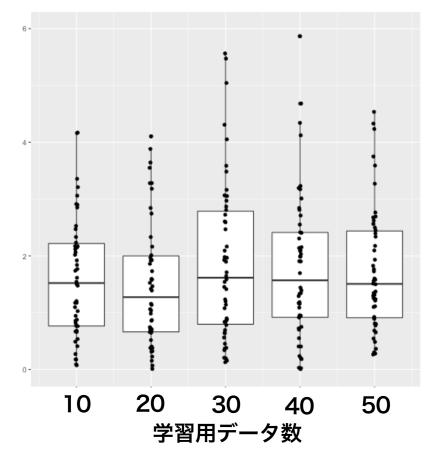
20

予測値の箱ひげ図

30

学習用データ数

予測誤差値の箱ひげ図



予測値 : 学習データの増加に伴いより良い予測値が得られる傾向?

50

予測誤差:全体的に誤差は小さく、性能は良い?

40

試行回数が少なく、有意な結果が得られていない可能性