Technische Universität Berlin Fakultät II, Institut für Mathematik

Sekretariat MA 6-2, Antje Schulz

Prof. Dr. Michael Joswig

Dr. Frank Lutz, Sarah Morell, Manuel Radons

Programmierprojekt Computerorientierte Mathematik II

Abgabe des ersten Teils: 26.06.2020 über den ComaJudge bis 18:00 Uhr

Thema

Im Rahmen des diesjährigen Programmierprojekts wird die Ausbreitung eines Virus in einer Population als Zufallsprozess auf einem Graphen simuliert. Das hier präsentierte Modell einer Virusausbreitung ist stark vereinfacht und dient der Einübung der in der CoMa unterrichteten Methoden. Insbesondere ist es für konkrete Aussagen über das aktuelle Geschehen im Zusammenhang mit SARS-CoV-2/COVID-19 nicht geeignet.

Ablauf

Das Projekt besteht aus zwei Teilen: der Modellierung und der Visualisierung. Die Modellierung wird, so wie auch die bisherigen Programmieraufgaben, über den Comajudge abgegeben. Die Abgabefrist ist der 26. Juni 2020, 18:00 Uhr. Die Visualisierung soll in selbstständiger Arbeit die Bibliothek matplotlib verwenden. Dieser Teil muss bis zum 10. Juli 2020 einer Tutorin oder einem Tutor vorgestellt werden.

1. Teil (Modellierung)

In unserem Modell werden Personen durch Knoten eines einfachen Graphen modelliert, die Beziehungen zwischen den Personen durch (ungerichtete, ungewichtete) Kanten. Zu diesem Zweck sind zwei Klassen zu schreiben.

Klasse Node

Schreiben Sie eine Klasse Node mit folgenden Attributen:

- key Schlüssel eines Graphen-Knotens als nicht-negative ganze Zahl.
- coordinates Gitterkoordinaten eines Graphen-Knotens als 2-Tupel nicht-negativer ganzer Zahlen.
- infection_date Zeitpunkt der Infektion als nicht-negative ganze Zahl. Wird auf -1 gesetzt, falls nicht infiziert.
- neighbors Liste von Schlüsseln von Nachbarknoten, in aufsteigender Reihenfolge sortiert.
- active Wahrheitswert. Wird nach durchlaufener Infektion auf False gesetzt. Dies entspricht der Immunisierung oder dem Versterben der simulierten Person.

Im Konstruktor sollen die ersten vier Attribute übergeben werden. Das Attribut active wird mit True initialisiert.

Klasse Virus

Schreiben Sie eine Klasse Virus mit folgenden Attributen:

- time Zeitpunkt als nicht-negative ganze Zahl.
- incubation_period Zeitspanne bis zum Ausbruch der Krankheit als nicht-negative ganze Zahl. Als vereinfachende Annahme gehen wir davon aus, dass ein Infizierter vom Ausbruch der Krankheit an (also nach Ablauf der Inkubationsperiode) und für die Dauer der Krankheit ansteckend ist.
- contageous_period Zeitspanne, während der die infizierte Person ansteckend ist, als nichtnegative ganze Zahl.
- transmissibility Ansteckungswahrscheinlichkeit als Float im Intervall [0, 1].
- graph Liste von Node-Objekten, in aufsteigender Reihenfolge der Schlüssel sortiert.

Im Konstruktor sollen Initialisierungswerte für alle Attribute übergeben werden. Schreiben Sie des Weiteren zwei Methoden time_step(self) und time_steps(self, n). Die Methode time_steps führt n mal time_step aus. Die Methode time_step führt die Simulation der Virusausbreitung wie folgt durch:

- 1. self.time wird um 1 inkrementiert.
- 2. Für jede Node Nd in self.graph wird, in der aufsteigenden Reihenfolge der Keys der Knoten, falls der Knoten aktiv ist und das Infektionsdatum nicht-1 ist, das Folgende durchgeführt:
 - Falls self.time größer ist als
 Nd.infection_date + self.incubation_period + self.contageous_period,
 setze Nd.active auf False.
 - Falls die vorige Bedingung nicht erfüllt ist, aber self.time größer ist als

```
Nd.infection_date + self.incubation_period ,
```

führen Sie für jeden Schlüssel k in Nd.neighbors, in aufsteigender Reihenfolge, für den Knoten Nd_k mit dem Schlüssel k, falls Nd_k.infection_date gleich -1 ist, das Folgende aus: Falls random.random() kleiner ist als self.transmissibility, dann setze Nd_k.infection_date auf self.time.

Hinweis: Führen Sie die Zufallsabfrage für jeden Nachbarn einzeln durch, nicht einmal für alle. Importieren Sie hierzu random einmalig außerhalb Ihrer Klassen. Nutzen sie dazu nur den Befehl import random. Führen Sie keine Kürzel ein, wie zum Beispiel mittels import random as rd.

Abgabe

Es gibt auch bei dem Modellierungsteil des Projekts die zwei bisherigen Abgabemöglichkeiten Jupyter-Hub und Abgabe über das Terminal. Im Jupyter-Hub wird für Sie automatisch das Abgabeverzeichnis co2_Projekt angelegt. Bei der Abgabe per Skript ist der Name der Aufgabe ebenfalls co2_Projekt.

2. Teil (Visualisierung)

Schreiben Sie eine Klasse VisualizeVirus. Der Konstruktor dieser Klasse soll als Parameter ein Objekt vom Typ Virus entgegennehmen. Stellen Sie Methoden zur Visualisierung der Simulation der Virus-Ausbreitung bereit. Eine zentrale Anforderung ist, dass Sie die Methoden der Virus-Klasse zur Durchführung der Simulation nutzen, während die Methoden von VisualizeVirus

lediglich der visuellen Aufbereitung der so gewonnenen Daten dienen. Benutzen Sie zur visuellen Aufbereitung die Bibliothek matplotlib in geeigneter Weise.

Sie sind bei der Bearbeitung dieser Teilaufgabe relativ frei. Das Kriterium für eine erfolgreiche Abnahme ist, dass die Ausbreitung des Virus anhand der Visualisierung nachvollziehbar sein soll. Die Ergebnisse sind bis Freitag, den 10. Juli, bei Ihrer Tutorin oder Ihrem Tutor vorzustellen.

Hinweis: Eine andere Bibliothek als matplotlib darf nur in Absprache mit und Genehmigung durch Ihre Tutorin oder Ihren Tutor verwendet werden, da dies unter Umständen einen erheblichen Zusatzaufwand bei der Betreuung verursachen kann.