

# Introduction au logiciel R

## Représenter les données

Laurence Viry

MaiMoSiNE - Collège des écoles doctorales Grenoble

7-16 Février 2017

# Plan du cours

- 1 Les graphiques de bases
- 2 Ajout à un graphique
- 3 Représentation d'une distribution
- 4 Personnalisation des graphiques
- 5 Graphiques en plusieurs dimensions

# Les graphiques de bases

Pour commencer, on peut regarder **quelques exemples de représentations graphiques** en utilisant la fonction **demo()**.

```
> demo(graphics)
```

## ➤ Variables qualitatives

- `pie(x)` # diagramme camembert
- `barplot(x)` # diagramme bâton

## ➤ Variables quantitatives

- `hist(x,nclass)` # histogramme de x
- `boxplot(x)` # boîte à moustache
- `stripchart(x)`

## ➤ Graphiques 3D

- `image(x,y,z)` # forme d'image
- `persp(x,y,z)` # forme de nappe c
- `ontour(x,y,z)` # les contours

Fonction utile : `z=outer(x,y,fonction)`

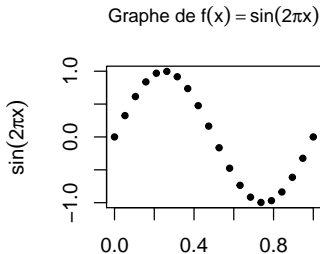
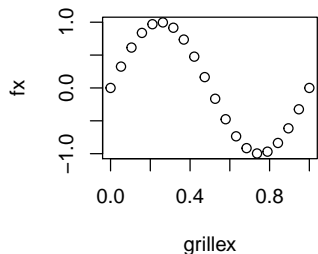
## ➤ Tableau et matrices

- `pairs(data)` # nuage de points colonne par colonne de data
- `matplot(data)` # trace chaque colonne de data

# La fonction plot (fonction)

La fonction **plot** est **une fonction générique** de **R** permettant de représenter tout type de données.

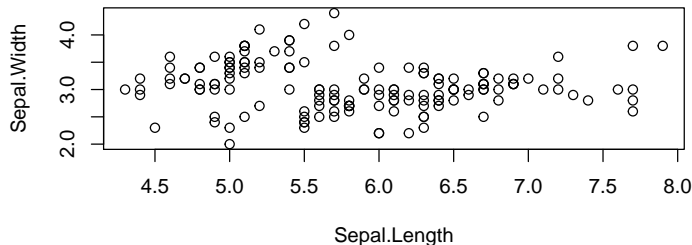
```
> par(mfrow=c(1,2)) # 3 figures sur une ligne
> grillex <- seq(0,1,length=20)
> fx <- sin(2*pi*grillex)
> plot(x=grillex,y=fx) # sans paramètres
> plot(x=grillex,y=fx, main=expression("Graphe de f"(x) == sin(2*pi*x)
+ ,xlab="x",ylab=expression(sin(2*pi*x)),cex.main=0.9,pch=20)
```



# La fonction plot sur un data-frame

```
> data("iris")  
> summary(iris)  
  
> plot(Sepal.Width~Sepal.Length,data=iris,  
+       main="Sepal.Length X Sepal.Width")
```

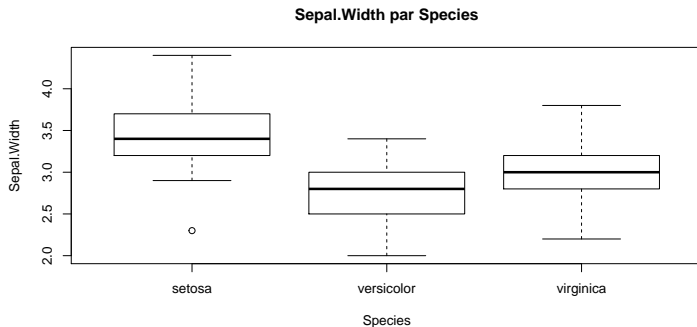
**Sepal.Length X Sepal.Width**



## plot: variable quantitative sur des groupes

Pour représenter **une variable quantitative en fonction d'une variable qualitative**:

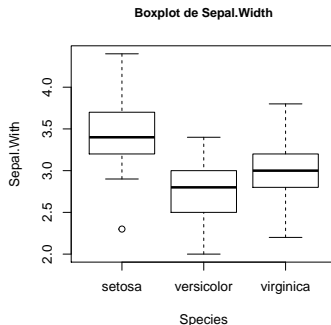
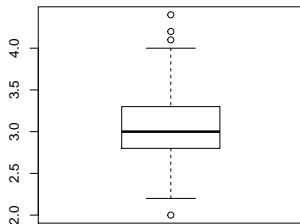
```
> plot(Sepal.Width~Species,data=iris,  
+      main="Sepal.Width par Species")
```



La fonction **plot** retourne des **boxplot** par modalité de la variable qualitative.

# La fonction boxplot

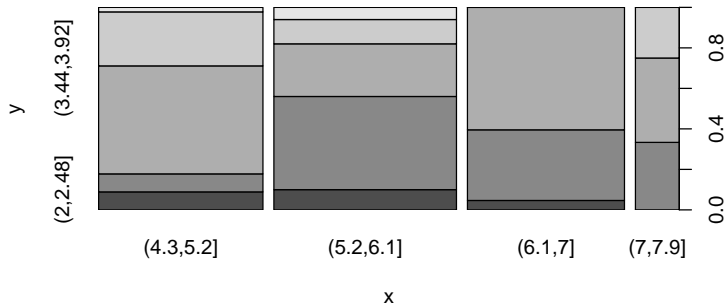
```
> par(mfrow=c(1,2))  
> par(cex.main=0.9)  
> boxplot(iris$Sepal.Width)  
> boxplot(iris$Sepal.Width~iris$Species,  
+         xlab="Species",ylab="Sepal.With",  
+         main="Boxplot de Sepal.Width")
```



## plot: deux variables qualitatives

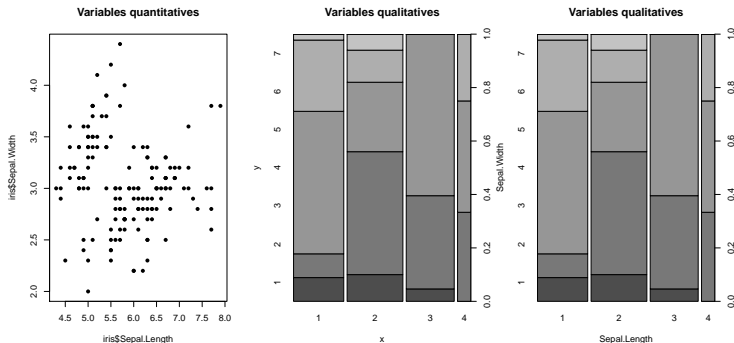
```
> Sepal.Length <- cut(iris$Sepal.Length,4) # découpe en classes  
> Sepal.Width <- cut(iris$Sepal.Width,5)  
> plot(Sepal.Length,Sepal.Width,main="Variables qualitatives")  
> levels(Sepal.Length) <- 1:4  
> levels(Sepal.Width) <- 1:7
```

**Variables qualitatives**





```
> par(mfrow=c(1,3))
> plot(iris$Sepal.Length,iris$Sepal.Width,main="Variables quantitatives")
> plot(Sepal.Length,Sepal.Width,main="Variables qualitatives")
> plot(Sepal.Length,Sepal.Width,main="Variables qualitatives",
+       xlab="Sepal.Length",ylab="Sepal.Width")
```



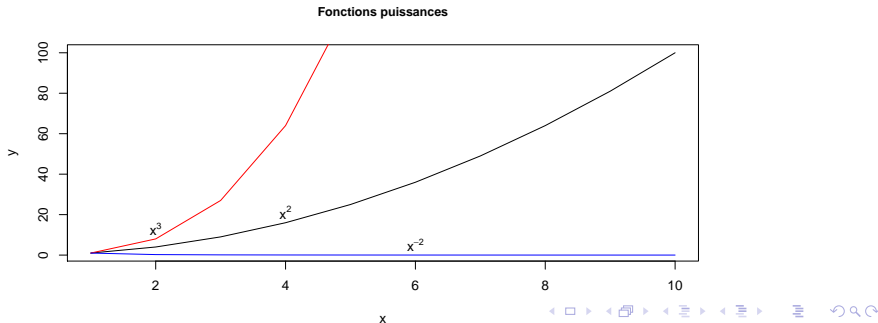
Sur des variables qualitatives, ces graphiques peuvent être obtenues avec la fonction **spineplot**

Une fois le graphique tracé, on peut le compléter par d'autres informations:

➤ **ajout de lignes** avec la fonction **lines**

➤ **ajout de text** avec la fonction **text**

```
> x<- 1:10;y <-x^2;z <-x^3;w<-x^(-2)
> plot(x,y,type="l",main="Fonctions puissances",cex.main=0.9)
> text(4,y[4]+5,expression(x^2))
> lines(x,z,col="red")
> text(2,z[2]+5,expression(x^3))
> lines(x,w,col="blue")
> text(6,w[6]+5,expression(x^-2))
```



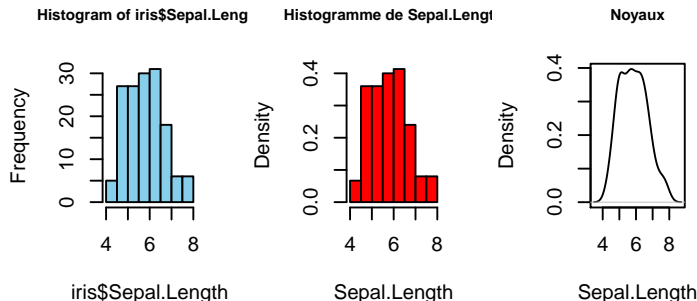
# Ajout à un graphique

Une fois le graphique tracé, on peut le compléter par d'autres informations:

- **ajout de points** par la fonction **point**
- **ajout de flèches** par la fonction **arrow**
- **ajout de segments** par la fonction **segments**
- **ajout de polygones** par la fonction **polygone**

# Histogramme avec la fonction **hist**

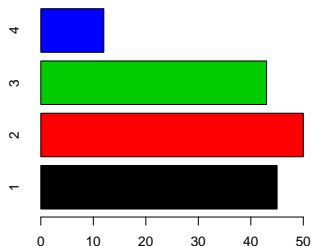
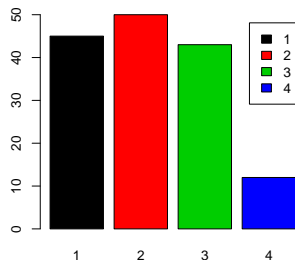
```
> par(mfrow=c(1,3))
> hist(iris$Sepal.Length,col="skyblue",cex.main=0.8)
> hist(iris$Sepal.Length,col="red",main="Histogramme de Sepal.Length",
+      prob=TRUE,xlab="Sepal.Length",cex.main=0.8)
> plot(density(iris$Sepal.Length),cex.main=0.8,main="Noyaux",
+      xlab="Sepal.Length")
```



La liste des couleurs disponibles est fournie par la commande **color()**

**Sepal.Length** est de class **factor**: `iris$Sepal.Length` découpée en classes.

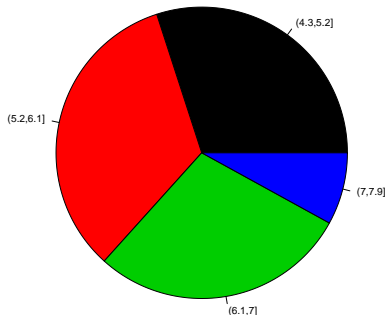
```
> par(mfrow=c(1,2))  
> barplot(table(Sepal.Length), col=1:nlevels(Sepal.Length),  
+         legend=TRUE)  
> barplot(table(Sepal.Length), col=1:nlevels(Sepal.Length),  
+         horiz=TRUE)
```



## pie: diagramme circulaire (camembert)

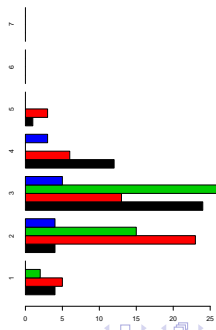
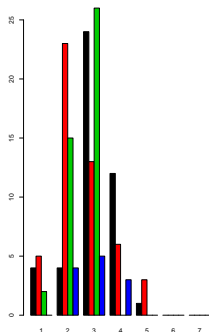
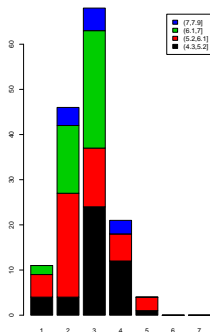
**Sepal.Length** est de class **factor**: iris\$Sepal.Length découpée en classes.

```
> Sepal.Length <- cut(iris$Sepal.Length,4)  
> pie(table(Sepal.Length),col=1:nlevels(Sepal.Length),radius = 1.)
```



# Diagramme en barre par groupe

```
> par(mfrow=c(1,3))  
> barplot(table(Sepal.Length,Sepal.Width),  
+           col=1:nlevels(Sepal.Length),legend=TRUE)  
> barplot(table(Sepal.Length,Sepal.Width),  
+           col=1:nlevels(Sepal.Length),beside=TRUE)  
> barplot(table(Sepal.Length,Sepal.Width),  
+           col=1:nlevels(Sepal.Length),beside=TRUE,hORIZ=TRUE)
```



# Plusieurs graphiques dans la même fenêtre

On veut faire figurer plusieurs graphiques dans une même fenêtre.

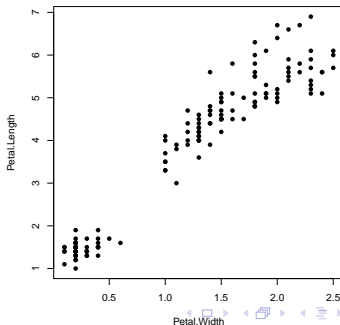
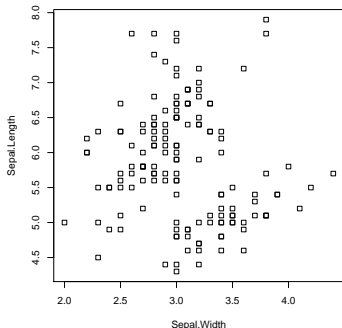
➤ Pour des **graphiques de même taille**: on utilise la fonction **par**.

L'instruction **par(mfrow=c(n,p))** organise **np** graphiques en **n** lignes et **p** colonnes.

```
> par(mfrow=c(1,2))
```

```
> plot(Sepal.Length~Sepal.Width,data=iris,pch=0)
```

```
> plot(Petal.Length~Petal.Width,data=iris,pch=16)
```





# Plusieurs graphiques dans la même fenêtre

Pour **des graphiques de taille différentes**, on utilisera la fonction **layout**.

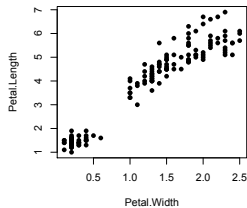
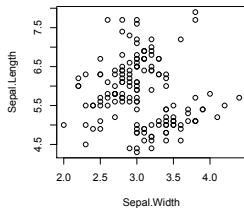
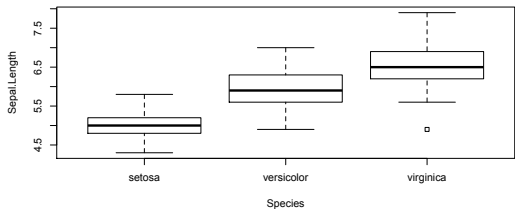
Elle admet comme argument, **une matrice de taille nrow x ncol**, les valeurs de la matrice correspondent aux numéros des graphiques qui doivent être dessinés dans chaque case.

Pour disposer trois graphiques sur deux lignes:

$$mat = \begin{pmatrix} 1 & 1 \\ 2 & 3 \end{pmatrix}$$

```
> mat <- matrix(c(1,2,1,3),nrow=2)
> layout(mat)
> plot(Sepal.Length~Species,data=iris,pch=0)
> plot(Sepal.Length~Sepal.Width,data=iris,pch=21)
> plot(Petal.Length~Petal.Width,data=iris,pch=16)
```

## Trois graphiques sur deux lignes avec **layout**



# Quelques paramètres pour améliorer un graphique

Certains paramètres sont modifiables **directement dans la commande graphique**, d'autres sont accessibles dans la fonction **par** qui **gère tous les paramètres graphiques du device**.

- Utiliser des couleurs avec **col="red"**, en utilisant des chiffres ou un code RGB.
- **contrôler l'aspect des axes et de leur label**

```
> x <- 1:10
> y <- x^2
> plot(x,y,type="l",axes=FALSE,xlab="",ylab="",
+      main=expression(f(x) == x^2),cex.main=0.9)
> axis(1,at=c(1,5,10),label=c("coord 1","coord 2","coord 3"),
+      cex.axis=0.8)
> axis(2,at=seq(1,100,length=10),cex.axis=0.8)
```

# Quelques paramètres pour améliorer un graphique

- ajouter une légende

```
> ecarty <- range(iris[, "Sepal.Length"])
> plot(iris[1:75, "Sepal.Length"], type="l")
> lines(iris[76:150, "Sepal.Length"],
+       ylim=ecarty, col="red")
> legend("topleft", legend=c("sem1", "sem2"),
+       col=c("black", "red"), lty=1)
```

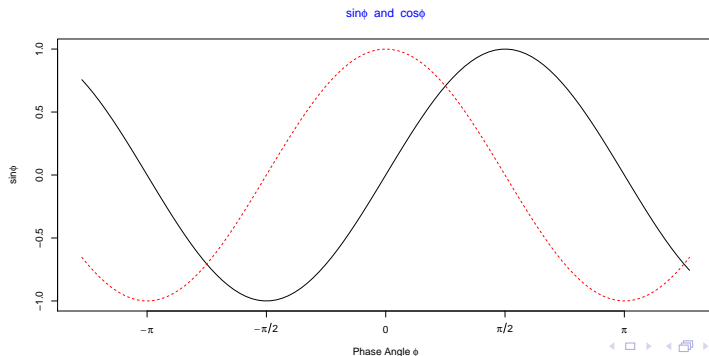
- insérer des symboles ou des formules mathématiques:

```
> plot(1, 1, cex.lab=0.8,
+       xlab=expression(bar(x) == sum(frac(x[i], 10), i==1, 10)))
```

- ...

Pour connaître l'ensemble des paramètres qui permettent d'améliorer les graphiques, **par()** et **help(par)**

```
> x <- seq(-4, 4, len = 101)
> y <- cbind(sin(x), cos(x))
> matplot(x, y, type = "l", xaxt = "n",
+         main = expression(paste(plain(sin) * phi, " and ",
+                                 plain(cos) * phi)),
+         ylab = expression("sin" * phi, "cos" * phi), # only 1st is
+         xlab = expression(paste("Phase Angle ", phi)),
+         col.main = "blue")
> axis(1, at = c(-pi, -pi/2, 0, pi/2, pi),
+      labels = expression(-pi, -pi/2, 0, pi/2, pi))
```



# Graphiques en plusieurs dimensions

Les fonctions de représentation 3D sur une grille de points sont les fonctions **persp** (3D avec effet de perspective), **contour** (lignes de niveau) et **image** (lignes de niveau avec effet de couleur).

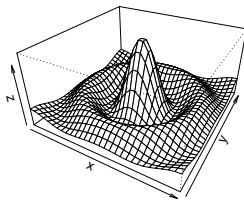
```
> f <- function(x,y) 10*sin(sqrt(x^2+y^2))/sqrt(x^2+y^2)
> x <- seq(-10,10,length=30) # maillage
> y <- x
```

Evaluons la fonction en chaque point de la grille avec la fonction **outer**.

```
> z <- outer(x,y,f)
```

Traçons la fonction 3D avec la fonction **persp**.

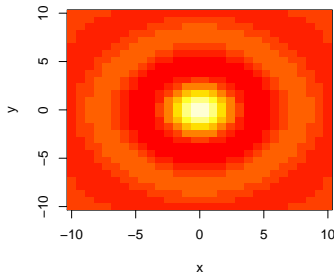
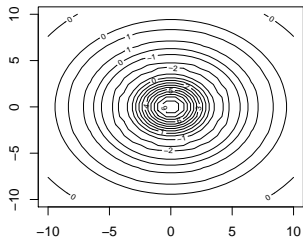
```
> persp(x,y,z,theta=30,phi=30,expand=0.5)
```



# Graphiques en plusieurs dimensions

Nous pouvons obtenir les courbes de niveaux en utilisant **contour** (lignes de niveau) ou **image** (lignes de niveau avec effet de couleur).

```
> par(mfrow=c(1,2))  
> contour(x,y,z)  
> image(x,y,z)
```



# Graphiques en plusieurs dimensions

Nous pouvons utiliser le package **rgl** pour construire la surface de réponse du graphique précédent.

```
> library(rgl)
> rgl.surface(x,y,z)
> plot3d(x,y,z)
```