

CIBERSORTx Output Display

Input Sample	cd8_eff	cd8_mem	th1_rest	th1_act	th2_rest	th2_act	cd4_mem_rest	cd4_mem_act	nk_rest	nk_act	dc_rest	dc_act	pnn	baso	mast_pro	mast_naive	tfh	mac_1	mac_2	mac_3	mac_4	mac_5	mac_6	mac_7	P-value	Correlation	RMSE	Absolute score (sig score)
DURC11687	0.071	0.087	0.131			0.023	0.065			0.059	0.178			0.046		0.014	0.073	0.09	0.208		0.056		0.117			0.625	0.782	2.129
DURC11691	0.072	0.041	0.147				0.209	0.12	0.041			0.159			0.009		0.062	0.071		0.103		0.042				0.700	0.724	2.275
DURC11694	0.092	0.162	0.109				0.112	0.022	0.129		0.012	0.116	0.012		0.013	0.026	0.035	0.006	0.152		0.137		0.197			0.505	0.863	2.417
DURC11698	0.242	0.168	0.194				0.111	0.079	0.132		0.08	0.231			0.012		0.011	0.093		0.114		0.019	0.171			0.672	0.753	3.196
DURC11206	0.104	0.18	0.088				0.436	0.032				0.243	0.042		0.074	0.092	0.196				0.145					0.685	0.735	3.441
DURC11699	0.035	0.034	0.057			0.003	0.134	0.136	0.007		0.23	0.237			0.006	0.034	0.054	0.061		0.134	0.137		0.079	0.197		0.551	0.834	1.847
DURC11905	0.068	0.135	0.184	0.003	0.005		0.213	0.134	0.126	0.050		0.074	0.007		0.02	0.015	0.166			0.134		0.088	0.197			0.659	0.763	2.593
DURC11533	0.088		0.125			0.006	0.172	0.047	0.071			0.132			0.005	0.016	0.028	0.009		0.166						0.715	0.702	2.210
DURC11519	0.005	0.148	0.148		0.054		0.034	0.167	0.075	0.021		0.102			0.003		0.045	0.051		0.08		0.072				0.707	0.714	2.716
DURC11971	0.019	0.245	0.268		0.035		0.049	0.145	0.183		0.101	0.182			0.008		0.035	0.145				0.055	0.197			0.643	0.783	2.517
DURC11462	0.036	0.133	0.253				0.071	0.248	0.082		0.016	0.203	0.254	0.002			0.049	0.118		0.272						0.718	0.705	2.868
DURC11900		0.182	0.162		0.04			0.216	0.081	0.04	0.032	0.066	0.012	0.014			0.013	0.159								0.729	0.689	3.482
DURC11943	0.191	0.157	0.099		0.007		0.115	0.094	0.025		0.006	0.067		0.018			0.036	0.068		0.054			0.191			0.709	0.722	2.247
DURC11503	0.161	0.153	0.201		0.042		0.095			0.097	0.023	0.097	0.251	0.023			0.022	0.117			0.219	0.147		0.246		0.653	0.761	3.218
DURC11674	0.143	0.256		0.007			0.148	0.194	0.207	0.13		0.119			0.03		0.109				0.136					0.635	0.774	4.748
DURC11969	0.049	0.195	0.005				0.044	0.108	0.051		0.046	0.075	0.227		0.058		0.069	0.218			0.218	0.091	0.259			0.622	0.784	1.961
DURC11481		0.218					0.063	0.063	0.255		0.073	0.223	0.003		0.009		0.01	0.204								0.696	0.733	3.987
DURC11996		0.253	0.253			0.002	0.025	0.188	0.129	0.039	0.172						0.005	0.09		0.058			0.108			0.705	0.724	4.682
DURC11209	0.04	0.023	0.258			0.062		0.019	0.057		0.13		0.014				0.005	0.09			0.26					0.694	0.725	2.954
DURC11972	0.056	0.105	0.160			0.06	0.207	0.051	0.015		0.012	0.146				0.006	0.026	0.081		0.042	0.232		0.179			0.714	0.707	2.471
DURC11237	0.182	0.076	0.237		0.02		0.06	0.048	0.147	0.222		0.049	0.147	0.222			0.014	0.091						0.111		0.704	0.731	3.026
DURC11980	0.067	0.107	0.147	0.031	0.063		0.254	0.036	0.076		0.095	0.231	0.221	0.057		0.041	0.026		0.152	0.15	0.204		0.157			0.573	0.819	2.423
DURC11005	0.027	0.061	0.264				0.14	0.126	0.237		0.257	0.092				0.018	0.177				0.092	0.234				0.726	0.723	2.603
DURC11818		0.137	0.181		0.164		0.169	0.059	0.074	0.073					0.004		0.02	0.142		0.078						0.736	0.710	2.610
DURC11273	0.205	0.23	0.278		0.019	0.003	0.089	0.166			0.054	0.087					0.054				0.014					0.707	0.714	3.537
DURC11308	0.232	0.181	0.24	0.021	0.091		0.252	0.163	0.096		0.037	0.143		0.025		0.029	0.015	0.109								0.667	0.748	4.124
DURC11390	0.23						0.232	0.163	0.096			0.236	0.16	0.068	0.003	0.001	0.061	0.014		0.197	0.469	0.888	3.230			0.469	0.888	3.230
DURC11528	0.028	0.125	0.152				0.134	0.135			0.002	0.267	0.124			0.009	0.016	0.043		0.126						0.649	0.766	2.189
DURC11081	0.042	0.094	0.203		0.01			0.102	0.06		0.056	0.231	0.066		0.006		0.025	0.076		0.049						0.690	0.731	2.342
DURC11039	0.053	0.101	0.151		0.01		0.142		0.057			0.239			0.033	0.119	0.122		0.196							0.668	0.744	2.939
DURC11090		0.142	0.199				0.038	0.246	0.077	0.003		0.271	0.139		0.001	0.024	0.183		0.138			0.111	0.227			0.636	0.779	2.201
DURC11571	0.15	0.18	0.239				0.158	0.185				0.19			0.014	0.054	0.128		0.172							0.687	0.732	3.621
DURC11945	0.122	0.08	0.065	0.017	0.048		0.183	0.103	0.065			0.068			0.03		0.026	0.056			0.028		0.03			0.720	0.707	2.361
DURC11456	0.197	0.24	0.281		0.047	0.012		0.23	0.03	0.045	0.162	0.28	0.022			0.053	0.027		0.08							0.729	0.692	4.647
DURC11517	0.183	0.116	0.38		0.043			0.068	0.16		0.002	0.235	0.006		0.03		0.075				0.015		0.095			0.690	0.740	3.312
DURC11474	0.048	0.112	0.086				0.125	0.109	0.095		0.004	0.276	0.047		0.002	0.003	0.017	0.097		0.033			0.029			0.628	0.787	1.864
DURC11492	0.088	0.228	0.31	0.003	0.081		0.171	0.02		0.02		0.008	0.23		0.008	0.053	0.021	0.061		0.102	0.01	0.04				0.704	0.726	3.601
DURC11924	0.084	0.199	0.114					0.053		0.073	0.087	0.228	0.011		0.006	0.051	0.066			0.101	0.049		0.216			0.535	0.845	1.998
DURC11258		0.131	0.38	0.108	0.074	0.06			0.095	0.12		0.068			0.046		0.063	0.221		0.203						0.615	0.790	5.567
DURC11089	0.072	0.136			0.021			0.133		0.103	0.015	0.238	0.012		0.075		0.022	0.116								0.668	0.751	3.202
DURC11575		0.136	0.16		0.028		0.099	0.067				0.115					0.022	0.025		0.072	0.27	0.039	0.054	0.226	0.054	0.649	0.768	2.185
DURC11293	0.138	0.02	0.242			0.008	0.113	0.154		0.043	0.061	0.237	0.162		0.01		0.025	0.028				0.026				0.622	0.786	2.018
DURC11130	0.145	0.132	0.038		0.15		0.01	0.043	0.056		0.017	0.235	0.069	0.078	0.017	0.001	0.018	0.106		0.072						0.677	0.742	4.979
DURC11046	0.136	0.080				0.007		0.073	0.11		0.101	0.257	0.038	0.113	0.011		0.001	0.01	0.036	0.012				0.065		0.689	0.735	2.879
DURC11929	0.101	0.211	0.217				0.243	0.175	0.188	0.019			0.038				0.065	0.056						0.004		0.677	0.756	2.624
DURC11281		0.251				0.02	0.146	0.135		0.052	0.069						0.06	0.23			0.095			0.071		0.644	0.776	4.144
DURC11281	0.089	0.066	0.047		0.013				0.06		0.129	0.245			0.013	0.039	0.023									0.623	0.790	1.911
DURC11441	0.148	0.018	0.129	0.039	0.008		0.225	0.038	0.139			0.158			0.045		0.042	0.142		0.019		0.132	0.158	0.088		0.666	0.760	2.377
DURC10116	0.087	0.137	0.147			0.006	0.195	0.054		0.033	0.155	0.128	0.053			0.046	0.104	0.065				0.231	0.162			0.635	0.780	2.121
DURC10478		0.21			0.051			0.016		0.039	0.236	0.224	0.072		0.036	0.122	0.034	0.177		0.118	0.646	0.764	0.175			0.646	0.764	3.383
DURC11086	0.043	0.058	0.082				0.228		0.136	0.011	0.037	0.168	0.195		0.023		0.05	0.029		0.161		0.04	0.164	0.173		0.678	0.744	1.773
DURC11082	0.119	0.23	0.041		0.029	0.061		0.185	0.011	0.139	0.231	0.104	0.002		0.036		0.052					0.069	0.219			0.727	0.723	2.643
DURC11454	0.158	0.243			0.003		0.205	0.146	0.044	0.092		0.101					0.036			0.022			0.235	0.005		0.755	0.713	2.853
DURC11428	0.201	0.143	0.127					0.044		0.099	0.021	0.14	0.168				0.044	0.099	</									

Input																								Absolute score						
Sample	cd8 eff	cd8 mem	th1 rest	th1 act	th2 rest	th2 act	cd4 mem	restcd4	mem actreg	nk rest	nk act	dc rest	dc act	pnn	baso	mast pro	mast naiveeos	tfh	mac 1	mac 2	mac 3	mac 4	mac 5	mac 6	mac 7	P-value	Correlation	RMSE	(sig.score)	
DLBC11864	0.246	0	0.229	0	0	0.013	0.064	0.11	0	0	0	0.283	0.079	0.042	0.005	0.00	0.018	0	0.014	0.15	0.092	0	0.112	0.067	0.123	0.184	0	0.578	0.818	1.629
DLBC11886	0.035	0.066	0.241	0	0	0.011	0	0.235	0.091	0.116	0	0.161	0.192	0.103	0.029	0	0.031	0	0.014	0.15	0.092	0	0.112	0.067	0.123	0.184	0	0.516	0.857	2.075
DLBC11656	0.019	0.125	0.22	0	0	0	0	0.057	0.073	0.027	0	0	0.287	0.087	0	0	0.021	0.023	0.081	0	0	0	0.051	0.08	0.111	0	0	0.699	0.721	3.069
DLBC11204	0.208	0.233	0.264	0	0	0	0	0.086	0.086	0.104	0	0.108	0	0.157	0	0.004	0	0.028	0.02	0	0.032	0	0	0	0	0.051	0	0.625	0.784	2.787
DLBC11486	0	0	0	0	0	0	0	0.216	0.03	0.066	0	0	0.202	0	0	0	0.017	0.012	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.685	0.733	4.402
DLBC11099	0.173	0.202	0.182	0	0	0	0	0.046	0.095	0	0	0	0.11	0	0	0.004	0.041	0.027	0	0.026	0	0.064	0.189	0	0	0	0	0.686	0.737	2.838
DLBC11537	0.076	0.02	0.134	0	0	0	0	0.244	0.203	0.041	0.017	0	0.24	0	0	0.006	0.031	0.159	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0.600	0.800	2.498	
DLBC11480	0	0.23	0.29	0	0.042	0	0	0.107	0.117	0.036	0.083	0	0.28	0.006	0	0.01	0.013	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0.666	0.747	3.478	
DLBC11878	0.224	0.156	0.243	0	0	0.018	0.011	0.168	0	0.022	0	0.104	0	0.097	0	0.011	0	0.036	0.074	0	0.084	0	0.065	0	0	0	0	0.700	0.719	3.177
DLBC11346	0.029	0.073	0.22	0	0.075	0	0.09	0.214	0.055	0.006	0	0.104	0	0.042	0	0	0.001	0	0.017	0	0.126	0	0	0	0	0	0.681	0.742	1.914	
DLBC11487	0	0.132	0	0	0.134	0.015	0.044	0.178	0	0.079	0	0	0.1	0.082	0	0	0.051	0	0.175	0	0.171	0.113	0	0	0.035	0	0	0.652	0.766	3.524
DLBC12314	0.05	0.116	0.211	0	0	0	0	0.039	0.132	0	0.05	0.142	0.045	0	0	0.057	0.148	0.075	0	0	0.171	0.03	0	0	0	0	0	0.735	0.726	2.862
DLBC11083	0.196	0.172	0.185	0	0.048	0	0	0.119	0.132	0.107	0	0.014	0.097	0	0	0	0.097	0	0	0	0	0.018	0.018	0	0	0	0	0.690	0.753	2.867
DLBC11084	0.035	0.139	0.162	0	0	0	0.164	0.051	0.05	0.009	0.058	0.067	0.034	0	0	0.01	0.022	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.666	0.750	2.133
DLBC11846	0.084	0.073	0.092	0	0	0.002	0.008	0.068	0.031	0.135	0.107	0	0.134	0	0	0.009	0.022	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.700	0.734	3.062
DLBC11511	0.263	0.271	0	0	0	0	0	0.051	0.198	0.134	0.151	0	0	0	0	0	0.015	0	0.069	0	0	0	0	0.202	0	0	0	0.677	0.740	4.065
DLBC11077	0.122	0.151	0.122	0	0	0	0.156	0	0.133	0	0.121	0.036	0.026	0	0.005	0.012	0	0.027	0.048	0.085	0	0.009	0	0.243	0	0	0	0.650	0.766	2.145
DLBC11097	0.168	0.102	0.055	0	0	0.003	0.151	0.151	0.022	0	0	0.165	0	0	0	0.008	0.056	0.241	0.053	0.015	0.031	0.021	0.102	0.198	0	0	0.609	0.808	2.095	
DLBC11085	0.019	0.191	0.242	0	0.013	0	0.013	0.19	0	0.024	0	0.173	0	0	0	0.005	0.081	0.203	0	0.216	0	0	0	0	0	0	0	0.671	0.746	2.703
DLBC11211	0.029	0.147	0.22	0	0	0.007	0.05	0.224	0	0.083	0.036	0	0.174	0.008	0	0	0.058	0.103	0	0	0	0.036	0.264	0	0	0	0	0.738	0.689	3.124
DLBC11205	0.221	0.143	0.21	0	0	0.013	0	0.236	0.018	0.102	0	0	0.184	0.022	0	0	0	0.162	0	0.25	0.019	0	0.036	0.256	0	0	0	0.675	0.748	3.199
DLBC11096	0.123	0.218	0	0	0.078	0	0.113	0	0	0	0	0.107	0.128	0	0.005	0	0	0.016	0.22	0.009	0.019	0.037	0	0	0	0	0	0.726	0.732	3.126
DLBC11043	0.138	0.102	0.09	0	0	0	0	0.095	0.085	0.006	0.166	0.09	0.024	0	0	0.059	0	0	0	0.155	0	0	0.154	0	0	0	0	0.649	0.761	5.385
DLBC11039	0.14	0.107	0.169	0	0	0.016	0.152	0.14	0	0	0.033	0.055	0.02	0	0	0.083	0.21	0.09	0.142	0.043	0.089	0.094	0.037	0	0	0	0	0.676	0.748	3.475
DLBC11071	0	0.233	0.215	0	0	0	0.176	0.139	0.191	0	0	0.173	0.021	0	0.015	0	0.022	0.001	0	0	0.173	0.176	0	0	0	0	0	0.689	0.762	2.415
DLBC11044	0	0.063	0.232	0	0.013	0	0.188	0.214	0.246	0.031	0	0.201	0.046	0	0	0.001	0.013	0.089	0.057	0.279	0.064	0.013	0.277	0	0	0	0	0.793	0.686	2.234
DLBC11562	0.084	0.13	0.263	0	0	0	0.172	0.136	0.095	0	0.041	0.196	0.123	0	0	0.035	0.043	0	0	0	0.063	0.283	0	0	0	0	0	0.688	0.735	2.640
DLBC11031	0.194	0.065	0.259	0	0.04	0.013	0	0.213	0	0.048	0.055	0.203	0.15	0.027	0.029	0	0.035	0.051	0	0.202	0	0	0.047	0	0	0	0	0.703	0.722	2.533
DLBC11469	0.032	0.102	0.151	0	0	0	0	0	0.092	0.007	0.031	0.167	0.135	0	0	0	0.068	0.182	0	0	0.016	0	0	0	0	0	0	0.677	0.765	3.201
DLBC11084	0.14	0.229	0.222	0	0.012	0	0.096	0.053	0.098	0.055	0	0	0.065	0	0	0.013	0.069	0.076	0	0.044	0	0	0	0	0	0	0	0.730	0.713	2.682
DLBC11105	0	0.239	0	0	0.017	0	0	0	0	0	0	0.032	0.093	0.009	0	0.005	0.023	0.065	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.646	0.765	3.888
DLBC11106	0.113	0.164	0.153	0	0	0	0.035	0.002	0.006	0.016	0.015	0.048	0.039	0.037	0	0	0.023	0.153	0.051	0.132	0.009	0.137	0.028	0.093	0	0	0	0.678	0.751	4.609
DLBC11453	0	0	0	0	0.035	0.002	0.006	0.016	0.015	0.206	0	0.048	0.039	0.037	0	0	0.023	0.153	0.051	0.132	0.009	0.137	0.028	0.093	0	0	0	0.678	0.751	4.609
DLBC11275	0.256	0.185	0.238	0	0.024	0	0.166	0.065	0.009	0.038	0.061	0.049	0.034	0	0	0.112	0.068	0.152	0	0.177	0.175	0	0	0.079	0	0	0	0.778	0.941	3.036
DLBC11083	0.189	0.028	0.057	0	0.013	0	0.084	0.051	0	0.009	0.038	0.061	0.049	0.034	0	0.018	0.014	0	0.191	0.091	0.092	0.033	0	0.073	0	0	0	0.592	0.814	1.469
DLBC11438	0.215	0.168	0	0	0.032	0.011	0.066	0.03	0.005	0.06	0.13	0.134	0.02	0	0.06	0	0.014	0.123	0.191	0.091	0.092	0.142	0	0	0	0	0	0.715	0.726	2.904
DLBC11089	0.05	0.115	0.199	0	0	0.003	0.06	0.057	0.031	0	0.024	0.081	0	0	0	0.022	0.039	0.177	0.021	0	0.092	0	0.102	0	0	0	0	0.677	0.749	2.041
DLBC11051	0.119	0.11	0.113	0	0.035	0	0.263	0.051	0.053	0	0.015	0.095	0.076	0.025	0	0.002	0.039	0.177	0.021	0	0	0	0.069	0	0	0	0	0.682	0.744	2.085
DLBC11020	0.09	0.098	0.101	0.004	0	0	0.19	0.21	0	0	0.012	0.012	0.067	0.042	0	0	0.014	0.089	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0.602	0.804	3.325
DLBC11483	0.078	0.108	0.069	0	0.023	0	0.244	0.061	0.012	0	0.226	0.128	0	0	0	0.001	0.006	0.084	0	0.079	0	0	0	0	0	0	0	0.684	0.737	2.339
DLBC11258	0.058	0.031	0.092	0	0.039	0	0.175	0.08	0.068	0	0.067	0.198	0.179	0.013	0	0.034	0.118	0.083	0.232	0	0	0	0.099	0	0	0	0	0.647	0.764	2.244
DLBC11082	0	0.179	0.268	0	0	0.003	0.266	0.035	0.051	0	0.067	0.203	0.189	0	0	0.017	0.044	0.205	0.124	0.004	0.147	0	0	0	0	0	0	0.495	0.869	2.641
DLBC11045	0.123	0.081	0.23	0	0	0	0.241	0	0.212	0	0.1	0	0	0	0	0.015	0.037	0.025	0.124	0.032	0.048	0	0	0	0	0	0	0.677	0.748	2.549
DLBC11045	0	0.086	0.21	0	0	0.011	0.165	0.142	0.128	0	0	0.17	0	0	0.006	0.016	0.117	0	0.045	0.167	0.045	0.167	0.001	0	0	0	0	0.673	0.743	2.864
DLBC11049	0.033	0.036	0.025	0	0	0.003	0.230	0.018	0	0	0.212	0.039	0	0	0	0.054	0.08	0	0.101	0	0	0	0.012	0	0	0	0	0.532	0.847	1.267
DLBC11059	0.027	0.145	0.06	0	0	0.001	0.162	0.107	0	0.004	0.149																			

Input																								Absolute					
Sample	cd8 eff	cd8 mem	th1 rest	th1 act	th2 rest	th2 act	cd4 mem	restcd4	mem actreg	nk rest	nk act	dc rest	dc act	pnn	baso	mast pro	mast naiveeos	tth	mac 1	mac 2	mac 3	mac 4	mac 5	mac 6	mac 7	P-value	Correlation	RMSE	score (sig.score)
DLBCL1201	0.235	0.146	0.212	0	0	0	0.004	0.259	0	0	0.026	0.2	0.216	0.01	0	0.039	0.091	0.111	0	0	0.201	0.202	0	0	0.177	0.621	0.784	3.236	
DLBCL1545	0.149	0.13	0.187	0	0.052	0	0	0.089	0.132	0	0	0.257	0.228	0	0	0	0.016	0.124	0.109	0	0.128	0.263	0.193	0.015	0	0.673	0.750	2.436	
DLBCL1526	0.236	0.082	0.178	0.015	0	0	0	0.05	0	0	0.1	0.24	0.098	0.02	0.001	0	0.099	0.25	0.064	0	0.128	0.263	0.193	0.015	0.107	0.615	0.759	2.610	
DLBCL10514	0	0.141	0.208	0	0	0	0	0.028	0.138	0.14	0.053	0	0.177	0	0.012	0	0	0	0	0.128	0	0.071	0.014	0	0	0.702	0.718	2.899	
DLBCL10484	0.093	0.066	0.2	0.007	0.015	0	0	0.259	0.055	0.078	0	0.21	0.234	0.039	0.005	0	0.103	0.097	0.052	0	0.133	0.263	0.193	0.197	0	0.656	0.760	2.534	
DLBCL11504	0.097	0.217	0.173	0	0	0	0	0.161	0.087	0	0.082	0.188	0.045	0	0	0	0.016	0.226	0	0.11	0.133	0.263	0.193	0.142	0.012	0.615	0.803	2.307	
DLBCL11596	0.026	0.129	0.114	0	0.014	0	0	0.096	0.039	0.051	0.02	0	0.061	0	0.005	0.02	0.042	0.029	0.159	0.172	0.138	0.156	0.078	0	0.628	0.784	1.747		
DLBCL11676	0.11	0.151	0.168	0	0	0	0	0.143	0.102	0.103	0	0.3	0.125	0	0	0	0.024	0.09	0.079	0	0.128	0.263	0.193	0.041	0	0.678	0.752	2.654	
DLBCL12889	0.086	0.153	0.208	0	0	0	0	0.075	0.154	0	0	0.221	0.058	0	0	0	0.018	0.059	0	0	0	0	0	0	0	0.719	0.731	2.378	
DLBCL19910	0	0.139	0.155	0	0.004	0.004	0.235	0	0.075	0	0.049	0.186	0.148	0.023	0	0.047	0.055	0.173	0.134	0.233	0.216	0.138	0.219	0.145	0.684	0.737	2.405		
DLBCL15460	0	0.118	0.172	0	0	0	0.005	0.15	0	0	0	0.214	0.214	0	0	0.017	0.046	0.14	0.166	0.035	0.26	0.185	0.063	0.254	0	0.695	0.749	3.139	
DLBCL14133	0.116	0.109	0.21	0	0	0	0.008	0	0.041	0.137	0.056	0.232	0.214	0.068	0.006	0	0.018	0.014	0.166	0	0.133	0.263	0.193	0	0.755	0.665	4.192		
DLBCL11193	0.115	0.064	0.239	0	0.048	0	0	0.148	0.065	0.036	0	0.15	0.23	0.011	0	0.032	0.018	0.222	0	0	0.193	0.138	0.156	0	0.554	0.832	2.505		
DLBCL11186	0	0.046	0.21	0	0.033	0	0	0.204	0	0	0	0.272	0.26	0.041	0	0.032	0.254	0	0	0.012	0.066	0.076	0	0	0.678	0.751	2.932		
DLBCL10541	0	0.04	0.179	0	0.078	0	0	0.156	0.076	0.139	0	0.227	0.182	0.035	0.011	0	0.033	0.035	0	0.061	0.216	0.138	0.156	0	0.689	0.729	2.330		
DLBCL16488	0.033	0.123	0.21	0	0	0	0	0.082	0.09	0.017	0.101	0	0.227	0.092	0	0	0.064	0.095	0	0	0.006	0.006	0.176	0	0	0.665	0.748	3.687	
DLBCL1596	0.153	0.164	0.21	0	0	0.018	0	0.057	0.095	0.27	0	0.246	0.24	0.023	0.007	0.011	0	0.193	0	0	0.091	0	0	0	0	0.675	0.746	4.704	
DLBCL10833	0.014	0.081	0.048	0.003	0.053	0	0	0.131	0.047	0.108	0	0.117	0.232	0	0	0	0.044	0.086	0	0	0	0	0	0.068	0	0.700	0.720	1.963	
DLBCL10865	0.054	0.185	0.251	0	0.02	0	0	0.064	0.233	0.01	0	0.022	0.128	0.169	0	0	0.027	0.142	0	0	0.166	0	0	0	0	0.686	0.739	2.401	
DLBCL15178	0.09	0.091	0.046	0	0.064	0	0	0.055	0.183	0.113	0	0	0.185	0	0	0	0.208	0	0	0.086	0.258	0	0	0	0	0.680	0.736	2.557	
DLBCL11572	0.129	0.129	0.176	0	0.091	0.004	0	0	0	0	0	0.232	0.092	0	0	0	0.009	0.028	0.012	0	0.249	0	0	0	0	0.672	0.763	2.158	
DLBCL10837	0.061	0.105	0.129	0.006	0.058	0	0	0.047	0.158	0	0	0.079	0.091	0.011	0	0.02	0	0.026	0.17	0.132	0	0.066	0	0	0	0.677	0.741	2.616	
DLBCL15451	0	0.146	0.21	0	0.062	0	0	0.206	0	0.259	0.159	0	0.24	0.062	0.011	0	0.023	0	0.07	0	0	0	0	0	0	0.683	0.738	5.195	
DLBCL15996	0	0.119	0.229	0	0.045	0	0	0.068	0.125	0.058	0	0	0.14	0.144	0.013	0	0.01	0	0.098	0	0	0.096	0.245	0	0	0.644	0.780	1.967	
DLBCL10996	0.012	0.168	0.175	0	0.053	0	0	0.203	0.043	0	0	0.026	0.238	0.015	0.014	0	0.015	0.064	0.227	0.173	0.152	0.001	0	0	0.702	0.713	3.608		
DLBCL10968	0.142	0.112	0.248	0	0	0.004	0	0.272	0.024	0.043	0	0.085	0.158	0.049	0	0	0.057	0.096	0.056	0.001	0	0.096	0.132	0	0	0.680	0.760	2.377	
DLBCL10993	0.03	0.094	0.085	0	0.07	0	0	0.239	0.095	0	0	0.066	0.107	0	0	0.030	0.032	0.115	0.251	0	0.044	0	0	0	0	0.691	0.732	2.314	
DLBCL11449	0.063	0.131	0.057	0.008	0.086	0	0	0.03	0.011	0	0.084	0.212	0.168	0.034	0	0.029	0.084	0.059	0	0	0.005	0.239	0.212	0.029	0	0.644	0.765	2.315	
DLBCL10914	0.082	0.165	0.07	0	0.01	0	0	0.052	0.231	0.068	0	0.202	0.226	0	0	0.011	0	0.182	0.242	0.099	0	0	0	0	0	0.550	0.838	2.074	
DLBCL10927	0.194	0.167	0.255	0	0	0.033	0	0	0.055	0	0.082	0.202	0.21	0	0	0.025	0	0.046	0.191	0	0.246	0	0	0	0	0.744	0.692	4.003	
DLBCL11182	0.175	0.088	0.038	0	0.045	0	0	0.021	0.206	0.004	0.068	0	0.232	0.072	0	0	0.033	0.054	0	0.048	0	0	0	0	0	0.639	0.770	3.132	
DLBCL10928	0.069	0.058	0.124	0	0	0.006	0.123	0.119	0	0	0.062	0.113	0.23	0.072	0	0.005	0.087	0.23	0.122	0.051	0.171	0	0	0.057	0.608	0.796	2.263		
DLBCL11475	0	0	0.038	0	0	0.008	0	0.095	0.038	0	0	0.062	0.113	0.23	0.072	0.021	0.119	0.238	0.032	0.051	0.171	0	0	0	0	0.645	0.776	3.147	
DLBCL10946	0.088	0.082	0.054	0	0.1	0	0	0.042	0.093	0.043	0	0.037	0.252	0.013	0.016	0.032	0.097	0	0	0.129	0.189	0	0	0	0	0.643	0.769	2.039	
DLBCL10866	0.17	0.083	0.128	0	0.013	0	0	0.154	0.094	0	0.031	0.232	0.154	0.014	0.021	0	0.032	0.097	0	0	0.129	0.189	0	0.124	0	0.659	0.759	2.150	
DLBCL11043	0.106	0.101	0.03	0	0	0	0.152	0.093	0.034	0	0.248	0.226	0.006	0	0.011	0.055	0.054	0.032	0	0.156	0	0	0	0	0	0.647	0.765	1.675	
DLBCL11436	0	0.179	0.186	0	0.039	0	0	0.16	0	0	0.184	0.191	0.03	0	0.006	0.042	0.088	0.092	0.088	0.014	0.176	0	0	0	0	0.580	0.851	1.809	
DLBCL10973	0.24	0.135	0.249	0.007	0.011	0	0	0.068	0.154	0.135	0.023	0.232	0.213	0	0.047	0.055	0.208	0	0.04	0.068	0	0	0	0	0	0.687	0.738	3.538	
DLBCL15481	0.084	0.202	0.21	0	0.076	0	0	0.182	0.142	0.009	0.122	0	0.156	0	0	0.005	0.026	0.143	0.118	0.003	0.047	0	0	0	0	0.652	0.766	3.299	
DLBCL15316	0.095	0.054	0.16	0	0	0.013	0.105	0.158	0.031	0	0	0.232	0.095	0	0	0.002	0.011	0.046	0.083	0.136	0	0	0	0	0	0.663	0.753	2.097	
DLBCL10911	0	0.014	0.115	0.033	0.047	0	0	0.276	0	0.012	0.001	0.071	0.137	0.187	0.122	0	0.055	0.039	0.134	0.25	0	0.057	0.114	0.001	0	0.629	0.778	2.441	
DLBCL10524	0	0.161	0.109	0	0	0	0.222	0.184	0.24	0	0.032	0.21	0	0	0.005	0.061	0.236	0	0.219	0.114	0	0	0	0	0	0.666	0.769	2.754	
DLBCL11445	0.17	0.125	0.242	0	0	0.015	0.055	0.09	0.059	0.036	0	0.239	0.23	0	0	0.061	0	0.239	0	0	0.022	0	0	0	0	0.713	0.710	2.665	
DLBCL11443	0.09	0.026	0.131	0	0	0	0.115	0.084	0.156	0	0.088	0.2	0.088	0	0	0.02	0	0.042	0.078	0.037	0.088	0.085	0.242	0	0.679	0.746	2.091		
DLBCL15469	0	0	0.083	0	0.032	0.008	0.259	0	0	0.076	0	0.26	0.101	0.015	0	0.014	0.002	0.059	0.075	0.206	0.215	0.082	0	0.002	0	0.586	0.820	2.741	
DLBCL11484	0	0.141	0.11	0	0	0	0.23	0	0.245	0.071	0	0.12	0.138	0.015	0	0.023	0	0.008	0.084	0.015	0	0.078	0	0	0	0.656	0.768	2.501	
DLBCL10895	0.22	0.181	0.23	0	0.009	0	0.085	0.249	0.198	0.052	0	0.155	0.08	0	0	0.007	0	0.177	0	0	0.038	0	0	0	0	0.717	0.744	2.373	
DLBCL10916	0.054	0.062																											

	c4d eff		c4d mem		th1 rest	th1 act	th2 rest	th2 act	c4d mem rest		c4d mem act	nk rest		nk act	dc rest	dc act	pnn	baso	mast pro	mast naiv	naiv eos	tfh	mac 1	mac 2	mac 3	mac 4	mac 5	mac 6	mac 7	P-value	Correlation	RMSE	Absolute score (score)
DURC110533	0.043	0.222							0.075	0.077		0.024	0.088		0.127	0.12	0.064					0.016							0.114	0.721	0.702	3.065	
DURC11491	0.112	0.112					0.036					0.036			0.036		0.078	0.012		0.009		0.05							0.137	0.678	0.737	4.529	
DURC11271	0.139	0.164						0.021			0.186				0.013	0.12	0.118			0.023	0.112					0.084	0.007			0.670	0.752	3.567	
DURC10874	0.138	0.175	0.04	0.012	0.08					0.106	0.242	0.006	0.096		0.036	0.122			0.012		0.065	0.444		0.11						0.669	0.743	3.531	
DURC11566	0.014	0.141	0.101				0.003		0.234	0.041			0.018	0.227	0.086			0.003		0.054	0.207		0.033			0.009	0.247	0.018		0.564	0.829	1.780	
DURC11470	0.028	0.091	0.149						0.158	0.174	0.178			0.031	0.205	0.201			0.002	0.019	0.163		0.027				0.093			0.677	0.748	2.443	
DURC10540	0.027	0.125	0.137			0.032	0.006		0.132	0.111		0.005			0.222			0.008		0.049	0.031					0.086				0.728	0.689	2.873	
DURC11184	0.071	0.055	0.075					0.115	0.11		0.169	0.131		0.029	0.127	0.202	0.013		0.013		0.088	0.052		0.15	0.107	0.263	0.132	0.281		0.619	0.785	1.980	
DURC11558	0.095	0.073	0.202	0.013	0.024				0.149	0.014		0.109	0.111		0.16	0.12			0.028	0.14	0.003		0.015	0.181				0.049		0.629	0.781	2.363	
DURC10980		0.101	0.029						0.154	0.028	0.125			0.072	0.197	0.083	0.01		0.02		0.022	0.191		0.013	0.151			0.16		0.558	0.838	1.497	
DURC11676	0.157	0.153					0.003				0.099	0.054	0.059		0.16	0.24		0.016			0.068		0.013							0.676	0.742	3.840	
DURC10963	0.062	0.098	0.128			0.007			0.13	0.098	0.077			0.074	0.212	0.16	0.01		0.003		0.011	0.091		0.009	0.171			0.239	0.091	0.736	0.713	2.189	
DURC11478	0.081	0.144	0.24						0.206	0.198	0.138	0.038	0.009	0.179	0.172	0.003	0.003			0.012										0.733	0.698	3.328	
DURC10977	0.149	0.192	0.156				0.001		0.182	0.181	0.123	0.015			0.24			0.001		0.014	0.141						0.102			0.677	0.752	2.627	
DURC11563	0.053	0.156	0.247				0.013		0.192	0.229		0.011			0.139					0.034	0.081			0.067						0.673	0.759	2.852	
DURC10984	0.078	0.069	0.21						0.02	0.023	0.109	0.08			0.212	0.136				0.017	0.124	0.079					0.14	0.25		0.641	0.783	2.410	
DURC11448	0.146	0.069	0.094	0.031	0.145			0.003	0.02	0.023	0.109	0.08			0.172	0.125	0.011	0.003	0.024	0.016		0.008			0.2		0.188			0.722	0.699	2.731	
DURC11318	0.187	0.172						0.003	0.121	0.111	0.037	0.036	0.004		0.12	0.125		0.008		0.015	0.181		0.007			0.107	0.22	0.900		0.692	0.742	2.900	
DURC11301	0.078	0.121	0.022						0.124	0.183					0.129	0.124		0.005		0.023	0.131		0.095							0.591	0.807	1.975	
DURC12052	0.178	0.178	0.236						0.015			0.079	0.121	0.127	0.071			0.003		0.011	0.215					0.295	0.143	0.072	0.777	0.681	3.01		
DURC11523	0.193	0.04	0.058	0.011	0.049				0.025				0.105	0.062			0.002	0.003		0.09	0.215					0.034	0.255			0.653	0.765	3.648	
DURC10887	0.151	0.169				0.004		0.004	0.176	0.113	0.06	0.057	0.044	0.042	0.123	0.016		0.031		0.013	0.044				0.159			0.117		0.661	0.765	1.653	
DURC11671	0.125	0.051				0.015			0.057	0.133	0.076				0.011	0.122				0.024	0.122		0.202			0.125			0.699	0.721	2.993		
DURC10942	0.061	0.191	0.274			0.014		0.113		0.132			0.018		0.137	0.019			0.007	0.019			0.18					0.208		0.680	0.733	3.987	
DURC10521	0.131	0.183							0.153	0.199	0.237				0.247	0.044	0.001	0.01		0.028	0.039							0.189		0.628	0.780	2.502	
DURC10897	0.005	0.115	0.138			0.017	0.003		0.132	0.127	0.016	0.003			0.232	0.134	0.012		0.036		0.064	0.121						0.096		0.688	0.728	2.676	
DURC11663	0.127	0.133			0.1				0.205	0.047	0.034		0.097	0.245	0.226	0.01		0.081		0.06	0.133									0.641	0.767	5.515	
DURC11260	0.06	0.141	0.085						0.136	0.09	0.057				0.064			0.007	0.071	0.11		0.179			0.02	0.171	0.131			0.620	0.785	2.145	
DURC11509	0.163	0.189					0.093		0.09		0.097		0.062	0.222	0.138	0.003		0.006		0.01	0.21									0.696	0.730	4.607	
DURC10564	0.051	0.151				0.011			0.132	0.216					0.138	0.158	0.033	0.011	0.057		0.187	0.008		0.253	0.087	0.149	0.202			0.646	0.783	2.526	
DURC11429	0.033	0.195	0.13						0.205	0.047	0.034		0.097	0.245	0.226	0.01		0.06	0.133		0.06	0.133					0.189	0.091		0.687	0.746	2.436	
DURC11482	0.04	0.149	0.105			0.014			0.237	0.013	0.037		0.032	0.166	0.053				0.046	0.039		0.077					0.018		0.650	0.765	1.814		
DURC10850	0.0	0.148	0.146			0.021			0.089	0.191					0.107			0.004		0.066	0.126		0.136			0.159			0.597	0.802	2.301		
DURC11479	0.16	0.28	0.202			0.032			0.244	0.246	0.032	0.028	0.133	0.28	0.03			0.012	0.021	0.175		0.001	0.261		0.018	0.195	0.012	0.071		0.661	0.757	3.843	
DURC10997	0.106	0.086							0.217	0.192					0.204	0.186	0.01			0.056	0.239	0.058				0.018	0.195	0.012		0.581	0.819	1.889	
DURC11499	0.052	0.181	0.023			0.046			0.042	0.068			0.145		0.194		0.004		0.177	0.013					0.042	0.103	0.081			0.652	0.759	2.459	
DURC10925	0.107					0.065				0.183		0.151		0.151	0.21	0.06	0.056		0.008	0.022	0.015			0.109				0.227		0.684	0.737	2.981	
DURC10975	0.181	0.071	0.055	0.04		0.142			0.095	0.017			0.087	0.05	0.07	0.021	0.002		0.013	0.156						0.092	0.084			0.582	0.821	1.794	
DURC10452	0.115	0.02	0.099			0.041			0.135	0.207			0.021	0.114		0.06		0.006		0.01	0.104		0.06	0.005						0.665	0.747	2.790	
DURC10527	0.182	0.251							0.182	0.122			0.021	0.229	0.125			0.014	0.048	0.09			0.202		0.215	0.086	0.137			0.704	0.738	3.127	
DURC11669	0.065	0.092							0.041	0.127	0.044		0.04		0.22	0.15			0.034	0.093							0.109			0.716	0.705	3.202	
DURC12976	0.069	0.16	0.046						0.095	0.064	0.09				0.22	0.15		0.007		0.016	0.05					0.105	0.221			0.566	0.824	1.880	
DURC10948	0.174	0.095	0.234			0.135			0.058	0.19			0.033		0.218	0.119	0.026	0.003		0.095										0.692	0.730	3.555	
DURC10950	0.174	0.104	0.024			0.215			0.191			0.081			0.119	0.026		0.009	0.003	0.047		0.055	0.183	0.123				0.027		0.714	0.721	2.620	
DURC12518	0.109	0.114				0.032			0.177	0.04	0.058	0.033			0.136			0.008		0.024	0.056		0.115		0.033		0.071			0.709	0.715	3.051	
DURC11585	0.131	0.081	0.171			0.008		0.107	0.02	0.207					0.212	0.169		0.012	0.049	0.01		0.129								0.617	0.789	2.038	
DURC10449	0.12	0.078				0.035			0.198	0.174					0.164	0.054		0.011		0.051		0.129				0.12				0.721	0.710	3.053	
DURC11536	0.183	0.188	0.251			0.034			0.156	0.148		0.034		0.234	0.153	0.211	0.022		0.069	0.15		0.195								0.700	0.723	3.508	
DURC11534	0.008	0.144	0.081						0.156	0.148		0.115			0.16	0.137	0.095		0.245		0.16	0.068								0.363	0.943	4.104	
DURC11459	0.149	0.149			0.014			0.052	0.159	0.072	0.236				0.116	0.123		0.027		0.029	0.13									0.7			

Input																												Absolute score		
Sample	cd8_eff	cd8_mem	th1_rest	th1_act	th2_rest	th2_act	cd4_mem_rest	cd4_mem_act	treg	nk_rest	nk_act	dc_rest	dc_act	pmn	baso	mast_pro	mast_naive	veeos	tfh	mac_1	mac_2	mac_3	mac_4	mac_5	mac_6	mac_7	P-value	Correlation	RMSE	(sig_score)
DLBCL10847	0	0.125	0	0.025	0.054	0	0.251	0	0.061	0.007	0	0.160	0.062	0	0	0.02	0	0.073	0	0	0	0.074	0.04	0	0.069	0	0.615	0.789	1.823	
DLBCL11202	0	0.125	0.034	0	0	0	0.091	0.036	0.104	0.132	0	0	0.160	0.006	0	0	0	0.134	0.176	0	0	0.074	0.04	0	0.083	0	0.684	0.753	4.231	
DLBCL10878	0.145	0.159	0.044	0.003	0.044	0	0.125	0.08	0.024	0.015	0	0.219	0.055	0	0	0.007	0	0.018	0.039	0	0	0.074	0.04	0	0.041	0	0.658	0.763	2.181	
DLBCL10505	0.122	0.172	0.034	0	0	0	0.125	0.106	0.057	0	0.038	0.16	0.2	0	0	0	0.017	0.007	0.007	0	0	0.107	0.064	0	0	0	0.651	0.759	4.213	
DLBCL10530	0.143	0.099	0.158	0	0	0.004	0.098	0.173	0	0	0.026	0.16	0.097	0	0	0.014	0	0.045	0	0.114	0	0	0	0.227	0	0	0.543	0.840	2.022	
DLBCL11681	0.051	0.136	0	0	0	0.004	0.013	0.028	0.144	0.014	0	0.182	0	0	0	0	0	0.22	0	0	0	0.081	0.102	0	0	0	0.737	0.709	3.306	
DLBCL11698	0	0.109	0.025	0	0	0	0.161	0.211	0.240	0	0.056	0	0.128	0	0.084	0	0.019	0	0.234	0	0	0.215	0.197	0.04	0	0	0.680	0.756	3.274	
DLBCL10463	0.083	0.058	0.042	0	0	0	0	0.26	0.048	0.013	0.002	0.128	0	0	0.006	0	0.049	0.049	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0.673	0.741	2.139	
DLBCL10531	0.17	0.142	0.226	0	0.079	0	0	0.15	0.014	0	0	0	0.124	0	0	0.001	0	0.007	0.072	0	0.14	0	0	0	0.067	0	0.694	0.722	3.064	
DLBCL10471	0.17	0.146	0.113	0	0.044	0.013	0.263	0.16	0	0.046	0.027	0.12	0.24	0	0.015	0.008	0	0.013	0.114	0	0	0	0.076	0	0.188	0	0.727	0.708	3.054	
DLBCL10408	0.123	0.075	0.172	0	0	0.005	0.154	0.124	0.136	0	0.05	0.253	0.179	0	0	0	0	0.062	0.104	0	0	0	0	0	0.033	0	0.749	0.684	3.090	
DLBCL10806	0	0.119	0.061	0	0	0	0.228	0.121	0	0	0	0.16	0	0	0	0.013	0	0.064	0.108	0.019	0.139	0	0	0.139	0.106	0	0.524	0.852	2.006	
DLBCL10475	0.035	0.116	0.053	0	0.068	0	0.014	0.125	0	0	0	0.179	0.194	0	0	0	0	0.063	0.243	0	0.007	0.108	0.061	0	0.337	0.008	0.491	0.871	1.511	
DLBCL10535	0	0.249	0.031	0	0	0	0.136	0.17	0	0.227	0	0.176	0.074	0.16	0	0	0	0	0.046	0	0	0	0	0.145	0	0	0.648	0.762	3.626	
DLBCL10487	0.054	0.138	0	0	0	0.002	0.019	0.186	0.026	0	0.059	0.257	0.170	0	0	0	0	0.056	0.161	0	0.093	0	0.096	0.166	0	0	0.670	0.743	3.631	
DLBCL11685	0.122	0.096	0.034	0	0	0	0.16	0.195	0.047	0	0.054	0.211	0.186	0.001	0.012	0	0	0	0.061	0	0.032	0.074	0	0.138	0	0	0.721	0.720	2.375	