## Laboratorium 2. Symulacje stochastyczne.

Celem laboratorium jest przećwiczenie implementacji algorytmu Gillespiego i jego pochodnych w wybranym języku oprogramowania.

W ramach laboratorium należy zaimplementować podstawowy algorytm Gillespiego i ewentualnie wskazane poniżej modyfikacje w wybranym przez studentów języku oprogramowania. Następnie należy dokonać symulacji dostarczonego przez prowadzącego modelu matematycznego w każdym z czterech opisanych poniżej scenariuszach i zilustrować wyniki symulacji. Ocena końcowa uzależniona będzie od poprawności wykonania ćwiczenia, jakości przygotowanego sprawozdania oraz wariantu implementacji algorytmu symulacji stochastycznych zgodnie z opisem poniżej.

## Wersje implementacji:

- 1. Podstawowa wersja algorytmu Gillespiego w którym model jest wprost wpisany w algorytm. Jest to najprostsza implementacja. Wykonanie tej wersji pozwala na uzyskanie maksymalnej oceny 3,5.
- 2. Podstawowy algorytm Gillespiego zaimplementowany jako funkcja przyjmująca na wejściu dowolny model zapisany za pomocą równań reakcji. Sam format zapisu modelu z parametrami który w tej implementacji stanowić będzie plik wejściowy algorytmu może być dowolny, musi być jednak wyjaśniony w sprawozdaniu.
- 3. Algorytm Next Reaction (modyfikacja Gibsona i Brucka). Dopuszczalna jest każda forma implementacji, zarówno posiadająca model wbudowany w algorytm jak i działająca jak funkcja (zgodnie z uwagami z pkt 2).
- 4. Algorytm tau-leap. Dopuszczalna jest forma z oceną długości skoku zarówno po jego wykonaniu (warunki post-leap) jak i przed (warunki pre-leap), nie jest dopuszczalna metoda która nie sprawdza warunków skoku! Można zaimplementować metodę zarówno z wbudowanym modelem jak i jako funkcję (zgodnie z uwagami z pkt 2).

Realizacja pkt 1 i dowolnego z pkt 2-4 pozwala osiągnąć maksymalną ocenę 5.

## Sprawozdanie powinno zawierać:

- 1. Stronę tytułową z podaniem nazwisk osób wykonujących ćwiczenie
- Wyjaśnienie zaimplementowanego rozwiązania z podaniem który wariant został zastosowany, jaki ew. ma być format pliku wejściowego, jak zrealizowano losowania liczb itd.
- 3. Wykresy generowane przez program pokazujące przebiegi czasowe każdej ze zmiennych na horyzoncie czasowym co najmniej 48h w 4 poniższych scenariuszach pokazując co najmniej 3 realizacje w każdym z nich:
  - A) Podstawowy brak uszkodzeń DNA, działająca pętla PTEN, brak siRNA
  - B) Uszkodzenie DNA (komórki zdrowe) jak pkt 1 ale z uszkodzeniem DNA (jak opisano w modelu)
  - C) Nowotwór wyłączony PTEN, załączone uszkodzenie DNA, brak siRNA
  - D) Terapia wyłączony PTEN, załączone uszkodzenia DNA i załączone siRNA.

Do sprawozdania należy dołączyć skomentowany kod programu oraz jego działającą skompilowaną wersję. Proszę pamiętać że skompilowany program powinien uruchamiać się na standardowym sprzęcie z systemem Windows 10 bez konieczności instalowania dodatkowego oprogramowania.