**Gliederung BA**

1) Allgemeiner, theoretischer Teil:   
- KI : Deep learning vorstellen  
 machine learning 🡺 etwas anreißen (kurz anhalten)

🡺 entweder in einleitung (abgegrenztes kapitel)

- Biomedizinisches textmining 🡺 basiert ja auf einer KI  
- auch etwas history (inlusive freiburg)  
- aufbau eines models / Kernel + so begriffe klären

🡺 Problem häufig der DS

2) Praktischer Teil   
 2.1 Cpi freiburg vs Bert vs (vlt ScIbert)   
 🡺Wichtig dass nur interaction 1/0

2.2 bestehende modelle für   
 mit biocreativ 🡺 2 stufen modell : 🡺 inhibitor erkennen mit trainiertem falsch positive durchgehen: Anwendungsbeispiel proof of conzept 🡺 verknüpfung gut möglioch oder nicht ?

🡺 Workflow mit hintereinander schalten gut möglich

Ablauf diagramme verwnden um den code zu erklären „grob“ 🡺 methoden / ergbenisse(erstellung des workflows (da methode (code) selbst entwickelt.

Gliederung:

Inhaltsverzeichnis

Zusammenfasung

Einleitrug

Prüfen ob sich das bertbmodell für feibirg geht

Und wie gut?

🡺 implemetierung ja nein?

🡺 wie gut ?

-aktuellen forschungstand 🡺 warum damit beschäftigen? motivation der arbeit?

Aktuellen forschungsatand

Lust auf weiterlesen entwirkeln

z.b viele beschäftigen mit bestimmten direkten interaktionen

anfang des jahres neuner benchmark (fr (machine learning)

🡺 deep

Methoden / Dastensaätze

🡺 ds

🡺 tensorflow

Python version

Sonst sonftware

🡺 mein setup soll reproduzierbar sein

**Statistische sachen erklären: statistische Parameter**

Ergebinsse + Auswetrung (statistisch) 🡺 vermischung mit disekusison

Diskussion 🡺 in wissenschaflitjchen kontext setzen und kritisch hinterfragen in aktuellen wiss kontext einordnen (mit gutem bild über aktuellen forschungstand + kritik )

Ausblick oder in diskussion schon

Immer wos passt kenntlich machen dass nur funktionale funlktionen anders festgelegt wurden: in fr nur funktionale beziehung ja nein 🡺 ersten die das problem angehen: problem der genaueren einordung nicht so relevent

Layout: dr arbeit: gucken

Oder philipp