Modeliranje bioloških procesov (delavnica) – Kratka navodila za namestitev delovnega okolja v okolju Windows

Delovno okolje si lahko namestite na različne načine, ki so opisani spodaj. Opisi si sledijo od najlažjega do najtežjega.

- **Opcija 1: uporaba virtualnega okolja** *VMware* ta je za namestitev najlažja opcija, a je prostorsko najbolj požrešna.
- **Opcija 2: namestitev v okolju** *Python* opcija, ki jo lahko izberete, če vas ne moti, da boste malo »popackali« svoje obstoječe Python okolje (če tega že imate).
- **Opcija 3: namestitev v virtualnem okolju Anaconda** malo zahtevnejša opcija, ki jo izberite, če nameravate podobne stvari (Python etc.) v prihodnosti še početi.

V primeru težav pri namestitvi me kontaktirajte na miha.moskon@fri.uni-lj.si.

Opcija 1: uporaba virtualnega okolja

1) Namestitev okolja VMware Workstation Player

S spletne strani https://www.vmware.com/products/workstation-player.html prenesite okolje VMware Workstation Player, ga namestite in poženite

2) Prenos »virtualke«

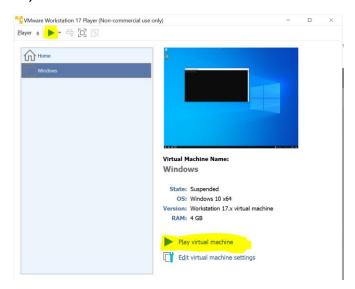
S spletne strani https://lrss.fri.uni-lj.si/bio/teaching/BioMedVM.zip prenesite virtualko in jo razpakirajte (unzip) v mapo po vaši želji.

3) Zagon virtualke

V okolju VMware Workstation Player odprite virtualko in jo poženite:

Open a Virtual Machine → pot do mape virtualke → *Windows.vmx*

 $Home \rightarrow Windows \rightarrow Play Virtual Machine$



Če je potreben login, vpišite:

Username: user
Password: user

4) Namestitev datotek za delavnico in zagon delovnega okolja

Odprite orodje Anaconda Prompt:



Zamenjajte delovni direktorij

Vpišite:

> cd c:\metabolic\

Prenesite datoteke za delavnico

Vpišite

- > git clone https://github.com/mmoskon/BioMed2223
- > cd BioMed2223

5) Zaženite okolje Juypter Lab / Notebook

Za Jupyter Lab v konzoli napišite

> jupyter lab

Podobno alternativa je Jupyter Notebook, ki ga zaženete z

> jupyter notebook

V vašem privzetem brskalniku se bo odprl vmesnik za delo z datotekami IPython Notebook (ipynb) – Jupyter Lab. / Notebook

Opcija 2: namestitev v okolju Python

1) Namestite Python

Okolje Python dobite na spletni strani https://www.python.org/. Prenesite namestitveno datoteko in jo poženite. Med namestitvijo nujno obkljukajte izbiro »Add python.exe to PATH«



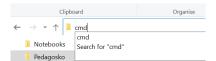
2) Namestite okolje git

Okolje git dobite na spletni strani https://git-scm.com/. Prenesite namestitveno datoteko in jo poženite.

Orodje za namestitev vam da obilico opcij – če ne veste kaj bi, klikajte Next.

3) Odprite konzolo in se premaknite v mapo, kjer boste delali

Opcija 1: V file explorerju sistema se pomaknite v mapo, v kateri boste delali. V naslovno okno file explorerja napišite *cmd* ter pritisnite enter.



Opcija 2: Klinite na start in vpišite *cmd*. Spremenite mapo v željeno z uporabo ukaza *cd*.

4) Namestite datoteke za delavnico

V konzoli napišite

> git clone https://github.com/mmoskon/BioMed2223/

Premaknite se v preneseno mapo:

> cd BioMed2223

5) Namestite potrebne pakete

V konzoli napišite

> pip install -r requirements.txt

6) Zaženite okolje Juypter Lab / Notebook

Za Jupyter Lab v konzoli napišite

> jupyter lab

Podobno alternativa je Jupyter Notebook, ki ga zaženete z

> jupyter notebook

V vašem privzetem brskalniku se bo odprl vmesnik za delo z datotekami IPython Notebook (ipynb) – Jupyter Lab. / Notebook

Opcija 3: namestitev v virtualnem okolju Anaconda

1) Namestite okolje Anaconda

Okolje Anaconda dobite na spletni strani https://www.anaconda.com/. Prenesite namestitveno datoteko in jo poženite.

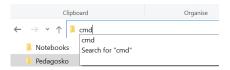
2) Namestite okolje git

Okolje git dobite na spletni strani https://git-scm.com/. Prenesite namestitveno datoteko in jo poženite.

Orodje za namestitev vam da obilico opcij – če ne veste kaj bi, klikajte Next.

3) Odprite konzolo in se premaknite v mapo, kjer boste delali

Opcija 1: V file explorerju sistema se pomaknite v mapo, v kateri boste delali. V naslovno okno file explorerja napišite *cmd* ter pritisnite enter.



Opcija 2: Klinite na start in vpišite *cmd*. Spremenite mapo v željeno z uporabo ukaza *cd*.

4) Namestite datoteke za delavnico

V konzoli napišite

> git clone https://github.com/mmoskon/BioMed2223/

Premaknite se v preneseno mapo:

> cd BioMed2223

5) Namestitev virtualnega okolja

V konzolo napišite

> conda env create -f environment.yml

6) Aktivirajte virtualno okolje

V konzolo napišite

> conda activate metabolic

7) V okolje *Jupyter* namestite virtualno okolje *metabolic*

V konzolo napišite

> python -m ipykernel install --user --name=metabolic

8) Zaženite okolje Juypter Lab / Notebook

Za Jupyter Lab v konzoli napišite

> jupyter lab

Podobno alternativa je Jupyter Notebook, ki ga zaženete z

> jupyter notebook

V vašem privzetem brskalniku se bo odprl vmesnik za delo z datotekami IPython Notebook (ipynb) – Jupyter Lab. / Notebook

Če po delavnici virtualnega okolja ne boste več potrebovali, ga lahko odstranite, tako da v konzolo napišete

> conda remove --name metabolic -all

Iz Jupytra virtualno okolje odstranite tako, da v konzolo napišete

> jupyter kernelspec uninstall metabolic