Delo v okolju Jupyter Lab / Jupyter Notebook

Odprite orodje Anaconda Prompt ali Command prompt:



Zamenjajte delovni direktorij

V okolju VMware vpišite:

> cd c:\metabolic\

Če delate izven okolja VMware, pojdite v mapo, kjer navadno delate.

Prenesite datoteke za delavnico

Vpišite

- > git clone https://github.com/mmoskon/BioMed2223
- > cd BioMed2223

Posodobite datoteke za delavnico

Če je od prenosa minilo že nekaj časa, lahko datoteke posodobite:

- > cd BioMed2223
- > git pull

Zaženite okolje Juypter Lab / Notebook

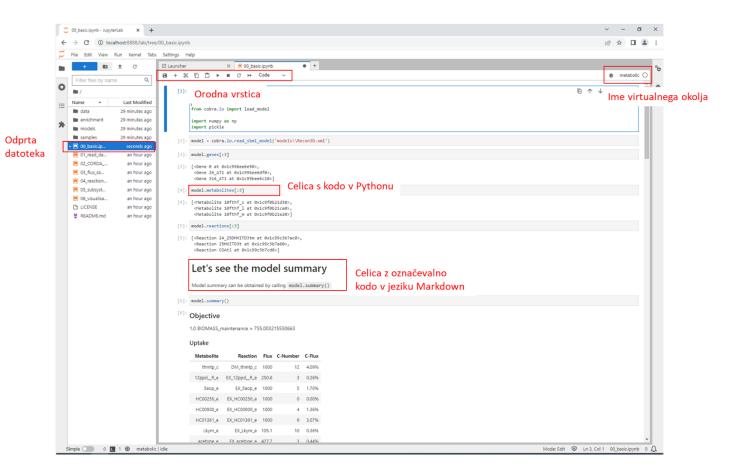
Za Jupyter Lab vpišite

> jupyter lab

Podobno alternativa je Jupyter Notebook, ki ga zaženete z

> jupyter notebook

V vašem privzetem brskalniku se bo odprl vmesnik za delo z datotekami IPython Notebook (ipynb) – Jupyter Lab. / Notebook



Če virtualno okolje ni nastavljeno na *metabolic*, pojdite na *Kernel* \rightarrow *Change Kernel* in si izberite *metabolic*.



Osnovne bližnjice

- Poženi trenutno celico: Ctrl+Enter ali klik na »play« v orodni vrstici
- Poženi trenutno celico in pojdi na naslednjo: Shift+Enter
- Uredi celico Markdown: dvojni klik na celico
- Ustvari novo celico, briši celico, kopiraj celico: + 🗶 📋 📋
- Nastavi tip celice:

