EST0133 - Introdução à Modelagem de Big Data

Marcus Nunes https://introbigdata.org/ https://marcusnunes.me/

Universidade Federal do Rio Grande do Norte



## Introdução

- · É um método popular de clusterização de dados
- Clusterização significa dividir um conjunto de dados em grupos menores nos quais os pontos dos mesmos grupos são mais similares entre si
- · O objetivo é separar *n* observações em *K* grupos
- · O problema é que não sabemos qual é o valor de K

## Introdução

- No k-means, cada observação é designada para o grupo com a média mais próxima
- O método é sensível a dados anômalos e outliers
- Os pontos podem se mover de um grupo para outro, mas a resposta final depende da inicialização dos centros
- Se uma observação estiver igualmente perto de dois ou mais centros, então o grupo deve ser decidido aleatoriamente

## Introdução

- · Pode ser muito efetivo como um método de previsão *black box*
- Não é útil para entender a natureza da relação entre as características e as classes



- Conjunto de treinamento  $\{(\mathbf{x}_1,g_1),(\mathbf{x}_2,g_2),\cdots,(\mathbf{x}_n,g_n)\}$ , onde os grupos  $g_i \in \{1,2,\cdots,K\}$  e  $\mathbf{x} \in \mathbb{R}^p$
- Represente o conjunto de treinamento por pontos no espaço das características, também chamados de centroides
- $\cdot$  Cada centroide é associado a uma classe e a clusterização de cada x é feito em relação ao centroide mais próximo
- Os métodos diferem de acordo com o número de centroides e suas posições

- Assuma que há M centroides denotados por  $\mathcal{Z} = \{z_1, z_2, \cdots, z_M\}$
- Cada amostra do conjunto de treinamento é designado para um dos centroides
- · Denote a função de designação por  $A(\cdot)$
- Assim  $A(\mathbf{x}_i) = j$  significa que o i—ésimo elemento é designado para a j—ésima classe

5

- O objetivo é minimizar o erro quadrático médio entre as amostras de treinamento e seus centroides de representação
- Isto é equivalente ao traço da matriz de covariância dentro de cada grupo

$$\arg\min_{\mathcal{Z},\mathcal{A}}\sum_{i=1}^{N}\|x_i-z_{A(x_i)}\|^2$$

Denote a função objetivo por

$$L(\mathcal{Z}, A) = \sum_{i=1}^{N} \|\mathbf{x}_i - \mathbf{x}_{A(\mathbf{x}_i)}\|^2$$

- Intuição: as amostras utilizadas para treinamento estão concentradas em volta dos centroides
- Assim, os centroides servem como uma representação compacta dos dados de treinamento

## Condições Necessárias

• Se  $\mathcal Z$  está fixo, a função de designação  $A(\cdot)$  ótima deve seguir a regra do vizinho mais próximo, isto é

$$A(\mathbf{x}_i) = \arg\min_{j \in \{1,2,\cdots,M\}} \|\mathbf{x}_i - \mathbf{z}_j\|$$

• Se  $A(\cdot)$  está fixa, o centroide  $\mathbf{z}_j$  deve ser a média de todas as amostras designadas para o j—ésimo centroide

$$\mathbf{z}_{j} = \frac{\sum_{i:A(\mathbf{x}_{i}=j)} \mathbf{x}_{i}}{N_{j}},$$

onde  $N_j$  é o número de amostras designadas ao centroide j

## Algoritmo

- Baseado nas condições necessárias, o algoritmo k-means alterna dois passos:
  - 1. Para um conjunto fixo de centroides, otimize  $A(\cdot)$  designando cada amostra ao centroide mais próximo utilizando a distância euclidiana
  - 2. Atualize os centroides calculando a média de todas as amostras associadas a eles
- O algoritmo converge porque após cada iteração, a função objetivo decresce
- · Usualmente, a convergência é rápida
- Se a razão entre o decréscimo e a função objetivo estiver abaixo de um limite, o algoritmo para

## Exemplo

- Conjunto de treinamento: {1,2; 5,6; 3,7; 0,6; 0,1; 2,6}
- Aplicando k-means com 2 centroides  $\{z_1, z_2\}$

## Exemplo

• Escolha aleatoriamente dois centroides  $z_1 = 2$ ,  $z_2 = 5$ 

Fixo	Atualização			
2	{1,2; 0,6; 0,1; 2,6}			
5	{5,6;3,7}			
{1,2; 0,6; 0,1; 2,6}	1,125			
{5,6;3,7}	4,650			
1,125	{1,2; 0,6; 0,1; 2,6}			
4,650	{5,6; 3,7}			

- Os dois centroides são  $\mathbf{z}_1 = 1{,}125$  e  $\mathbf{z}_2 = 4{,}650$
- A função objetivo é dada por  $L(\mathcal{Z},A)=5,3125$

## Algoritmo

• Escolha aleatoriamente dois centroides  $z_1 = 0.8$ ,  $z_2 = 3.8$ 

Fixo	Atualização			
0,8	{1,2; 0,6; 0,1}			
3,8	{5,6; 3,7; 2,6}			
{1,2; 0,6; 0,1}	0,633			
{5,6; 3,7; 2,6}	3,967			
0,633	{1,2; 0,6; 0,1}			
3,967	{5,6; 3,7; 2,6}			

- Os dois centroides são  $\mathbf{z}_1 = 0,633$  e  $\mathbf{z}_2 = 3,967$
- A função objetivo é dada por  $L(\mathcal{Z},A)=5,2133$

- Note que, iniciando em valores diferentes, o algoritmo k-means converge para mínimos locais diferentes
- Podemos mostrar que  $\{ {m z}_1 = 0{,}633, {m z}_2 = 3{,}967 \}$  é o solução ótima global

 Duas classes seguem a distribuição normal com matriz de covariância comum, dada por

$$\Sigma = \begin{pmatrix} 1 & 0 \\ 0 & 1 \end{pmatrix}$$

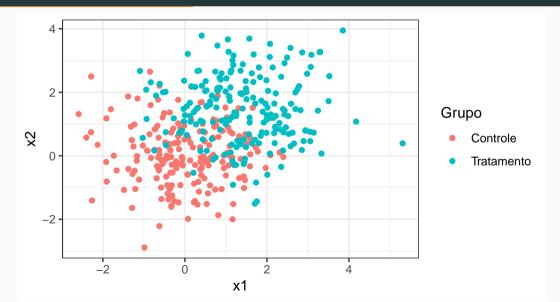
· A média das duas classes são

$$\mu_1 = \begin{pmatrix} 0,0\\0,0 \end{pmatrix} \text{ e } \mu_2 = \begin{pmatrix} 1,5\\1,5 \end{pmatrix}$$

• As prioridades a priori das duas classes são  $p_1 = 0.5$  e  $p_2 = 0.5$ 

```
> library(mvtnorm)
> library(ggplot2)
> set.seed(1)
>
> N <- 200
> mu1 < -c(0, 0)
> mu2 < -c(1.5. 1.5)
> Sigma <- matrix(c(1, 0, 0, 1), ncol = 2)
> ctrl <- rmvnorm(n = N, mean = mu1, sigma = Sigma)</pre>
> trt <- rmvnorm(n = N, mean = mu2, sigma = Sigma)</pre>
> dados <- data.frame(rbind(ctrl. trt).</pre>
      rep(c("Controle", "Tratamento"), each = N))
> names(dados) <- c("x1", "x2", "Grupo")</pre>
```

```
> ggplot(dados, aes(x = x1, y = x2)) +
+ geom_point(aes(colour = Grupo))
```



```
> class <- kmeans(dados[, 1:2], 2)
> names(class)

## [1] "cluster" "centers" "totss"
## [4] "withinss" "tot.withinss" "betweenss"
## [7] "size" "iter" "ifault"
```

```
> head(class$cluster)
## [1] 1 1 1 1 2
> sum(class$cluster[1:N] == 1)/N
## [1] 0.845
> sum(class$cluster[(N+1):(2*N)] == 2)/N
## [1] 0.765
```

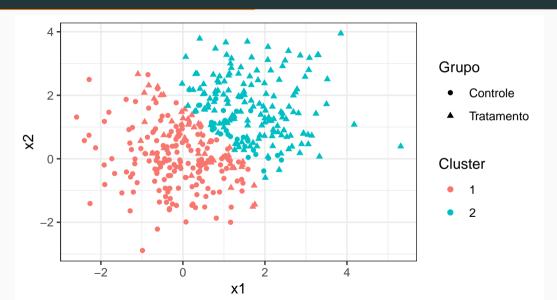
> class\$centers

## [1] 216 184

```
## x1 x2
## 1 -0.09553168 0.05964305
## 2 1.66385702 1.56815154
> class$size
```

20

```
> dados$Cluster <- as.factor(class$cluster)
> ggplot(dados, aes(x = x1, y = x2)) +
+    geom_point(aes(shape = Grupo,
+    colour = Cluster))
```



- · Vamos mudar os parâmetros da simulação
- · Teremos a seguinte matriz de covariâncias, dada por

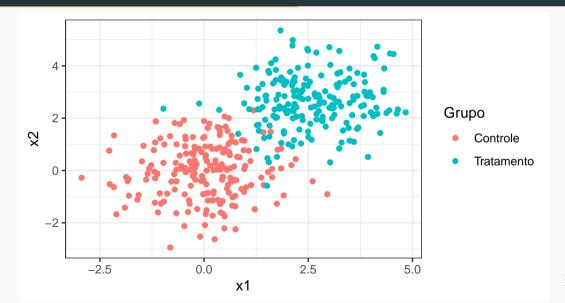
$$\Sigma = \begin{pmatrix} 1 & 0 \\ 0 & 1 \end{pmatrix}$$

· As médias das duas classes vão ser diferentes do caso anterior:

$$\mu_1 = \begin{pmatrix} 0,0 \\ 0,0 \end{pmatrix} \text{ e } \mu_2 = \begin{pmatrix} 2,5 \\ 2,5 \end{pmatrix}$$

• As prioridades *a priori* das duas classes são  $p_1 = 0.5$  e  $p_2 = 0.5$ 

```
> N <- 200
> mu1 < -c(0, 0)
> mu2 < -c(2.5, 2.5)
> Sigma <- matrix(c(1, 0, 0, 1), ncol = 2)
>
> ctrl <- rmvnorm(n = N, mean = mu1, sigma = Sigma)</pre>
> trt <- rmvnorm(n = N. mean = mu2. sigma = Sigma)
>
> dados <- data.frame(rbind(ctrl, trt),</pre>
      rep(c("Controle". "Tratamento"). each = N))
> names(dados) <- c("x1", "x2", "Grupo")</pre>
>
> ggplot(dados, aes(x = x1, y = x2)) +
+ geom point(aes(colour = Grupo))
```



```
> class <- kmeans(dados[, 1:2], 2)
> names(class)

## [1] "cluster" "centers" "totss"
## [4] "withinss" "tot.withinss" "betweenss"
## [7] "size" "iter" "ifault"
```

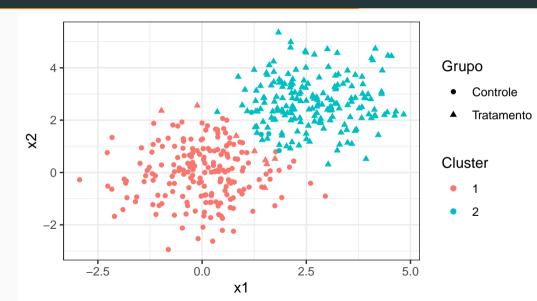
```
> head(class$cluster)
## [1] 1 1 1 1 1 1
> sum(class$cluster[1:N] == 1)/N
## [1] 0.98
> sum(class$cluster[(N+1):(2*N)] == 2)/N
## [1] 0.96
```

> class\$centers

```
## x1 x2
## 1 0.02883039 -0.01144434
## 2 2.63350228 2.66714325
> class$size
```

## [1] 204 196

```
> dados$Cluster <- as.factor(class$cluster)
> ggplot(dados, aes(x = x1, y = x2)) +
+    geom_point(aes(shape = Grupo,
+    colour = Cluster))
```



Escolha	do	Número	de	Cluste	ers	

## Escolha do Número de Clusters

- · Já vimos como clusterizar um conjunto de dados
- Mas lembre-se que esta é uma atividade de aprendizagem não-supervisionada: precisamos determinar o número correto de clusters
- · Essa é uma tarefa importante, porém muito difícil
- Existem alguns métodos bastante conhecidos para fazer isto e veremos dois deles

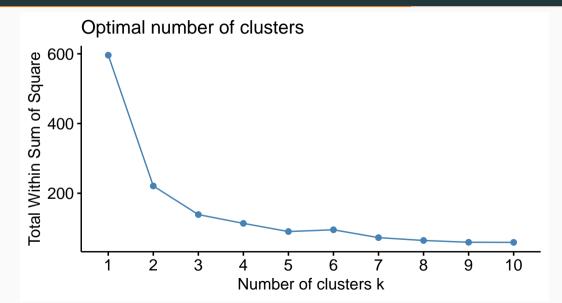
### Escolha do Número de Clusters - Cotovelo

- Faça a clusterização dos dados para vários valores de k (digamos de 1 a 10)
- · Para cada k, calcule a soma de quadrados dentro (wss)
- $\cdot$  Faça o gráfico de wss em função do número de clusters k
- $\cdot$  O valor ótimo de k é aquele em que a curva se estabiliza

# Escolha do Número de Clusters - Cotovelo

```
> library(factoextra)
> library(NbClust)
>
> x <- scale(iris[, 1:4])
>
> fviz_nbclust(x, kmeans, method = "wss")
```

# Escolha do Número de Clusters - Cotovelo



- · Assuma que os dados foram clusterizados em k clusters
- Para cada dado i, seja a(i) a distância média entre i e todos os outros dados no mesmo cluster
- Seja b(i) a menor distância média de i a todos os pontos em qualquer outro cluster que i não pertença
- · A silhueta s(i) do ponto i é definida como

$$s(i) = \frac{b(i) - a(i)}{\max\{a(i), b(i)\}}$$

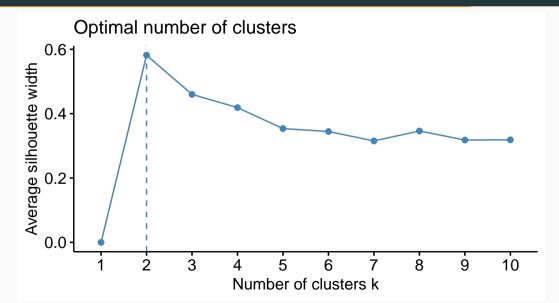
· Esta expressão pode ser escrita como

$$s(i) = \left\{ \begin{array}{ll} 1 - a(i)/b(i), & \text{se } a(i) < b(i) \\ 0, & \text{se } a(i) = b(i) \\ b(i)/a(i) - 1, & \text{se } a(i) > b(i) \end{array} \right\}$$

- Ou seja,  $-1 \le s(i) \le 1$
- · Se s(i) estiver próxima de 1, então i pertence ao cluster
- · Se s(i) estiver próxima de -1, então i não pertence ao cluster

- O valor médio de s(i) sobre todos os dados em um cluster é uma medida de quão próximos os dados deste cluster estão
- Desta forma, a média dos s(i) sobre todos os dados do conjunto de dados se torna uma medida de quão bem os dados foram clusterizados
- · Portanto, quanto maior o valor de s(i), melhor a clusterização

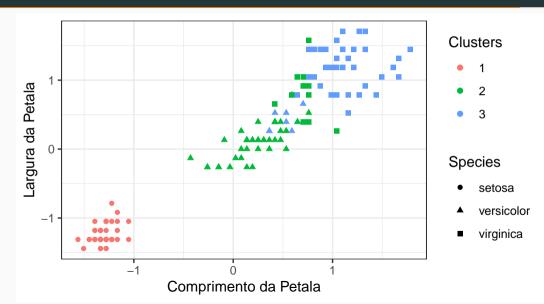
```
> fviz_nbclust(x, kmeans, method = "silhouette")
```



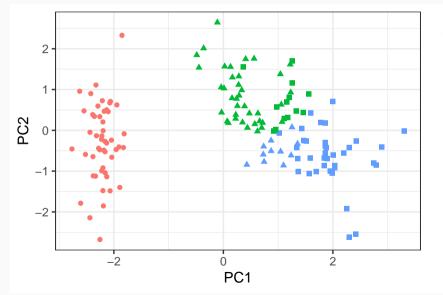
# Aplicação de la composição de la composi

- · Vamos aplicar o k-means no conjunto de dados iris
- Queremos ver como será o desempenho do algoritmo na identificação dos clusters
- Note que, normalmente, n\u00e3o utilizamos algoritmos de clusteriza\u00e7\u00e3o em conjuntos de dados para o qual conhecemos as classes
- Além disso, como a inicialização do algoritmo é aleatória, os seus resultados podem variar em relação aos apresentados aqui

```
> x <- scale(iris[. 1:4])</pre>
> iris.kmeans <- kmeans(x, centers = 3)</pre>
>
> iris.pca <- prcomp(x, center = TRUE, scale. = TRUE)</pre>
>
> iris.plot <- data.frame(x.</pre>
                             iris.pca$x,
+
                             Species = iris$Species,
                             Clusters = as.character(iris.kmeans$cluster))
```



```
> ggplot(iris.plot, aes(x = PC1, y = PC2)) +
+ geom_point(aes(shape = Species, colour = Clusters)) +
+ labs(x = "PC1", y = "PC2")
```



#### Clusters

- 1
- •
- 3

# Species

- setosa
- versicolor
- virginica

O conjunto de dados **vendas.csv** possui os dados de 30 clientes de uma loja especializada em móveis. Em particular, os dados fornecidos dizem respeito a vendas de mesas de jantar. As colunas disponíveis são:

- Idade: idade do cliente (em anos)
- · TamanhoMesa: área da mesa comprada (em polegadas quadradas)
- · ComprasPorAno: número de compras que o cliente faz na loja por ano
- DolaresPorCompra: quantidade de dólares que o cliente gasta em cada compra na loja

- 1. Faça a análise exploratória dos dados. É possível perceber algum padrão?
- 2. Determine o número ótimo de clusters utilizando o método do cotovelo
- 3. Determine o número ótimo de clusters utilizando o método da silhueta
- 4. Quantos perfis de clientes esta loja possui? Justifique.

- 5. Utilize o conjunto de dados **heptatlo.csv** para determinar se haviam grupos diferentes de atletas na disputa do heptatlo nas Olimpíadas de 1988 e quantos eram.
- 6. Como estes grupos poderiam ser classificados? Ou melhor, que nomes poderiam ser dados a estes grupos de modo que um leigo pudesse ser capaz de entender esta classificação?

# k-means

EST0133 - Introdução à Modelagem de Big Data

Marcus Nunes https://introbigdata.org/ https://marcusnunes.me/

Universidade Federal do Rio Grande do Norte