File: 21-MI-3_1912R_premixed.ab1 Sample: 21-MI-3_1912R_premixed

Run Ended: 2022/6/9 16:39:58

Lane: 44

Base spacing: 15.684321

Signal G:235 A:238 C:211 T:241

1294 bases in 15842 scans

Page 1 of 2



CT TGG $\frac{120}{\text{TG ACCCC GTCT GT CCCTCTTAAT CATTACT TTCGT TCTGAAAACCAACAAT A GAACGT AAGTCCTAT TCTATT ATT CCATGCA GAACTAT ACAAGCG CATGT ATT GAGCACTTTAAT CATTACT ATT GAGCACT ATT ACAAGCG CATGT ATT GAGCACT TT AATT CATTACT ATT CCATGCA GAACT ATT ACAAGCG CATGT ATT GAGCACT TT AATT CATTACT ATT CCATGCA GAACT ATT ACAAGCG CATGT ATT GAGCACT TT AATT CATTACT ATT CCATGCA GAACT ATT ACAAGCG CATGT ATT ATT CCATGCA GAACT ATT ACAAGCG CATGT ATT ACAAGCAT ATT ACAAGAT ATT$ 240 250 260 270 280 290 300 310 320 330 340 350 360 TT GT T CAAA GT AAACTT G ACAGC CGC CGC T G ACACC CAAT GA AGAGCAT CAACGACAA ACT GAC GATAAT GT ACC G CAT CACGT AGT AGC CG AAA GGC CACA CT G CGT G CT AAGT AC G C G AAT CA

Run Ended: 2022/6/9 16:39:58 Signal G:235 A:238 C:211 T:241 File: 21-MI-3_1912R_premixed.ab1 Sample: 21-MI-3_1912R_premixed Base spacing: 15.684321 Page 2 of 2 *Lane: 44* 1294 bases in 15842 scans 620 630 640 650 660 670 680 690 700 710 720 730 740 GGAGT CAAACCCT GATT CTC CGTT ACAA CCATGGT AGT CACATA AACTACCAT C GACAGTT GATA GGT A GACACTT G AAA GAT AT GT C GC C GGCAC CAGAC C GT GCGAT C AGCT G AGT 740 750 760 770 780 790 800 810 820 830 840 850 860
TATTCA GAGTCAC CAAG TTA AC G GT CGAA GCCT GTTAATTTT GCTCT C GTA AT T GCA ACCGT T C C TGA GT C G GC CCGGAGTC GCCT G A T T AT C T AG AA T T AG C GA AGGTAG C G GT GT AA T GC G G A 1000 1010 1020 1030 1040 1050 1060 1070 1080 1100 1110 TATGTGGAT C ATTGT GTC GATT ACT AT CT C ATC TGGTC TTTG G CGT G GGGA AT ATGT AT AT GTT AGGAC GA GGATT G TA AAT AAGTAC A AGG GAT GTG CAG C C ACTAGGT GCAG AGGA