محمد ملائی، محسن محمودآبادی، داوود نصرتی امیرآبادی

### تمرين

### ۱.۱ الف

الگوریتمی که در صورت سوال به عنوان نمونه و ورودی داده شده است تنها به یک تغییر جزئی در مقدار خروجی خود دارد تا به جواب بخش الف تمرین دست پیدا کند. در واقع چون الگوریتم اندیس نویسه ی اول رشته را برمی گرداند، با داشتن طول نویسه می توان به آخرین نویسه ی رشته دست پیدا کرد و اندیس آن را به عنوان خروجی بازگرداند.

#### Algorithm 1 Last-Index

**Input:** An array T[0...n-1] of n characters representing a text and an array P[0...m-1] representing a pattern

Output: The index of last character in text that ends a matching substring or -1 if the search is unsuccessful

```
\begin{array}{l} \mathbf{for} \ i = 0 \ to \ n-m \ \mathbf{do} \\ \mathbf{j} = 0 \\ \mathbf{while} \ j < m \ and \ P[j] = T[i+j] \ \mathbf{do} \\ \  \  \, \bigsqcup_{\mathbf{j} = \mathbf{j} + 1} \mathbf{if} \ j = m \ \mathbf{then} \\ \  \  \, \bigsqcup_{\mathbf{return}} \mathbf{i} + m - 1 \\ \mathbf{return} \ -1 \end{array}
```

#### ۲.۱ ب

با توجه به خواسته ی مسئله، ابتدا به اندازه ی طول الگو به سمت راست حرکت کرده و سپس یکی یکی به سمت چپ حرکت می کنیم. در پایان در صورت عدم موفقیت آمیز بودن جستجو، از نویسه ی بعدی پیمایش را آغاز می کنیم.

### Algorithm 2 RTL-Check

**Input:** An array T[0...n-1] of n characters representing a text and an array P[0...m-1] representing a pattern

**Output:** The index of last character in text that ends a matching substring or -1 if the search is unsuccessful

۳.۱ پ

در اینجا متغیری به نام count تعریف می کنیم و بار هر بار شناسایی کامل الگو، یک واحد آن را افزایش می دهیم. در ضمن، پس از یافتن الگو به طور کامل، به اندازه ی طول الگو به سمت جلو حرکت می کنیم و پیمایش را از آنجا آغاز می نماییم تا از یافتن الگوهای دارای اشتراک جلوگیری کرد.

#### Algorithm 3 Count

return count

Input: An array T[0...n-1] of n characters representing a text and an array P[0...m-1] representing a pattern

Output: Number of pattern occurrences in text i = 0 count = 0 while i < n - m do j = m - 1 while j > 0 and P[j] = T[i + j] do j = j - 1 if j = 0 then j = i + m

۴.۱ ت

با توجه به اینکه کارایی زمانی الگوریتم باید (O(n) باشد ، باید نهایتا از یک حلقه استفاده کنیم که تمام کاراکتر های متن را فقط یک بار بررسی می کند. در این الگوریتم، متن و الگو همزمان و با یک متغیر ( i ) بررسی می شوند و با هر بار مقایسه j افزایش می یابد که نشانگر تطابق آن بخش از رشته و الگوست که رسیدن آن به اندازه الگو به معنی یافتن زیر رشت های یکسان با الگو است. پس از یافتن تطابق مکان آخرین کاراکتر این زیر رشته به عنوان خروجی الگوریتم برگردانده می شود.

### Algorithm 4 Linear-Index

count = count + 1

**Input:** An array T[0...n-1] of n characters representing a text and an array P[0...m-1] representing a pattern

Output: The index of last character in text that ends a matching substring or -1 if the search is unsuccessful

```
egin{aligned} \mathbf{j} &= 0 \ \mathbf{for} \ i &= 0 \ to \ n \ \mathbf{do} \ \\ & \mathbf{if} \ \mathrm{T[i]} &= \mathrm{P[j]} \ \mathbf{then} \ \\ & | \ \ \mathbf{j} &= \mathbf{j} + 1 \ \\ & \mathbf{else} \ \\ & | \ \ \ \mathbf{j} &= 0 \ \\ & \mathbf{if} \ \mathbf{j} &= \mathbf{m} \ \mathbf{then} \ \\ & | \ \ \ \mathbf{return} \ \mathbf{i} \ \\ & \mathbf{return} \ \mathbf{i} \ \end{aligned}
```

# ۱ تمرین

#### ۱.۲ الف

از آنجایی که تعداد اعمال انتساب و تقسیم با هم برابر است تعداد تکرار عمل انتساب را در نظر می گیریم برای محاسبات تعداد مراحل انجام شده و از آنجا که  $m \mod n$  می تواند حداکثر نصف n باشد و در بدترین حالت کارایی زمانی برابر است با :

$$\gcd(m,n)=\gcd(n,\frac{n}{2})=\gcd(\frac{n}{2},\frac{n}{4})=\ldots=\gcd(\frac{n}{n^{n-2}},\frac{n}{n^{n-1}})$$

که  $rac{n}{n^{n-1}}=1$  و حلقه ی while به پایان می رسد. پس داریم:

$$n-1 = \log_2^n \Rightarrow n = \log_2^n + 1 \Rightarrow \lim_{n \to \infty} \frac{\log_2^n + 1}{\log_2^n} = 1 \Rightarrow \log_2^n + 1 \in O(\log_2^n)$$

#### ۲.۲ پ

برای ثابت کردن این رابطه بازگشتی، ما میتوانیم از اصل استقرا استفاده کنیم. برای این کار، ابتدا باید ثابت کنیم که این رابطه بازگشتی برای دو عدد صحیح مثبت درست است. سپس، فرض کنید که این رابطه بازگشتی برای n-1 عدد صحیح مثبت درست است. بنابراین،

$$\gcd(a_1, a_2, \dots, a_n) = \gcd(\gcd(a_1, \dots, a_{n-1}), \gcd(a_n)) \tag{1}$$

$$= \gcd(\gcd(\gcd(a_1, \dots, a_{n-2}), a_{n-1}), a_n)$$
 (Y)

$$=\dots$$
 (m)

$$= \gcd(\gcd(...(\gcd(a_1, a_2), a_3), a_3), \dots, a_n)$$
 (\*)

که این رابطه بازگشتی بدون توجه به ترتیب اعداد ورودی، همیشه درست است. الگوریتم پایین به محاسبه gcd دو عدد می پردازد.

### ۳.۲ پ

**Algorithm 5** gcd(a, b)

Input: a, b are two integers to find gcd

Output: Greatest Common Devisor of a and b

while 
$$y != 0$$
 do  
 $\[ x, y = y, (x \bmod y) \]$   
return  $x$ 

الگوریتم پایین با کمک الگوریتمی که در بالا معرفی شد، در هر مرحله در صورت وجود لیستی با طول بیش از ۲، به محاسبه ی gcd عضو اول لیست و باقی اعضای لیست می پردازد و مقدار حاصل را بر می گرداند.

### **Algorithm 6** super\_gcd( $A[a_0, a_1, \dots, a_{n-1}]$ )

```
Input: A: A list of n integers

Output: gcd of all the elements of A

if len(a) == 2 then

return gcd(a[0], a[1])

else

return gcd(a[0], super\_gcd(A[a_1, a_2, ..., a_{n-1}]))
```

با توجه به اینکه کارایی الگوریتم  $\gcd$  برابر با  $\log_2(n)$  است و هربار یک عدد از لیست ما کاسته می شود، و این کار n بار انجام می شود، پس کارایی زمانی الگوریتم ما از مرتبه ی  $n \log_2(n)$  می باشد. یا به عبارتی:

$$M(2) = \log_2(n) \tag{(a)}$$

$$M(n) = \tag{5}$$

$$= \log_2(n) + M(n-1) \tag{Y}$$

$$=2\log_2(n) + M(n-2) \tag{A}$$

$$= i\log_2(n) + M(n-i) \tag{9}$$

$$= (n-1)log_2(n) \tag{10}$$

$$\rightarrow M(n) \in \Theta(n.log_2(n))$$
 (11)

# ۳ تمرین

### ۱.۳ الف

برای محاسبه جواب این مسئله به روش ساده اندیشانه، ابتدا تمام زیر مجموعه های مجموعه S را ساخته و سپس بزرگترین زیرمجموعه ای که در شرط مسئله صدق کند را به عنوان جواب مسئله انتخاب می کنیم یعنی :

$$Space = \{ A \in S | \not\exists 1 \le j \le n : A_j \le A_i \le F_j \}$$

بزرگترین عضو مجموعه Space از نظر تعداد عضو، جواب مسئله خواهد بود.

### Algorithm 7 GreatestSubset

```
Input: Sets S = \{s_1, s_2, ..., s_n\} and F = \{f_1, f_2, ..., f_n\}
Output: Set A = \{a_1, a_2, ..., a_m\} which is a subset of S
  for X = \{x_1, x_2, ..., x_q\} in Subsets of \{1, 2, ..., n\} do
      if q > m then
           iEqual = True
           for i = 1 to q do
               jEqual = True
               for j = 1 to q do
                   if x_j \neq x_i And s_{x_j} \leq s_{x_i} \leq f_{x_j} then
                       jEqual = False
               if jEqual = False then
                   iEqual = False
                  break
           \mathbf{if} \ \mathrm{iEqual} = \mathrm{True} \ \mathbf{then}
               A = X
  return A
```

### ۲.۳ ب

برای پیدا کردن جواب این مسئله به  $2^n$  زیر مجموعه از S نیازمندیم که برای بررسی شرط مسئله برای هرکدام از S نیازمندیم که جواب این مسئله برای ساخت از آنها، دو حلقه S هر یک سه مقایسه انجام می دهند. بنابراین با فرض اینکه هر کارایی زمانی ساخت هر زیرمجموعه  $\Theta(1)$  باشد داریم :

$$M(n) = \sum_{i=1}^{n} \binom{n}{i} \sum_{j=1}^{i} \sum_{k=1}^{n} 3$$
 (14)

$$=\sum_{i=1}^{n} \binom{n}{i} \sum_{j=1}^{i} 3n \tag{1P}$$

$$=\sum_{i=1}^{n} \binom{n}{i} 3(i)(n) \tag{1F}$$

$$=3n\sum_{i=1}^{n}\left( i\right) \binom{n}{i}\tag{10}$$

$$=3n^2*2^{n-1} (19)$$

$$\Rightarrow M(n) \in O(n^2 * 2^n) \tag{1V}$$

# ۴ تمرین

# ۱.۴ الف - ساختار داده

n imes n با اجرای الگوریتم و دادن دنباله به عنوان ورودی تابع get\_data\_structe با اجرای الگوریتم و دادن دنباله به عنوان ورودی تابع i آن کوچکترین مقدار محدوده بین i و i خواهد بود که درایه i آن کوچکترین مقدار محدوده بین i

```
def get_min_of_slice(list, start, end):
      minimum = list[start]
      for k in range(start, end + 1):
          minimum = list[k] if list[k] < minimum else minimum
      return minimum
7 def get_data_structure(list):
      list_size = len(list)
      Matrix = [[0] * list_size for _ in range(list_size)]
      for i in range(0, len(list)):
10
          for j in range(i + 1):
               min_ij = get_min(list, j, i)
Matrix[j][i] = min_ij
12
13
               Matrix[i][j] = min_ij
14
15 return Matrix
```

Listing 1: Python Implementation

# ۲.۴ ب - تحلیل کارایی

(n) را تعداد مقايسه هاى الگوريتم در نظر مى گيريم و داريم :

$$M(n) = \sum_{i=0}^{n} \sum_{j=0}^{i} \sum_{k=j}^{i} 1$$
 (IA)

$$=\sum_{i=0}^{n}\sum_{j=0}^{i}i-j+1$$
(19)

$$=\sum_{i=0}^{n} \left( \sum_{j=0}^{i} i - \sum_{j=0}^{i} j + \sum_{j=0}^{i} 1 \right) \tag{$\Upsilon$.}$$

$$=\sum_{i=0}^{n} \left(i^2 - \frac{i(i+1)}{2} + (i+1)\right) \tag{Y1}$$

$$=\sum_{i=0}^{n}\frac{1}{2}i^{2}+\frac{1}{2}i+1\tag{YY}$$

$$=\frac{1}{2}\sum_{i=0}^{n}i^{2}+\frac{1}{2}\sum_{i=0}^{n}i+\sum_{i=0}^{n}1\tag{YM}$$

$$=\frac{1}{12}n(n+1)(2n+1)+\frac{1}{2}n(n+1)+n+1 \tag{YF}$$

$$=\frac{1}{6}n^3 + \frac{3}{4}n^2 + \frac{19}{12}n + 1\tag{YD}$$

$$\Rightarrow M(n) \in \Theta(n^3) \tag{Y9}$$

### ۵ تمرین

الگوریتم را به سه بخش تقسیم میکنیم. ابتدا لیست m تایی ورودی را به لیست مجاورت تبدیل کرده و سپس به جستجوی عمیق در گراف پرداخته، در نهایت با اجرای پیمایش عمیق به یافتن جواب میپردازیم. برای ساخت لیست مجاورت، یک آرایهی n عضوی میسازیم. در اندیس 0 ام آرایه، آرایه هایی به شکل برای قرار میدهیم که در آن v نشان دهنده کامپیوتری است که کامپیوتر صفرم به آن متصل است و زمانی است که در آن، کامپیوتر صفرم به کامپیوتر v ام متصل میشود. برای انجام این کار، در لیست و رودی پیمایش میکنیم.

```
Algorithm 8 graph_adjacency(connections)

Input: a connection list, containing m lists of [C_i, C_j, t_k]

Output: An Adjacency list of the graph

m = len(connections)

adjacency = [[ ] for _ in range(m)]

for C_i, C_j, t_k in graph do

adjacency[C_i - 1].append([C_j - 1, t_k])

adjacency[C_j - 1].append([C_i - 1, t_k])

return adjacency
```

الگوریتم زیر، نحوهی انجام پیمایش عمیق در لیست مجاورت را نشان میدهد. لازم به ذکر است که در هر مرحله از انجام پیمایش، لازم است تا سه شرط مورد بررسی قرار گیرند.

- ۱. راسی که قصد مشاهده آن را داریم در لیست راس های آلوده نباشد.
- ۲. زمان ارتباط با راس بعدی، بیشترمساوی زمان شیوع ویروس و کمترمساوی زمان پایان بررسی باشد.
  - ۳. زمان ارتباط با راس بعدی، حتما بیشترمساوی زمان ارتباط راس قبلی با راس فعلی باشد.

```
Algorithm 9 dfs(graph, start_node, last_traveled_time, infected_devices)
```

در نهایت با ایجاد یک لیست از کامپیوتر های آلوده، بررسی میکنیم که آیا کامپیوتر j ام در لیست وجود دارد یا خیر.

# Algorithm 10 is\_virus\_there $graph, C_i, C_j, x, y$

**Input:** graph: The adjacency list of the graph,  $C_i$ : The first computer infected,  $C_j$ : The target computer, x: The time of first infection, y: The end of check time

Output: True if  $C_j$  is infected, False otherwise infected\_computers = [ ]

dfs(graph,  $C_i$ , 0, infected\_computers)

 $C_j$  in infected\_computers