

Self-organizing map

Monika Osiak, Anna Pręgowska, Patrycja Szczepaniak, Rafał Szulejko

08 05 2020

Wstęp

Zadaniem było wykonanie analizy wybranego zbioru danych z wykorzystaniem samoorganizującej się mapy (SOM). https://clarkdatalabs.github.io/soms/SOM_NBA

```
head(NBA)
```

##		Player	Pos	Age	Tm	G	GS	MP	FG	FGA	FG%	3P	3PA				
## 1	1	Quincy Acy	Power Forward	25	SAC	59	29	876	4.9	8.8	0.556	0.8	2.0				
## 2	2	Jordan Adams	Shooting Guard	21	MEM	2	0	15	4.8	14.4	0.333	0.0	2.4				
## 3	4	Arron Afflalo	Shooting Guard	30	NYK	71	57	2371	5.4	12.1	0.443	1.4	3.6				
## 4	5	Alexis Ajinca	Center	27	NOP	59	17	861	6.3	13.2	0.476	0.0	0.0				
## 5	7	LaMarcus Aldridge	Power Forward	30	SAS	74	74	2261	8.5	16.6	0.513	0.0	0.3				
## 6	10	Tony Allen	Shooting Guard	34	MEM	64	57	1620	4.8	10.4	0.458	0.3	0.9				
##		3P%	2P	2PA	2P%	FT	FTA	FT%	ORB	DRB	TRB	AST	STL	BLK	TOV	PF	PTS
## 1	0.388	4.1	6.8	0.606	2.1	2.8	0.735	2.7	5.1	7.7	1.1	1.2	1.0	1.1	4.2	12.6	
## 2	0.000	4.8	12.0	0.400	7.2	12.0	0.600	0.0	4.8	4.8	7.2	7.2	0.0	4.8	4.8	16.8	
## 3	0.382	4.0	8.5	0.469	1.7	2.0	0.840	0.3	3.7	4.0	2.2	0.4	0.2	1.2	2.2	13.8	
## 4	0.000	6.3	13.1	0.478	2.2	2.6	0.839	3.1	8.1	11.2	1.3	0.8	1.5	2.3	5.6	14.7	
## 5	0.000	8.5	16.4	0.521	4.1	4.8	0.858	2.8	7.3	10.1	1.8	0.6	1.3	1.6	2.4	21.2	
## 6	0.357	4.4	9.5	0.468	2.0	3.1	0.652	2.3	4.3	6.6	1.6	2.4	0.4	1.7	3.9	11.9	

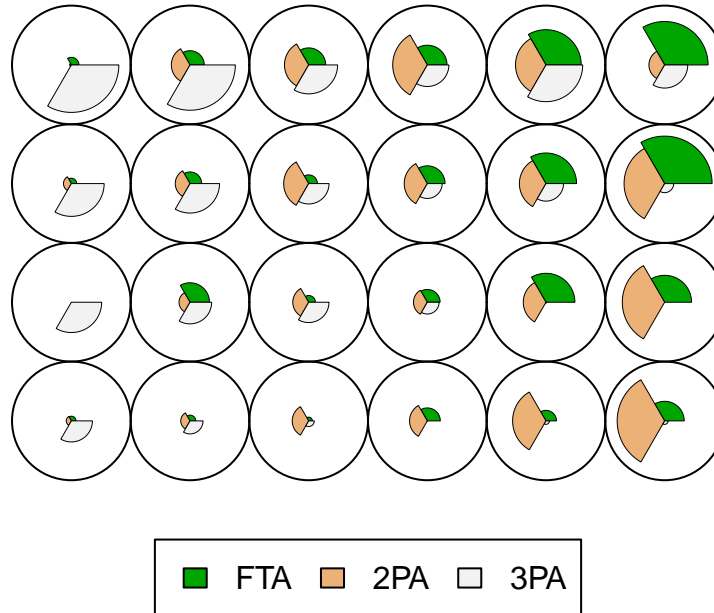
```
colnames(NBA)
```

##	[1]	"	"Player"	"Pos"	"Age"	"Tm"	"G"	"GS"	"MP"
##	[9]	"FG"	"FGA"	"FG%"	"3P"	"3PA"	"3P%"	"2P"	"2PA"
##	[17]	"2P%"	"FT"	"FTA"	"FT%"	"ORB"	"DRB"	"TRB"	"AST"
##	[25]	"STL"	"BLK"	"TOV"	"PF"	"PTS"			

Basic SOM

```
NBA.measures1 <- c("FTA", "2PA", "3PA")
NBA.SOM1 <- som(scale(NBA[NBA.measures1]), grid = somgrid(6, 4, "rectangular"))
plot(NBA.SOM1)
```

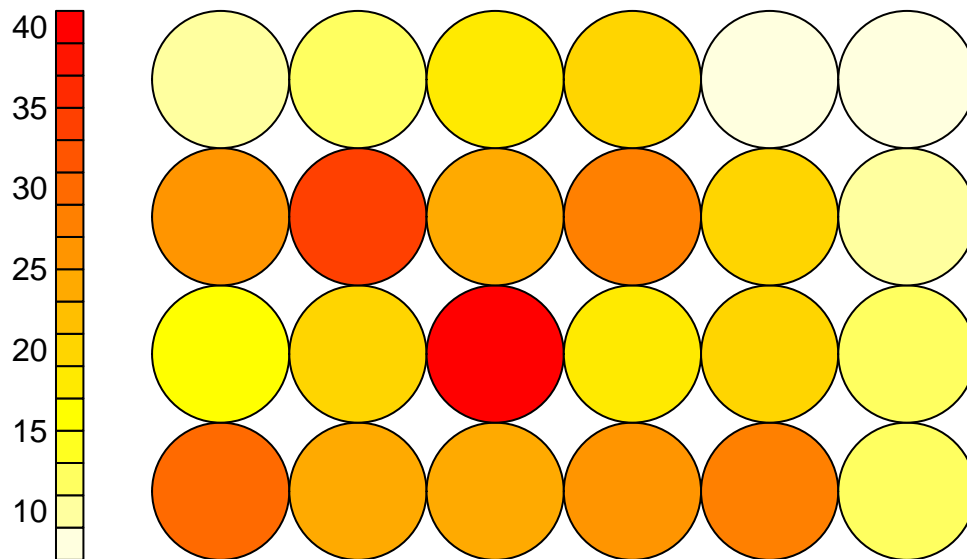
Codes plot



Heatmap SOM

```
# reverse color ramp
colors <- function(n, alpha = 1) {
  rev(heat.colors(n, alpha))
}
plot(NBA.SOM1, type = "counts", palette.name = colors, heatkey = TRUE)
```

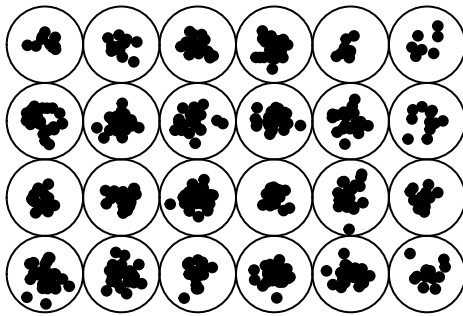
Counts plot



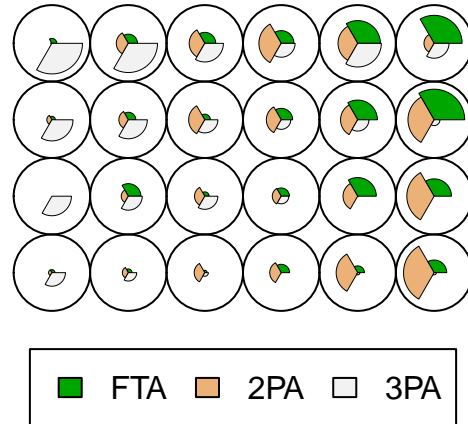
Plotting points

```
par(mfrow = c(1, 2))
plot(NBA.SOM1, type = "mapping", pchs = 20, main = "Mapping Type SOM")
plot(NBA.SOM1, main = "Default SOM Plot")
```

Mapping Type SOM



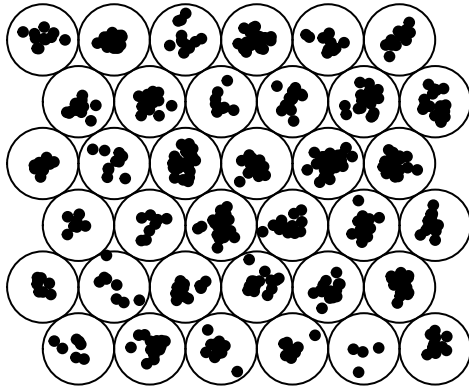
Default SOM Plot



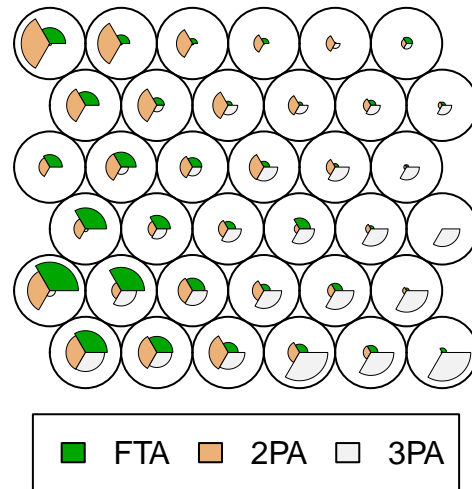
Toroidal SOMs

```
#NBA.SOM2 <- som(scale(NBA[NBA.measures1]), grid = somgrid(6, 6, "hexagonal"), toroidal = TRUE)
NBA.SOM2 <- som(scale(NBA[NBA.measures1]), grid = somgrid(6, 6, "hexagonal"))
par(mfrow = c(1, 2))
plot(NBA.SOM2, type = "mapping", pchs = 20, main = "Mapping Type SOM")
plot(NBA.SOM2, main = "Default SOM Plot")
```

Mapping Type SOM



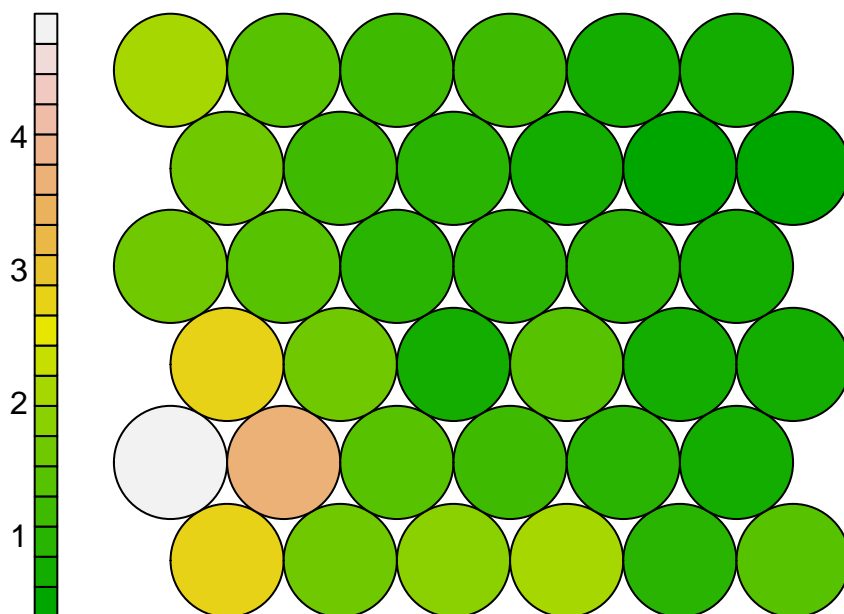
Default SOM Plot



Mapping Distance

```
plot(NBA.SOM2, type = "dist.neighbours", palette.name = terrain.colors)
```

Neighbour distance plot



Supervised SOMs

```
NBA.measures2 <- c("FTA", "FT", "2PA", "2P", "3PA", "3P", "AST", "ORB", "DRB",
  "TRB", "STL", "BLK", "TOV")
```

The xyf() Function

```
training_indices <- sample(nrow(NBA), 200)
NBA.training <- scale(NBA[training_indices, NBA.measures2])
NBA.testing <- scale(NBA[-training_indices, NBA.measures2], center = attr(NBA.training,
  "scaled:center"), scale = attr(NBA.training, "scaled:scale"))
```

```
#NBA.SOM3 <- xyf(NBA.training, classvec2classmat(NBA$Pos[training_indices]), grid = somgrid(13, 13, "hex"))
NBA.SOM3 <- xyf(NBA.training, classvec2classmat(NBA$Pos[training_indices]), grid = somgrid(13, 13, "hex"))
```

```
# !!! w poniższej linii wywala błąd "data type not allowed"!!!
# po znalezieniu błędu odkomentować obie linijki
#pos.prediction <- predict(NBA.SOM3, newdata = NBA.testing)

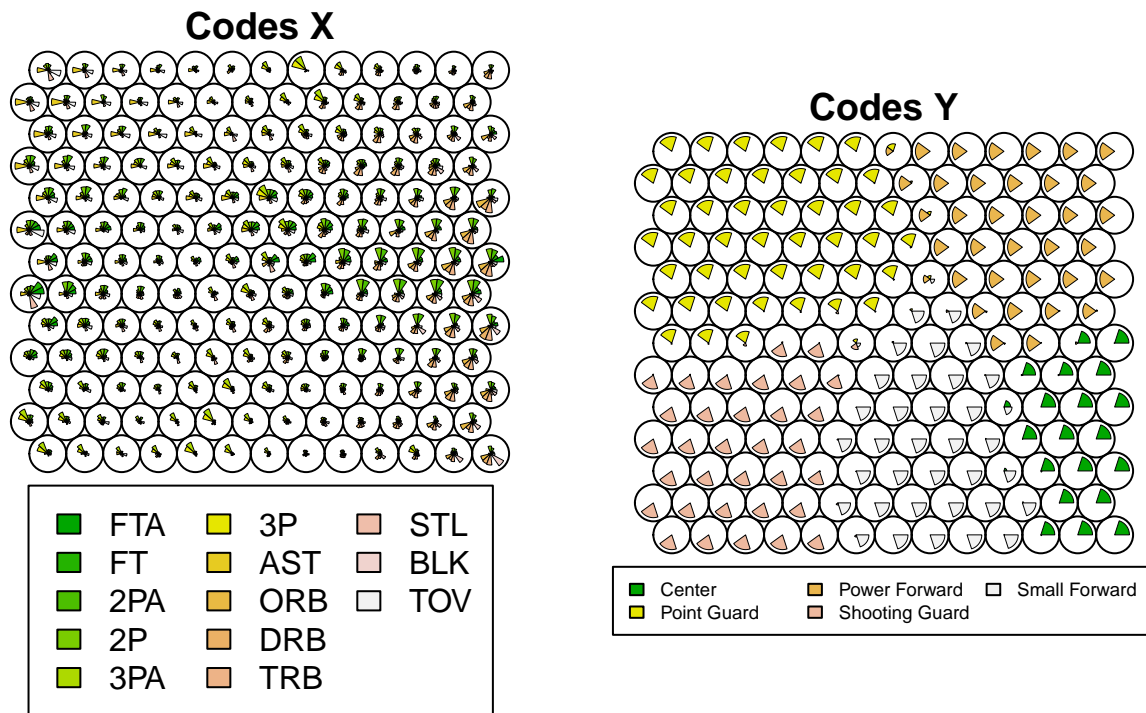
#table(NBA[-training_indices, "Pos"], pos.prediction$prediction)
```

Visualizing predictions: “Codes” SOMs

```
#NBA.SOM4 <- xyf(scale(NBA[, NBA.measures2]), classvec2classmat(NBA[, "Pos"]), grid = somgrid(13, 13, "hex"))
NBA.SOM4 <- xyf(scale(NBA[, NBA.measures2]), classvec2classmat(NBA[, "Pos"]), grid = somgrid(13, 13, "hex"))
```

```
par(mfrow = c(1, 2))

plot(NBA.SOM4, type = "codes", main = c("Codes X", "Codes Y"))
```



```
# !!! błąd w poniższej linijce !!!
# odkomentować obie po rozwiązaniu
#NBA.SOM4.hc <- cutree(hclust(dist(NBA.SOM4$codes$Y)), 5)
#add.cluster.boundaries(NBA.SOM4, NBA.SOM4.hc)
```

Podsumowanie i wnioski

NA RAZIE PISZĘ TU TO CO TRZEBABY BYŁO ZROBIĆ:

1. sprawdzenie o co chodzi z błędem “unused arguments”. Przez niego zakomentowałam niektóre linijki i pod spodem wrzuciłam ich wersje z usuniętymi problematycznymi argumentami (pytanie czy to czegoś nie zmienia?) - linia 65, 91, 104
2. sprawdzenie o co chodzi z błędami w liniach 95, 112
3. ostatnia sekcja cała zakomentowana, bo cała sypała błędami
4. zastanowić się, czy to wszystko nam potrzebne i czy czegoś nie usunąć/dodać z innego źródła
5. sensownie podzielić na bloki
6. ustawić flagę include=FALSE przy blokach, z których kodu nie chcemy pokazywać
7. opisać kolejne kroki, co tam właściwie się dzieje
8. dodać wstęp (opis co my właściwie badamy, co to za zbiór, źródło do tutoriala) i wnioski

jeszcze może tu coś fajnego będzie: <https://www.shanelynn.ie/self-organising-maps-for-customer-segmentation-using-r/>