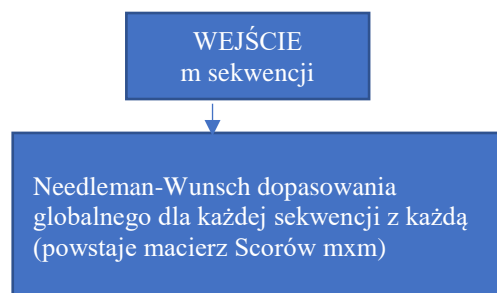


Lista 4 Progresywne dopasowanie wielosekwencyjne

Bioinformatyka
Monika Reguła 236689

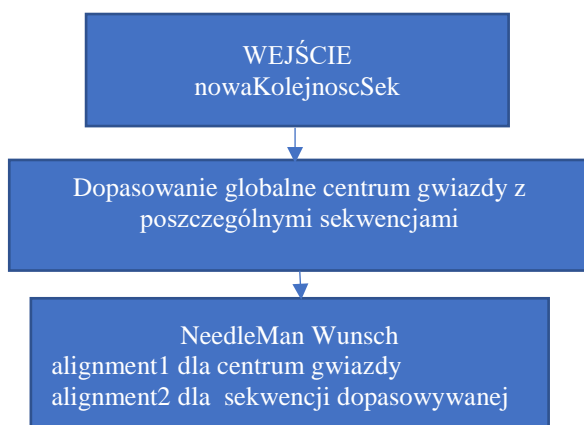
1. Schemat blokowy



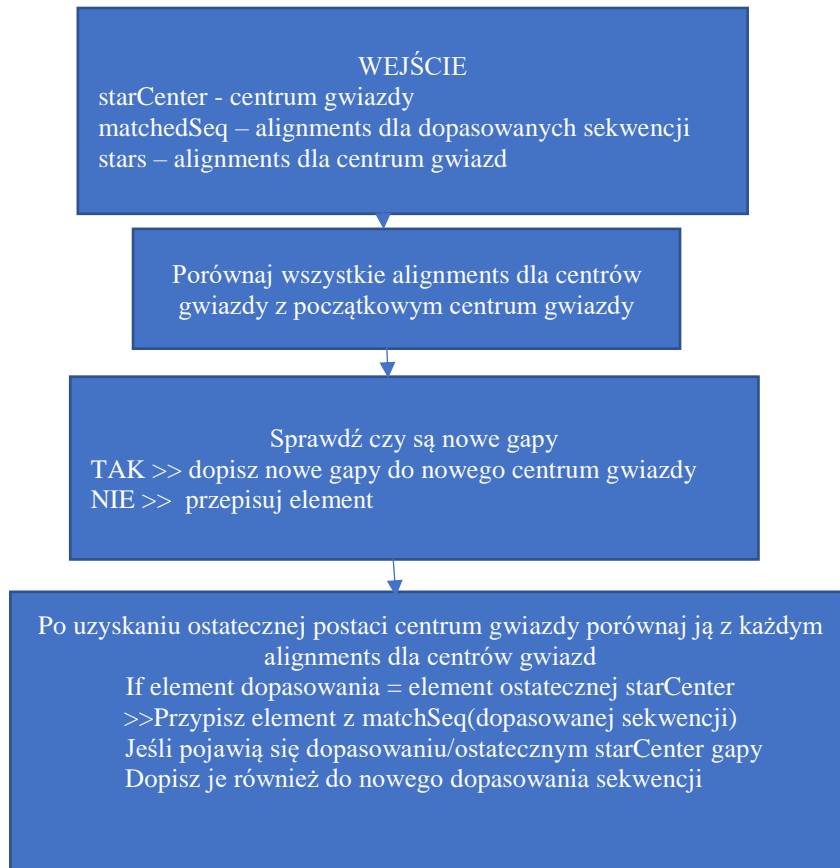
Rysunek 1 Funkcja *everyWithEvery.m*



Rysunek 2 Funkcja *sumScoresByRow.m*



Rysunek 3 Funkcja *starAlignment.m*



Rysunek 4 Funkcja *checkGaps.m*

2. Analiza złożoności obliczeniowej pamięciowej i czasowej

//TODO

3. Przykład dopasowania co najmniej 4 sekwencji ewolucyjnie powiązanych

//TODO