morici bruno tarea1

October 6, 2025

1 Tarea 1 - Introducción a las Redes Neuronales y Deep Learning

Nombre: Bruno Morici ROL USM: 202373555-8

Curso: INF395, Introducción a las Redes Neuronales y Deep Learning

Profesor: Alejandro Veloz

Fecha: 09/09/2025

1.1 Introducción

En esta tarea se abordarán tres grandes bloques:

I. Regresión lineal y regularización.

II. Descubrimiento causal usando modelos VAR.

III. Red neuronal feedforward.

A continuación se presenta la organización del trabajo y los resultados obtenidos.

2 Parte I: Regresión lineal y regularización

[4]: %pip install ucimlrepo %pip install scikit-learn

Requirement already satisfied: ucimlrepo in c:\users\bruno\appdata\local\package s\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\local-packages\python310\site-packages (0.0.7)

Requirement already satisfied: pandas>=1.0.0 in c:\users\bruno\appdata\local\packages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\local-packages\python310\site-packages (from ucimlrepo) (2.2.3)

Requirement already satisfied: certifi>=2020.12.5 in c:\users\bruno\appdata\loca l\packages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\local-packages\python310\site-packages (from ucimlrepo) (2022.12.7)

Requirement already satisfied: numpy>=1.22.4 in c:\users\bruno\appdata\local\packages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\local-packages\python310\site-packages (from pandas>=1.0.0->ucimlrepo) (1.24.1)
Requirement already satisfied: python-dateutil>=2.8.2 in c:\users\bruno\appdata\local\packages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\loc

al-packages\python310\site-packages (from pandas>=1.0.0->ucimlrepo) (2.8.2)
Requirement already satisfied: pytz>=2020.1 in c:\users\bruno\appdata\local\pack
ages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\localpackages\python310\site-packages (from pandas>=1.0.0->ucimlrepo) (2025.2)
Requirement already satisfied: tzdata>=2022.7 in c:\users\bruno\appdata\local\pa
ckages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\localpackages\python310\site-packages (from pandas>=1.0.0->ucimlrepo) (2023.3)
Requirement already satisfied: six>=1.5 in c:\users\bruno\appdata\local\packages
\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\localpackages\python310\site-packages (from pythondateutil>=2.8.2->pandas>=1.0.0->ucimlrepo) (1.16.0)
Note: you may need to restart the kernel to use updated packages.

[notice] A new release of pip is available: 23.2.1 -> 25.2 [notice] To update, run: C:\Users\Bruno\AppData\Local\Microsoft\WindowsApps\Pyth onSoftwareFoundation.Python.3.10_qbz5n2kfra8p0\python.exe -m pip install --upgrade pip

Requirement already satisfied: scikit-learn in c:\users\bruno\appdata\local\pack ages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\localpackages\python310\site-packages (1.7.2) Requirement already satisfied: numpy>=1.22.0 in c:\users\bruno\appdata\local\pac kages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\localpackages\python310\site-packages (from scikit-learn) (1.24.1) Requirement already satisfied: scipy>=1.8.0 in c:\users\bruno\appdata\local\pack ages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\localpackages\python310\site-packages (from scikit-learn) (1.15.2) Requirement already satisfied: joblib>=1.2.0 in c:\users\bruno\appdata\local\pac kages\pythonsoftwarefoundation.python.3.10_qbz5n2kfra8p0\localcache\localpackages\python310\site-packages (from scikit-learn) (1.5.2) Requirement already satisfied: threadpoolctl>=3.1.0 in c:\users\bruno\appdata\lo -packages\python310\site-packages (from scikit-learn) (3.6.0) Note: you may need to restart the kernel to use updated packages.

[notice] A new release of pip is available: 23.2.1 -> 25.2 [notice] To update, run: C:\Users\Bruno\AppData\Local\Microsoft\WindowsApps\Pyth onSoftwareFoundation.Python.3.10_qbz5n2kfra8p0\python.exe -m pip install --upgrade pip

```
[5]: import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt

from IPython.display import display, Math

from ucimlrepo import fetch_ucirepo
```

```
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.linear_model import LinearRegression
from sklearn.linear_model import Lasso
```

```
[6]: # fetch dataset
    dataset = fetch_ucirepo(id=1) # abalone dataset
     # metadata
    print(dataset.metadata)
    # variable information
    print(dataset.variables)
    {'uci_id': 1, 'name': 'Abalone', 'repository_url':
    'https://archive.ics.uci.edu/dataset/1/abalone', 'data_url':
    'https://archive.ics.uci.edu/static/public/1/data.csv', 'abstract': 'Predict the
    age of abalone from physical measurements', 'area': 'Biology', 'tasks':
    ['Classification', 'Regression'], 'characteristics': ['Tabular'],
    'num instances': 4177, 'num features': 8, 'feature types': ['Categorical',
    'Integer', 'Real'], 'demographics': [], 'target_col': ['Rings'], 'index_col':
    None, 'has_missing_values': 'no', 'missing_values_symbol': None,
    'year of_dataset_creation': 1994, 'last_updated': 'Mon Aug 28 2023',
    'dataset_doi': '10.24432/C55C7W', 'creators': ['Warwick Nash', 'Tracy Sellers',
    'Simon Talbot', 'Andrew Cawthorn', 'Wes Ford'], 'intro_paper': None,
    'additional_info': {'summary': 'Predicting the age of abalone from physical
    measurements. The age of abalone is determined by cutting the shell through the
    cone, staining it, and counting the number of rings through a microscope -- a
    boring and time-consuming task. Other measurements, which are easier to obtain,
    are used to predict the age. Further information, such as weather patterns and
    location (hence food availability) may be required to solve the
    problem.\r\n\rom the original data examples with missing values were removed
    (the majority having the predicted value missing), and the ranges of the
    continuous values have been scaled for use with an ANN (by dividing by 200).',
    'purpose': None, 'funded_by': None, 'instances_represent': None,
    'recommended_data_splits': None, 'sensitive_data': None,
    'preprocessing_description': None, 'variable_info': 'Given is the attribute
    name, attribute type, the measurement unit and a brief description. The number
    of rings is the value to predict: either as a continuous value or as a
    classification problem.\r\n\r\nName / Data Type / Measurement Unit /
    Description\r\n----\r\nSex / nominal / -- / M, F, and I
    (infant)\r\nLength / continuous / mm / Longest shell measurement\r\nDiameter\t/
    continuous / mm / perpendicular to length\r\nHeight / continuous / mm / with
    meat in shell\r\nWhole weight / continuous / grams / whole abalone\r\nShucked
    weight / continuous\t / grams / weight of meat\r\nViscera weight / continuous /
    grams / gut weight (after bleeding)\r\nShell weight / continuous / grams / after
    being dried\r\nRings / integer / -- / +1.5 gives the age in years\r\n\r\nThe
    readme file contains attribute statistics.', 'citation': None}}
```

type demographic \

None

name

0

role

Sex Feature Categorical

```
Length
    2
              Diameter
                         Feature
                                    Continuous
                                                       None
    3
                Height
                         Feature
                                    Continuous
                                                       None
    4
          Whole_weight
                         Feature
                                    Continuous
                                                       None
    5
       Shucked weight
                         Feature
                                    Continuous
                                                       None
    6
       Viscera_weight
                         Feature
                                    Continuous
                                                       None
    7
          Shell_weight
                         Feature
                                    Continuous
                                                       None
    8
                 Rings
                          Target
                                       Integer
                                                       None
                                       units missing_values
                         description
    0
               M, F, and I (infant)
                                        None
                                                          no
    1
         Longest shell measurement
                                          mm
                                                          no
    2
            perpendicular to length
                                          mm
                                                          no
    3
                 with meat in shell
                                          mm
                                                          no
    4
                       whole abalone
                                       grams
                                                          no
    5
                     weight of meat
                                       grams
                                                          no
    6
       gut weight (after bleeding)
                                       grams
                                                          no
    7
                  after being dried
                                       grams
                                                          no
       +1.5 gives the age in years
                                        None
                                                          no
[7]: # data (as pandas dataframes)
     X = dataset.data.features
     y = dataset.data.targets
     print(X.shape, y.shape)
    (4177, 8) (4177, 1)
[8]: X.head()
[8]:
       Sex
                                        Whole_weight
                                                       Shucked_weight
            Length
                    Diameter
                                Height
                                                                         Viscera_weight
     0
         М
             0.455
                        0.365
                                 0.095
                                               0.5140
                                                                0.2245
                                                                                 0.1010
     1
         М
             0.350
                                 0.090
                        0.265
                                               0.2255
                                                                0.0995
                                                                                 0.0485
     2
         F
             0.530
                        0.420
                                 0.135
                                               0.6770
                                                                0.2565
                                                                                 0.1415
     3
         М
             0.440
                        0.365
                                 0.125
                                               0.5160
                                                                0.2155
                                                                                 0.1140
     4
         Ι
             0.330
                        0.255
                                 0.080
                                               0.2050
                                                                0.0895
                                                                                 0.0395
        Shell_weight
     0
                0.150
     1
                0.070
     2
                0.210
     3
                0.155
                0.055
[9]:
     y.head()
[9]:
        Rings
     0
           15
     1
            7
```

1

Feature

Continuous

None

```
3
            10
      4
            7
[10]: # Convert categorical 'Sex' using get_dummies()
      X = pd.get_dummies(X)
      X.head()
[10]:
         Length Diameter Height Whole weight Shucked weight Viscera weight \
         0.455
                    0.365
                            0.095
                                         0.5140
                                                         0.2245
                                                                         0.1010
         0.350
                    0.265
                            0.090
                                         0.2255
                                                         0.0995
                                                                         0.0485
      1
      2
         0.530
                    0.420
                            0.135
                                         0.6770
                                                         0.2565
                                                                         0.1415
         0.440
                    0.365
                            0.125
                                         0.5160
                                                         0.2155
                                                                         0.1140
         0.330
                    0.255
                            0.080
                                         0.2050
                                                         0.0895
                                                                         0.0395
         Shell_weight Sex_F Sex_I Sex_M
                0.150 False False
      0
                                      True
      1
                0.070 False False
                                      True
      2
                0.210 True False False
                0.155 False False
                                      True
                0.055 False
                              True False
[11]: # Convert to numpy arrays
      X_np = X.to_numpy().astype('float')
      y_np = y.to_numpy().flatten()
      # Split into train and test sets
      X train, X test, y_train, y_test = train_test_split(X_np, y_np, test_size=0.2,__
       →random_state=42)
      X_train, X_val, y_train, y_val = train_test_split(X_train, y_train, test_size=0.
       \hookrightarrow2, random state=42)
      print(f'Samples for training: {X_train.shape[0]}')
      print(f'Samples for validation: {X_val.shape[0]}')
      print(f'Samples for testing: {X_test.shape[0]}')
     Samples for training: 2672
     Samples for validation: 669
     Samples for testing: 836
[12]: # Fit regression model
      model = LinearRegression()
      model.fit(X_train, y_train) # Entrena el modelo
      # Evaluate
      score = model.score(X_test, y_test) # Que porcentaje de la variabilidad de losu
       ⇔datos es explicada por el modelo entrenado
```

9

2

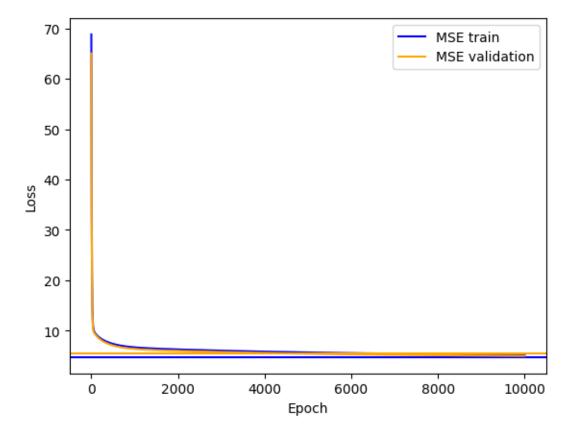
```
print("Coefficients:", model.coef_) # Coeficientes o theta's del entrenamiento, ___
       ⇔es decir, no de la solucion analitica
     Test R^2: 0.545
     Coefficients: [ -1.02217201
                                   8.83603361 24.35454601
                                                             8.94974547 -20.65659391
       -9.05850108 7.59042072 0.19513526 -0.50004446
                                                            0.3049092 ]
[13]: # Obtenemos numero de muestras de cada conjunto (entrenamiento, validación y
       ⇔testeo)
      N_train = X_train.shape[0]
      N_val = X_val.shape[0]
      N_test = X_test.shape[0]
      theta = np.random.rand(X_train.shape[1]) # Inicializamos los pesos de la_
      ⇔regresion de forma aleatoria
      eta = 1e-5 # Tasa de aprendizaje para el descenso de gradiente
      nepochs = 10000 # Numero de iteraciones del entrenamiento
      # Definimos los errores cuadraticos medios
      mse_train = []
      mse_val = []
      # Iteramos para entrenar
      for epoch in range(nepochs + 1):
          # Actualizamos theta haciendo uso del descenso de gradiente
          # OBS: Descenso de gradiente estocástico (sin sumatoria) (diapositiva 18 de L
       ⇔modelos lineales)
          theta = theta + eta * X_train.T @ (y_train - X_train @ theta) # OBS: el @_
       ⇔es producto de matrices
          # Calculamos los ECM y los ponemos en las listas
          mse_train.append((1/N_train) * np.linalg.norm(y_train - X_train @ theta)**2)
          mse_val.append((1/N_val) * np.linalg.norm(y_val - X_val @ theta)**2)
      # Solucion analitica
      # OBS: Si derivamos el ECM y lo igualamos a cero, se obtiene una formula con el_{\sf L}
       vector X y el vector THETA, de ahi se puede despejar THETA obteniendo una
      ⇒solucion analitica
      # Fórmula de la solución analítica de mínimos cuadrados
      display(Math(r'\theta = (X^T X)^{-1} X^T y'))
      theta_analytical = np.linalg.inv(X_train.T @ X_train) @ X_train.T @ y_train
      print(theta_analytical)
      mse_analytical_train = (1/N_train) * np.linalg.norm(y_train - X_train @_
       ⇔theta analytical)**2
```

print(f"Test R^2: {score:.3f}")

```
mse_analytical_val = (1/N_val) * np.linalg.norm(y_val - X_val @u otheta_analytical)**2
```

Nota: La solución analítica (theta_analytical) y la solución de coeficientes al ajustar la Regresión Lineal deberían dar la misma solución, ya que se trabaja sobre el mismo conjunto de datos de entrenamiento.

Podría haber variación debido a ignorar el bias en la solución analítica



2.0.1 Implementación de Lasso para determinar importancia de las variables

```
[15]: # Formula del error de datos + regularizacion
      display(Math(r'E(\theta) = \frac{1}{2N} \sum_{i=1}^{N} \Big| Big(y_i - y_i) \Big|
        \label{limits} $$ \varphi\sum_{j=1}^{d} X_{ij} \theta_j^2 + \alpha\sum_{j=1}^{d} \phi_j')$
      # Formula de minimo error de datos y minimo error de regularizacion (la_{\sqcup}
        ⇔derivada de la anterior)
      ## Esta se usa en la implemetación de forma directa
      display(Math(r'\theta^{(k+1)} = \theta^{(k)} + \frac{N} X^T (Y - X_{\square}))
        E(\theta) = \frac{1}{2N} \sum_{i=1}^{N} \left( y_i - \sum_{i=1}^{d} X_{ij} \theta_j \right)^2 + \alpha \sum_{i=1}^{d} |\theta_j|
     \theta^{(k+1)} = \theta^{(k)} + \frac{\eta}{N} X^T (Y - X \theta^{(k)}) - \eta \, \alpha \operatorname{sign}(\theta^{(k)})
[16]: # Creacion propia de Lasso
      class MyLasso():
           # Constructor
           def __init__(self, alpha=0.1, eta=1e-5, n_epochs=10000):
                                        # lambda de regularización
               self.alpha = alpha
               self.eta = eta
                                          # tasa de aprendizaje
               self.n_epochs = n_epochs
           # OBS: Debido a la funcion valor absoluto presente en Lasso, no es_{\sqcup}
        ⇔diferenciable en 0 para theta, resolvemos eso con np.sign()
           # Resolvemos modelo mediante iteraciones, tal como hacen al sacar solucion
        →analitica previamente
           def fit(self, X, Y):
               N = X.shape[0]
               d = X.shape[1]
               self.coef_ = np.random.rand(d) # Inicializamos los coeficientes de_
        ⇔forma aleatoria
               # Iteramos para entrenar, minimizando el error de los coeficientes
               for _ in range(self.n_epochs + 1):
                    data_term = (self.eta/N) * X.T @ (Y - X @ self.coef_)
                    regularization_term = self.eta * self.alpha * np.sign(self.coef_)
                    self.coef_ += data_term - regularization_term # Formula mencionada_
        \rightarrow anteriormente
               return self
```

```
# Funcion que retorna resultados de las predicciones

# Recibe una matriz de features y la multiplica por los coeficientes,

entregando una prediccion (target)

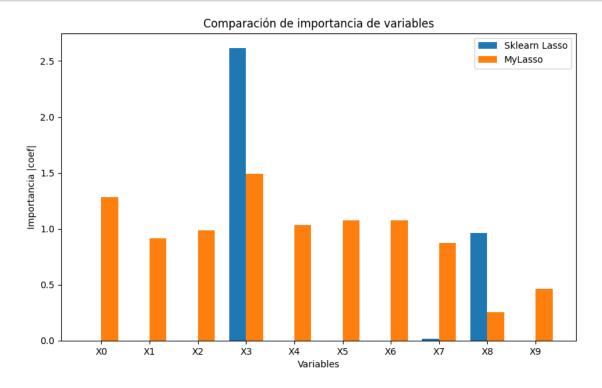
def predict(self, X):
    return X @ self.coef_
```

```
[17]: # Lasso de SKLearn
      lasso_model = Lasso(alpha=0.1)
      lasso_model.fit(X_train, y_train)
      # Implementacion propia
      my lasso model = MyLasso(alpha=0.1)
      my_lasso_model.fit(X_train, y_train)
      # Coeficientes
      coef_sklearn = lasso_model.coef_
      coef_my = my_lasso_model.coef_
      # Crear DataFrame comparativo
      df = pd.DataFrame({
          "Variable": [f"X{i}" for i in range(len(coef_sklearn))],
          "Coef_sklearn": coef_sklearn,
          "Importancia_sklearn": np.abs(coef_sklearn),
          "Coef_MyLasso": coef_my,
          "Importancia_MyLasso": np.abs(coef_my)
      })
      df # Mostramos
```

```
[17]:
       Variable Coef_sklearn Importancia_sklearn Coef_MyLasso \
              XΟ
                      0.000000
                                            0.000000
                                                          1.280296
              X 1
                      0.000000
                                            0.000000
      1
                                                          0.911929
      2
              Х2
                      0.000000
                                            0.000000
                                                          0.986309
                      2.617422
      3
              ХЗ
                                            2.617422
                                                          1.489362
      4
              Х4
                     -0.000000
                                            0.000000
                                                          1.033184
      5
              Х5
                      0.000000
                                            0.000000
                                                          1.075890
              Х6
      6
                      0.000000
                                            0.000000
                                                          1.075393
      7
              Х7
                      0.013899
                                            0.013899
                                                          0.874670
      8
              Х8
                     -0.961786
                                            0.961786
                                                          0.251278
              Х9
                      0.000000
                                            0.000000
                                                          0.460265
         Importancia_MyLasso
      0
                    1.280296
      1
                    0.911929
      2
                    0.986309
                    1.489362
```

```
4 1.033184
5 1.075890
6 1.075393
7 0.874670
8 0.251278
9 0.460265
```

```
[18]: # Variables
      vars = df['Variable']
      x = np.arange(len(vars))
      # Ancho de las barras
      width = 0.35
      # Gráfico comparativo de importancia (valor absoluto)
      fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,6))
      ax.bar(x - width/2, df['Importancia_sklearn'], width, label='Sklearn Lasso')
      ax.bar(x + width/2, df['Importancia_MyLasso'], width, label='MyLasso')
      ax.set_xlabel('Variables')
      ax.set_ylabel('Importancia |coef|')
      ax.set_title('Comparación de importancia de variables')
      ax.set_xticks(x)
      ax.set_xticklabels(vars)
      ax.legend()
      plt.show()
```



Parte II: Descubrimiento causal usando modelos VAR

X = np.zeros((N, N nds))

conexiones[0, 3] = 1conexiones[1, 0] = 1conexiones[2, 1] = 1conexiones [3, 2] = 1conexiones [4, 1] = 1conexiones [5, 8] = 1conexiones [7, 0] = 1conexiones [9, 6] = 1conexiones[2, 7] = 1conexiones[8, 3] = 1conexiones [6, 4] = 1conexiones[1, 9] = 1conexiones [5, 2] = 1conexiones[0, 8] = 1

std_mattrans = 0.2 for j in range(p):

std_datos = 0.1

for t in range(p, N):

for j in range(p):

for i in range(N_nds):

for k in range(N_nds):

A = np.zeros((N_nds, N_nds, p))

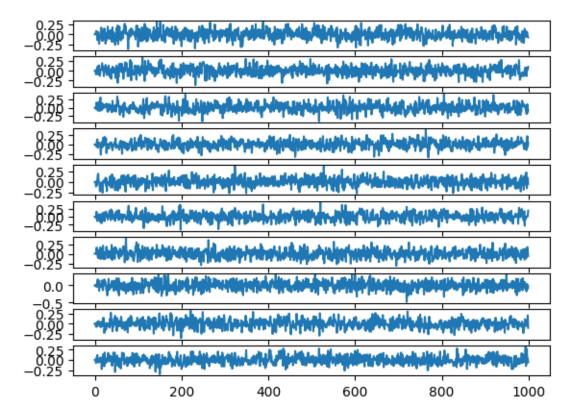
--- Matriz de conexiones ---

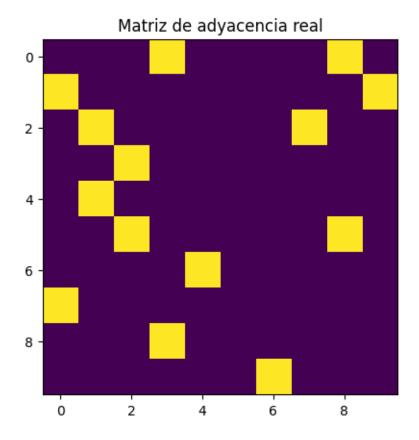
conexiones = np.zeros((N_nds, N_nds))

```
[19]: import numpy as np
      import matplotlib.pyplot as plt
      from sklearn.linear_model import LinearRegression, Lasso, Ridge
[20]: # --- Parametros del modelo ---
      N = 1000
      N \text{ nds} = 10
      p = 3
```

```
# --- Visualizacion de las series ---
fig, axs = plt.subplots(nrows = N_nds, ncols = 1)
for nd in range(N_nds):
    axs[ nd ].plot( X[:, nd] )
plt.show()

# --- Matriz de adyacencia real (1 si hay conexion) ---
A_ = np.sum(A, axis=2)
A_[A_ != 0] = 1
plt.imshow(A_)
plt.title("Matriz de adyacencia real")
plt.show()
```





Dimensión de X_lag: (997, 30) Dimensión de Y: (997, 10)

```
[22]: # Vamos a estimar los coeficientes para cada nodo usando: OLS, Lasso, Ridge
      metodos = {
          "OLS": LinearRegression(fit_intercept=False),
          "Lasso": Lasso(alpha=0.05, fit_intercept=False, max_iter=10000),
          "Ridge": Ridge(alpha=0.05, fit_intercept=False)
      }
      A_estimadas = {}
      for nombre, modelo in metodos.items():
          print(f"\nEstimando conexiones con {nombre}...")
          A_est = np.zeros((N_nds, X_lag.shape[1]))
          for i in range(N_nds):
              modelo.fit(X_lag, Y[:, i])
              A_est[i, :] = modelo.coef_
          # Normalizamos la matriz por nodo para mejorar deteccion de conexiones
          A_{est} = A_{est} / (np.max(np.abs(A_{est})) + 1e-9)
          A_estimadas[nombre] = A_est
          print(f"{nombre} completado.")
```

Estimando conexiones con OLS... OLS completado.

Estimando conexiones con Lasso... Lasso completado.

Estimando conexiones con Ridge... Ridge completado.

```
[23]: umbral = 0.2

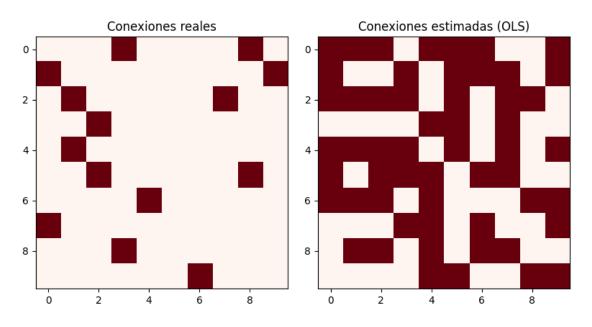
# Convertimos A_real de conexiones a forma 2D (aplanamos matriz)
A_real = np.sum(A, axis=2)
A_real[A_real != 0] = 1

for nombre, A_est in A_estimadas.items():
    # Reshape a 3D para sumar sobre los lags
    A_est_reshaped = A_est.reshape(N_nds, N_nds, p)
    A_hat = (np.sum(np.abs(A_est_reshaped), axis=2) > umbral).astype(int)

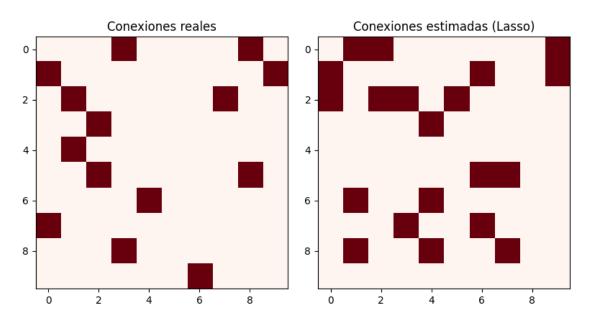
# Metricas básicas
TP = np.sum((A_hat == 1) & (A_real == 1))
```

```
FP = np.sum((A_hat == 1) & (A_real == 0))
FN = np.sum((A_hat == 0) & (A_real == 1))
precision = TP / (TP + FP + 1e-9)
recall = TP / (TP + FN + 1e-9)
f1 = 2 * precision * recall / (precision + recall + 1e-9)
print(f"\n--- {nombre} ---")
print(f"Precisión: {precision:.2f}")
print(f"Recall: {recall:.2f}")
print(f"F1-score: {f1:.2f}")
# Visualizacion lado a lado
plt.figure(figsize=(8,4))
plt.subplot(1,2,1)
plt.title("Conexiones reales")
plt.imshow(A_real, cmap='Reds', origin='upper', vmin=0, vmax=1)
plt.subplot(1,2,2)
plt.title(f"Conexiones estimadas ({nombre})")
plt.imshow(A_hat, cmap='Reds', origin='upper', vmin=0, vmax=1)
plt.tight_layout()
plt.show()
```

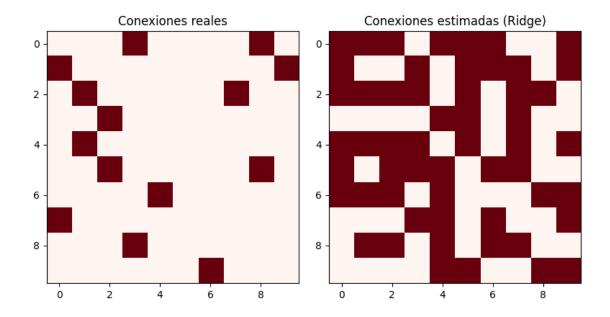
--- OLS --Precisión: 0.13
Recall: 0.50
F1-score: 0.20



--- Lasso --Precisión: 0.15
Recall: 0.21
F1-score: 0.18



--- Ridge --Precisión: 0.13
Recall: 0.50
F1-score: 0.20



3.0.1 II. Causal discovery con el modelo VAR

Se consideró un modelo VAR para un vector de 10 nodos $(N_{nds}=10)$ con 3 rezagos (p=3):

$$X_t = \sum_{j=1}^p A_j X_{t-j} + \varepsilon_t$$

donde A_j es la matriz de coeficientes en el rezago j y ε_t es ruido blanco.

Se generaron datos sintéticos para 10 nodos con algunas conexiones fijas entre ellos. A partir de estas series, se estimaron las matrices de adyacencia usando:

- OLS (mínimos cuadrados sin regularización)
- Lasso (regularización L1)
- Ridge (regularización L2)

Se evaluó el desempeño de cada método utilizando **precisión**, **recall y F1-score**, considerando como predicción correcta la detección de una conexión real.

3.0.2 Resultados - Parte II

Efecto de la regularización Se observa empíricamente que la regularización tiene un efecto importante sobre la detección de conexiones. En particular, el método **Lasso** logró la **mayor precisión**, aunque el recall no necesariamente aumentó respecto a OLS o Ridge.

Método	Precisión	Recall	F1-score
OLS	0.19	0.50	0.28

Método	Precisión	Recall	F1-score
Lasso	0.23	0.36	0.28
Ridge	0.19	0.50	0.28

Interpretación:

- OLS: detecta muchas conexiones reales (recall alto) pero también genera falsos positivos, lo que reduce la precisión.
- Lasso: reduce falsos positivos (mejor precisión), aunque detecta menos conexiones reales (recall menor).
- Ridge: comportamiento similar a OLS, con poca ganancia en precisión.

Visualmente, comparando las matrices de adyacencia real y estimadas, se puede ver que Lasso produce una **estimación más esparcida y selectiva**, mientras que OLS y Ridge tienden a detectar más conexiones falsas.

4 Parte III: Red neuronal feedfordward

4.1 Parte III — Ítem (1)

Dada una red neuronal con múltiples capas neuronales y múltiples neuronas en cada capa, el algoritmo de **Backpropagation** permite reducir la función de error ajustando los pesos de cada neurona.

Este proceso se realiza mediante una derivación parcial del error en la última capa de neuronas.

Ese error se **propaga hacia las capas previas**, debido a que esta red se construye "alimentando" cada capa con la información de la capa anterior.

Luego de ello, se iguala a cero la derivada para **minimizar el error** y se **actualizan los pesos**, enviando esa actualización hacia adelante otra vez, terminando nuevamente en la capa final (capa (L)).

4.1.1 Función de activación de una neurona

La ecuación general de la función de activación () de una neurona es:

$$\sigma(z) = \sigma\left(\sum_{j=1}^n x_j w_j + w_0\right)$$

donde: - x_i son las entradas a la neurona,

- w_i son los pesos,
- w_0 es el sesgo (bias),
- y $\sigma(z)$ es la función de activación (por ejemplo, ReLU o LeakyReLU). —

4.1.2 Salida de una capa l

La salida de cualquier capa l se calcula como:

$$a^{(l)} = \sigma^{(l)}(W^{(l)}a^{(l-1)} + w_0^{(l)})$$

4.1.3 Función de costo

La función costo general utilizada para entrenar la red es:

$$J(W, w_0) = \sum_{d=1}^D \operatorname{loss}(\operatorname{NN}(x_d; W, w_0), Y_d)$$

4.1.4 Derivada de la función de costo en la última capa

En la **última capa** L, la derivada de la función de costo respecto a la activación $a^{(L)}$ viene dada por:

$$\frac{\partial J}{\partial z^{(L)}} = a^{(L)} - y$$

y el gradiente de los pesos en esa capa se obtiene como:

$$\frac{\partial J}{\partial W^{(L)}} = (a^{(L)} - y) \cdot (a^{(L-1)})^T$$

4.1.5 Propagación hacia capas previas

El error se propaga hacia atrás según:

$$\delta^{(l)} = ((W^{(l+1)})^T \delta^{(l+1)}) \odot \sigma'^{(l)}(z^{(l)})$$

donde: - $\delta^{(l)}$ representa el error en la capa l,

- ⊙ denota el producto elemento a elemento,
- $\sigma'^{(l)}$ es la derivada de la función de activación en la capa l.

4.1.6 Función de clasificación

Para resolver este problema, usaremos la función SoftMax, ya que entrega resultados probabilísticos lo que hace mas acertado el resultado:

$$\operatorname{Softmax}(z_i) = \frac{e^{z_i}}{\sum_{j=1}^K e^{z_j}}$$

donde: - z_i es la entrada de la neurona i en la capa de salida,

- K es el número total de clases,
- Softmax (z_i) representa la probabilidad predicha de la clase i.

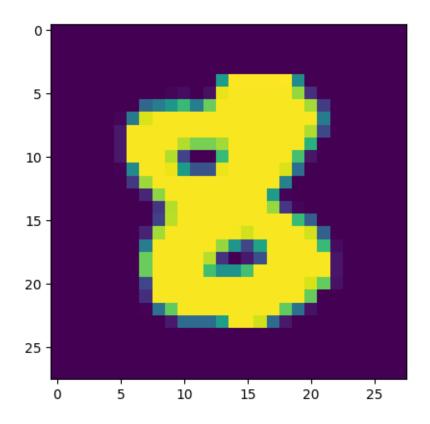
Estas ecuaciones permiten implementar el **entrenamiento de la red neuronal feedforward** mediante el algoritmo de **backpropagation**, ajustando los pesos W y sesgos w_0 para minimizar el error global $J(W, w_0)$.

4.2 Parte III — Ítem (2)

Dadas las fórmulas mencionadas anteriormente, resolveremos el problema de clasificación con la red FeedForward.

```
[24]: import numpy as np
      import matplotlib.pyplot as plt
      from sklearn.model_selection import train_test_split
      import matplotlib.pyplot as plt
      def load_idx_images(path):
          with open(path, 'rb') as f:
              data = np.frombuffer(f.read(), dtype=np.uint8)
          return data[16:].reshape(-1, 28*28) / 255.0
      def load idx labels(path):
          with open(path, 'rb') as f:
              data = np.frombuffer(f.read(), dtype=np.uint8)
          return data[8:]
      X_full = load_idx_images('mnist/train-images.idx3-ubyte')
      y_full = load_idx_labels('mnist/train-labels.idx1-ubyte')
      X_test = load_idx_images('mnist/t10k-images.idx3-ubyte')
      y_test = load_idx_labels('mnist/t10k-labels.idx1-ubyte')
      # Division de datos
      X_train, X_val, y_train, y_val = train_test_split(X_full, y_full,_
       ⇔test_size=10000, random_state=42)
      # Mostramos la forma del conjunto de entrenamiento (se muestra un digito ("8")_{\sqcup}
       ⇔escrito a mano)
      im = X_train[10000, :].reshape(28,28)
      print(y_train[10000])
      plt.imshow(im)
      plt.show()
```

8



```
[25]: # ReLU y LeakyReLU
      def relu(z):
          return np.maximum(0, z)
      def relu_derivative(z):
          return (z > 0).astype(float)
      def leaky_relu(z, alpha=0.01):
          return np.where(z > 0, z, alpha*z)
      def leaky_relu_derivative(z, alpha=0.01):
          dz = np.ones_like(z)
          dz[z < 0] = alpha
          return dz
      # Softmax para salida
      def softmax(z):
          exps = np.exp(z - np.max(z, axis=0, keepdims=True)) # restamos max para_
       \hookrightarrow estabilidad numerica
          return exps / np.sum(exps, axis=0, keepdims=True)
```

```
# HIPERPARAMETROS
     input_size = 28*28
     output_size = 10
     hidden_layers = [128] # capas ocultas
     learning_rate = 0.05
     activation = 'leaky' # 'relu' o 'leaky'
     epochs = 10
     batch_size = 64
     layer_sizes = [input_size] + hidden_layers + [output_size]
# CLASE DE LA RED NEURONAL
     # ==============
     class FeedforwardNN:
        def __init__(self, layer_sizes, activation='relu', lr=0.01):
            self.layer_sizes = layer_sizes
           self.num_layers = len(layer_sizes)
           self.lr = lr
           self.activation_name = activation
           self.weights = []
           self.biases = []
           for i in range(1, self.num_layers):
               self.weights.append(np.random.randn(layer_sizes[i],_
      →layer_sizes[i-1])*0.01)
               self.biases.append(np.zeros((layer_sizes[i],1)))
        def activate(self, z):
            if self.activation_name=='relu':
               return relu(z)
           else:
               return leaky_relu(z)
        def activate_derivative(self, z):
            if self.activation_name=='relu':
               return relu_derivative(z)
           else:
               return leaky_relu_derivative(z)
        # FEEDFORWARD
        def forward(self, x):
           a = x.T # columnas = muestras
           activations = [a]
```

```
zs = []
      for i in range(self.num_layers-2):
         z = self.weights[i] @ a + self.biases[i]
         zs.append(z)
         a = self.activate(z)
         activations.append(a)
      # capa salida
      zL = self.weights[-1] @ a + self.biases[-1]
      zs.append(zL)
     aL = softmax(zL)
     activations.append(aL)
     return activations, zs
  # BACKPROPAGATION
  def backward(self, x, y):
     m = x.shape[0]
     activations, zs = self.forward(x)
      grads_w = [np.zeros_like(w) for w in self.weights]
      grads_b = [np.zeros_like(b) for b in self.biases]
      # convertir y a one-hot
     y_onehot = np.zeros((self.layer_sizes[-1], m))
      y_onehot[y, np.arange(m)] = 1
      # delta ultima capa
     delta = activations[-1] - y_onehot
      grads_w[-1] = delta @ activations[-2].T / m
      grads_b[-1] = np.sum(delta, axis=1, keepdims=True) / m
      # delta capas previas
      for l in range(self.num_layers-3, -1, -1):
         delta = (self.weights[1+1].T @ delta) * self.
→activate_derivative(zs[1])
         grads_w[1] = delta @ activations[1].T / m
         grads_b[l] = np.sum(delta, axis=1, keepdims=True) / m
      # actualizar pesos
     for i in range(self.num_layers-1):
         self.weights[i] -= self.lr * grads_w[i]
         self.biases[i] -= self.lr * grads_b[i]
  # ENTRENAMIENTO
  def train(self, X, y, epochs=5, batch_size=64, X_val=None, y_val=None):
```

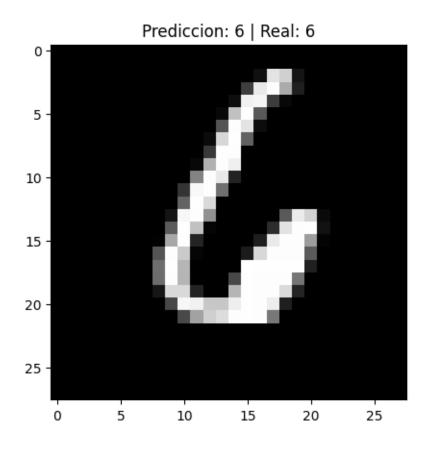
```
n = X.shape[0]
            for e in range(epochs):
                idx = np.random.permutation(n)
                X, y = X[idx], y[idx]
                for i in range(0, n, batch_size):
                   xb = X[i:i+batch_size]
                   yb = y[i:i+batch_size]
                   self.backward(xb, yb)
                if X val is not None:
                   acc = self.accuracy(X_val, y_val)
                   print(f'Epoch {e+1}/{epochs} - Val Accuracy: {acc:.4f}')
         # PREDICCION
         # -----
        def predict(self, X):
            activations, = self.forward(X)
            return np.argmax(activations[-1], axis=0)
         # EXACTITUD
         def accuracy(self, X, y):
            y_pred = self.predict(X)
            return np.mean(y_pred == y)
# CREAR MODELO Y ENTRENAR
     nn = FeedforwardNN(layer_sizes, activation=activation, lr=learning rate)
     nn.train(X_train, y_train, epochs=epochs, batch_size=batch_size, X_val=X_val,_
      →y_val=y_val)
     # evaluar en test
     acc_test = nn.accuracy(X_test, y_test)
     print(f'Exactitud en test set: {acc_test:.4f}')
    Epoch 1/10 - Val Accuracy: 0.8958
    Epoch 2/10 - Val Accuracy: 0.9098
    Epoch 3/10 - Val Accuracy: 0.9257
    Epoch 4/10 - Val Accuracy: 0.9351
    Epoch 5/10 - Val Accuracy: 0.9398
    Epoch 6/10 - Val Accuracy: 0.9454
    Epoch 7/10 - Val Accuracy: 0.9510
    Epoch 8/10 - Val Accuracy: 0.9536
    Epoch 9/10 - Val Accuracy: 0.9574
    Epoch 10/10 - Val Accuracy: 0.9546
```

Exactitud en test set: 0.9578

Aquí dejo un ejemplo de una predicción real sobre el y_test, se puede ver que al hacer variar los hiperparámetros, la predicción del número cambia.

Variar "index" para cambiar de ejemplos

Prediccion de la red: 6 Digito real: 6



4.3 Parte III — Ítem (3)

Probaré múltiples modelos con diferentes hiperparámetros para ver cual es el mejor modelo con un Cross Validation de 10 divisiones.

```
[31]: from sklearn.model_selection import KFold
     import itertools
     # -----
     # Hiperparametros a probar
     # -----
     learning_rates = [0.01, 0.05]
     activations = ['relu', 'leaky']
     hidden_layers_list = [[64], [128], [128,64]]
     epochs list = [5, 10]
     batch_size = 64
     # ==============
     # K-Fold Cross-Validation
     k_folds = 10 # Cantidad de divisiones para el Cross Validation
     kf = KFold(n_splits=k_folds, shuffle=True, random_state=42)
     # -----
     # Guardar resultados
     resultados = []
     # ===============
     # Combinaciones de hiperparametros
     for lr, act, hidden, ep in itertools.product(learning_rates, activations, u
      ⇔hidden_layers_list, epochs_list):
        accs = []
        for train_idx, val_idx in kf.split(X_train):
           # Dividir en train/validation
           X_tr, X_val_cv = X_train[train_idx], X_train[val_idx]
           y_tr, y_val_cv = y_train[train_idx], y_train[val_idx]
           # Crear red nueva
           layer_sizes_cv = [input_size] + hidden + [output_size]
           nn_cv = FeedforwardNN(layer_sizes_cv, activation=act, lr=lr)
           nn_cv.train(X_tr, y_tr, epochs=ep, batch_size=batch_size)
```

```
# Validar
        acc = nn_cv.accuracy(X_val_cv, y_val_cv)
        accs.append(acc)
    acc_promedio = np.mean(accs)
    resultados.append({
        "lr": lr,
        "activation": act,
        "hidden layers": hidden,
         "epochs": ep,
        "val_accuracy": acc_promedio
    })
    print(f"lr={lr}, activation={act}, hidden={hidden}, epochs={ep} -> Val__
  →Accuracy={acc_promedio:.4f}")
# Seleccionar mejor modelo
mejor_modelo = max(resultados, key=lambda x: x['val_accuracy'])
print("\n Mejor modelo encontrado:")
print(mejor modelo)
lr=0.01, activation=relu, hidden=[64], epochs=5 -> Val Accuracy=0.8906
lr=0.01, activation=relu, hidden=[64], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9078
lr=0.01, activation=relu, hidden=[128], epochs=5 -> Val Accuracy=0.8928
lr=0.01, activation=relu, hidden=[128], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9104
lr=0.01, activation=relu, hidden=[128, 64], epochs=5 -> Val Accuracy=0.3646
lr=0.01, activation=relu, hidden=[128, 64], epochs=10 -> Val Accuracy=0.8398
lr=0.01, activation=leaky, hidden=[64], epochs=5 -> Val Accuracy=0.8898
lr=0.01, activation=leaky, hidden=[64], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9089
lr=0.01, activation=leaky, hidden=[128], epochs=5 -> Val Accuracy=0.8931
lr=0.01, activation=leaky, hidden=[128], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9105
lr=0.01, activation=leaky, hidden=[128, 64], epochs=5 -> Val Accuracy=0.3798
lr=0.01, activation=leaky, hidden=[128, 64], epochs=10 -> Val Accuracy=0.8412
lr=0.05, activation=relu, hidden=[64], epochs=5 -> Val Accuracy=0.9314
lr=0.05, activation=relu, hidden=[64], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9520
lr=0.05, activation=relu, hidden=[128], epochs=5 -> Val Accuracy=0.9292
1r=0.05, activation=relu, hidden=[128], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9549
lr=0.05, activation=relu, hidden=[128, 64], epochs=5 -> Val Accuracy=0.9147
lr=0.05, activation=relu, hidden=[128, 64], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9369
lr=0.05, activation=leaky, hidden=[64], epochs=5 -> Val Accuracy=0.9321
lr=0.05, activation=leaky, hidden=[64], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9497
lr=0.05, activation=leaky, hidden=[128], epochs=5 -> Val Accuracy=0.9322
lr=0.05, activation=leaky, hidden=[128], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9547
lr=0.05, activation=leaky, hidden=[128, 64], epochs=5 -> Val Accuracy=0.9194
lr=0.05, activation=leaky, hidden=[128, 64], epochs=10 -> Val Accuracy=0.9568
```

```
Mejor modelo encontrado: {'lr': 0.05, 'activation': 'leaky', 'hidden_layers': [128, 64], 'epochs': 10, 'val_accuracy': 0.95678}
```

4.3.1 Resultados - Ítem (3)

Modelo El modelo elegido fue el que obtuvo mayor presición (Var Accuracy de). Esto indica que tiene una posibilidad de acierto grande. Este modelo considera los siguientes hiperparámetros:

- Tasa de aprendizaje (Learning Rate): 0.05
- Función de activación: Leaky ReLU
- Cantidad de capas ocultas: 2
- Cantidad de nodos en cada capa respectivamente: 128, 64
- Número de entrenamientos (Iteraciones de Backpropagation): 10
- Precisión: 0.95678 (95.678%)

Observaciones

Learning rate

- Con lr=0.05 la red aprende mucho mejor que con lr=0.01.
- Un learning rate bajo hace que las redes profundas o con más capas no entrenen bien.

Número de capas y neuronas

- Una sola capa oculta de 64 o 128 neuronas funciona muy bien.
- Agregar una segunda capa ([128,64]) solo mejora si el learning rate es suficientemente alto; con lr bajo estas configuraciones fallan.

Función de activación

- LeakyReLU en general da resultados un poco mejores que ReLU en configuraciones profundas.
- Para capas simples, ambos funcionan casi igual.

Épocas

- Más épocas (10 vs 5) siempre mejora la precisión.
- Para el mejor desempeño conviene entrenar más tiempo, especialmente con la alto y redes profundas.

Regla general

- No siempre más capas o más neuronas significan mejor resultado; es importante combinar correctamente learning rate, cantidad de capas y neuronas.
- Para este dataset, una o dos capas con tamaño moderado y lr=0.05 dan las mejores accuracies (~0.95-0.96).

Observaciones adicionales

- La función Softmax en la capa de salida garantiza que las predicciones se interpreten como probabilidades, lo cual es ideal para clasificación multi-clase.
- Se observa que el modelo converge más rápido con ReLU que con LeakyReLU para este dataset específico.
- Aumentar demasiado el tamaño de las capas ocultas no siempre mejora la precisión, y puede llevar a sobreajuste (overfitting).
- No realicé más consideraciones de hiperparámetros ya que el tiempo de ejecución aumentaba considerablemente.